보안 과제(),일반 과제(이) / 공개(이),비공개()발간등록번호(이) 작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업 2023년도 최종보고서

발간등록번호

11-1543000-004602-01

RPA probe assay를 이용한 주요작물의 식물병에 대한 현장진단 시스템개발

2024. 06. 12.

주관연구기관 / ㈜엘씨엠싸이언스 공동연구기관 / 강원대학교 산학협력단

농 림 축 산 식 품 부 (전문기관) 농림식품기술기획평가원

제출문

제 출 문

농림축산식품부 장관 귀하

본 보고서를 "RPA probe assay를 이용한 주요작물의 식물병에 대한 현장진 단 시스템 개발"(개발기간: 2021. 04. ~ 2023. 12.)과제의 최종보고서로 제출 합니다.

2024. 06. 05.



국가연구개발혁신법 제17조에 따라 보고서 열람에 동의합니다.

				:	최종	보고	서							일반 작물비	보안등 반[√], 바이러스	등급 보안[. 및 :] 변해
	중영	 알행정기관	명		농림	축산식	품부					사업	명	충대원	응 산업	화 기종	술개
							Trade Critere De			명				발사업			
	2 (1	한문기관명 해당시 작성)		거이	림식품:	기술기획	평가원	1			나 (히	역사 당시	업명 작성)	진	단기술	산업호	÷
		고그비수				0001	05-		총괄	연극	구개빌	날 식!	별번호				
		승고민오		^	1 강국	2021-	25 오		O	(히 1구기	개발기	(석성) 과제보	Нð		32110	5-3	
기 술	3	국가과학기 표준분류	술	1순위	소분류	코드명	%	2순	위 소통	- 류	코드	명 9	% 3 5	순위 소	분류 코	트명	%
분 류	분 유 농림식품과학기술분류			1순위	소분류	코드명	%	2순	위 소분	昰	코드	명 ?	6 35	순위 소	분류 코	드명	%
	총물	발연구개발	명	국	문												
-	(1	해당 시 작성)		80 T	문	-			- 100 4			-					
	연구	구개발과제	명	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	문 문	Develop	obe ass ment c	iay들 if fi	이용한 ield d	:个S iagn os u	요작물 osis sing	의 식 syste	불병에 C em for j probe a	비한 현 plant ssav	상진단 ^ disease	I스템 개 s of ma	발 ajor
				717	관명	엘씨	엠싸이	1언:	스(주)		Å	업지	등록번	호 	385-8	1-008	18
	주관	연구개발기	관	주	소	(우) 185 경기도 : 161-10	89 화성시	향님	읍 백	토리	ł	법인성	등록번호	Σ	110111	-63391	74
					성명	d the life 1	Lee	Hye	ong Wa	00		3	직위)	나장	
	0	연구책임자		연락차	직 전 전 전 전 전 전 전 전	방전화 10 교				-		휴[내전화	÷	4.4.5	50700	_
		1		저체	신 ^	가구원	202	9. 1	04 01	-	2023	12	<u> 구사면</u> 21 /	오기크	115	159730	
0	·	발기간 ····	다.7	4	1단계		202	1 0	04.01	- 3	2023	12	31 (1년	9개월)		
			(해당 시	작성)	2단계		202	3. (01. 01	-	2023	. 12	. 31 (1년	개월)		
	연구	개발비	정부	시원 개발비	기관	반부담 개발비	고지봐	외 :	기관 등	등의 기	지원 EF(금		합계		연구개	발티
	(단위	: 천원)	ê	금	현금	현물	혀글	1	혀물	혀	3 3	혀물	혀금	혀물	합계	지원	금
	Mu	총계	935	,000	6,700	175,600		0	0		0	0	941,700	175,60	0 1,117,30)	
1	다계	1년차	255	5,000	-	55,000		0	0		0	0	255,000	55,000	310,000		
	221	2년차	340	.000	-	60,300		0	0		0	0	340,000	60,300	400,300		
2	단계	<u>1년자</u> n년차	340	,000	6,700	60,300		0	0		0	0	346,700	60,300	407,000		
	공동연 (;;	구개발기관 해당시 작성)	는 등	기관	반명	책임	자		직위	-tot	후대전	호	전자위	2편	는 여하	 고 기과의	2.54
	공동	연구개발기	관	강원디	학교	홍진	성		교수						공동	대회	0
F	위탁	연구개발기	관	전남다	학교	정래	동		교수						위탁	대학	
ç	연구개	발기관 외	기관														
_	od =		CL.		성명			이술	찬	1		Ž	익위		ī	가장	
	친구	/기골임경/ 무단다지	Y	여라키	직장) 전화						帛C	H전화				_
실무담당자			2 - 1	전지	우편					국	가연	구자번	†	118	57212		

이 최종보고서에 기재된 내용이 사실임을 확인하며, 만약 사실이 아닌 경우 관련 법령 및 규정에 따라 제재처분 등의 불이익도 감수하겠습니다.

2024 년 05 월 30 일 E EONG SY 연구책임자: Lee Hyeong Woo 주관연구개발기관의 장: ㈜ 엘씨엠싸이언스 직언니 공동연구개발기관의 장: 강원대학교산학협력단장 위탁연구개발기관의 장: 전남대학교신학협력단장 (직인) 0 **랔단**[8 SE S 농림축산식품부장관·농림식품기술기획평가원장 귀하 9121810

※ 요약문은 5쪽 이내로 작성합니다.

	사업명	1 1 1	작물바여	<u>니</u> 이러스 등 개박사역	및 병 건	해충	대응 산업	총괄연구개 (해당 시	발 식 작성	별번호 g)						
	내역사업망 (해당 시 작성	년 성)	진단기술	술 산업:	화			연구개발	과제	번호	321005-3					
기 술	국가과학2 표준분-	기술 류	1순의	위 LA07	02	%	2순우	LB0304	%	3	3순위 LB0206	%				
분 류	농림식 과학기술	품 분류	1순위	02	%	2순우	RA0301	%	3	6순위 AA0299	%					
	총괄연구개발 (해당 시 작성	발명 성)		· · · · · · · · · · · · · · · ·												
	연구개발과제	베명	RPA pr	RPA probe assay를 이용한 주요작물의 식물병에 대한 현장진단 시스템 개발												
7	전체 연구개빌	기간		2021. 04. 01 - 2023. 12. 31												
	총 연구개빌	<u></u> 14	총 1, (정부: 지방지	117,300 지원연극 다치단체	0 천원 구개발 : 친	실 비:9: 신원,	35,000 천 그 외 기	년원, 기관부 지원금: 천위	·담연 원)	!구개빌	<u></u> 바비 : 182,300 친	<u>번</u> 원,				
	연구개발딘	계	기초[기타(위] 응 3가지에	용[해당되지] 개 이 않는	발[√] _{경우)[}]	기술성 (해당 시	성숙5 1 기	E 재)	착수시점 기준(종료시점 목표(3) 7)				
	연구개발과제 (해당 시 작:	유형 성)														
	연구개발과제 (해당 시 작:	특성 ^{성)}														
		Ž	희종 목표	Ē	식물통 검정	병 현경 체계	장진단 구축 를 구축하	시스템으로 기 며, 조기진단어	존 진 대 ⁻	단법의 한 과학	효용성의 한계를 극 적 근거 확보	복하는				
		2	전체 내용	제 내용 O 수요작물 KPA(Hecombinase Polymerase Amplification) probe 설계 (대상 바이러스; 과수류-6종, 화훼류-6종, 콩과-5종, 십자화과-4종, 가지과-5종) ORPA 적용을 위한 전처리 기술 개발 ORPA 적용법을 이용한 식물병 진단 시스템 개발												
				○RPA를 통한 진단 시스템의 효율성 검증 모표 중OTHE DDA state 선계 및 DDA권용은 이번 전원고객실												
목	연구개발 ¦표 및 내용	1 단 (해당 ·	난계 시 작성)	내용	주요작물 RPA probe 설계 및 RPA적용을 위한 전처리기술 개발 ○주요작물 RPA probe 설계 - 기존 식물병 진단 시스템에 대한 RPA 대체 방안 검토 - 주요작물의 주요 병원균별 RPA probe DB 구축 - RPA 분석이 적용 가능한 식물병(바이러스) 리스트 확정 ○RPA 적용을 위한 전처리 기술 개발 - 작물별 전처리 기술 개발 및 공정 확보											
				목표	RPA ?	적용법	법을 이용한	- 식물병 진단	시스	:템 개별	발					
		2년 (해당 ·	난계 시 작성)	내용	○RP/ - 작 - 작 - 주 - 주 ? ○RP/ - 정 - 전 - 진	▲ 적용 물별 요망 요작 설계 ▲를 통 신성, 7 신, 진 신, 진 문에	법을 이용 주요 바이러 주요 바이러 주요 바이러 에 대한 조 물(채소, 화 및 검증 당한 진단 / 정량 분석법 unostrip 등 단 시간 등 억용가능한 따른 비용	한 식물병 진 스 및 병충해에 러스 및 병충 기진단 및 시 하훼류, 과실류 시스템의 효율 PCR(Conventi 방법 등과 진단) 기준 마련 시간, 전문가	단 시 대한 해에 스템 · 등 (성 건 onal · 비고 · 활용	· 진단 프 대한 7 프로세 5건 이상 RT-PCR 2 및 분 성, 상	내발 프로세스 개발 및 체7 진단 한계 검증 스 구축 상)에 대한 현장진도 , Real-time RT-PCR 석(선택성, 재현성 품성 등에 대한 편역	훼 구축 上 공정) 방식 , 민감 ↓ 분석				
_			L , , , , , , , , , , , , , , , , , , ,					,		, 0						
Ç	연구개발성과	고 풍장	5 술: 4건 +표. (거													
		억굴님	ョ 표: 0긴													

	국외학을	술지발표	표: 4건	1										
	제품화:	18건												
	특허출원	원: 8건												
	기타(생	명정보	등록):	2건										
) 활용 - R - 스 신 - 스	용계획 PA 기법 식물바C 신속 정 식물바C	반 식))러스 밀 현))러스	물바이 2병에 2장진 2 국기	이러스 대한 [단에 가검역	는 현장 난 정밀 활용 텪대응을	정밀 진단 현장진단 을 위한 등	난 기법 법을 가 온기반	개빌 발ㅎ 현장	발 및 키! ŀ여 돌발 항정밀진[트 실 바이i 단법	용화에 러스 디 개발에	활 [.] 이이 원 활	용 _위 위한 용
연구개발성과 활용계획 및 기대 효과	() 기 - 스 - 스 - 스 - 스 - 스	 기대효과 식물바이러스 정밀 진단 플랫폼 구축으로 사용자 수요 맞춤 진단키트의 산업화 기대 식물바이러스 정밀 진단 기술 개발 및 관련 제품 생산으로 핵심 기술 역량 확보 및 관련 산업 활성화 식물바이러스 진단 미래시장 선점을 위한 기반기술 확보로 국내기업의 글로벌 진출을 위한 기술경쟁력 향상 식물바이러스 피해로 인한 노동 및 자본감소에 따른 농산업 효율성 강화 및 농가 수익 향상 												
	- 4	닉물바여	기러스	느 피히	해병	최소화	에 의한 등	5산업	효율	성 강화	및 닁	5가 수	익	향상
연구개발성과의														
미공개어구 및 사ㅠ									상	명자원			신·	품종
연구개발성과의 등록・기탁 건수	논문	특허	보고 원든	.서 로	연구 시설 •장비	기술 요약 정보	소프트 웨어	표준	생명 정도	성 생물 보 자원	- 화협	: 같물 ?	<u></u>	실물
	4	8	1	_				_	2					
여구시석 • 장비	구입 기관	연구· ·장	시설 비명	규: (모덜	·격 헬명)	수량	구입 연월일	구입기 (천원	ŀ격 │ !) │	구입처 (전화)	t (설키	비고 히장소)	- LIO	ZEUS ·록번호
종합정보시스템 등록 현황														
국문핵심어 (5개 이내)	재조합 효소	효소-중 중폭법	5합 님	바이코	러스 김	검출법	식물	병	Цо	온핵산증	동폭	Ċ	후대·	8
영문핵심어 (5개 이내)	PPA(Recombinase Virus detection Plant disease Isc Polymerase Amplification) method Plant disease amplification						sotherm ucleic a nplificat	al cid Portable		ble				

〈 목 차 〉

1.	연구개발과제의 개요	1
2.	연구개발과제의 수행 과정 및 수행내용	3
3.	연구개발과제의 수행 결과 및 목표 달성 정도	3
4.	목표 미달 시 원인분석	366
5.	연구개발성과 및 관련 분야에 대한 기여 정도;	367
6.	연구개발성과의 관리 및 활용 계획	368

별첨 자료 (참고 문헌 등)

1. 연구개발과제의 개요

■ 다양한 환경 변화에 따른 신·변종 작물 바이러스, 병해충의 증가로 생산성·품질 저하 등 경제 적 피해가 매우 큰 상황으로 관련 대응 체계 마련 필요

* 원예, 식량작물 등의 바이러스 감염 피해는 연간 약 1조원 수준(식물바이러스연구회) ** '00년 이후 34종(병 20종, 해충 14종)이 국내 유입되어 연간 5천억원 이상 피해

■ 신·변종 바이러스 등장 및 신규돌발 병해충 발생 증가에 따른 막대한 경제적 피해 발생

- 이 '15~'17년 3년간 전 세계적으로 국제저널에 보고된 신·변종 및 최초 보고된 바이러스는 총 734건이며, 동 기간 국내는 70건 보고
- 국제교역 증가, 해외 여행 확대 등 환경 변화로 기존의 연구 방식과 지원 체계로는 신·변종
 바이러스에 대응이 어려운 상황
- 국내에 발생하는 식물 바이러스는 약 200종으로 추정되며 이 중 '15년 이후에 신·변종 및
 국내 최초 보고 포함 약 100여종
- 최근 감자걀쭉바이로이드, 국화줄기괴저바이러스 등이 많은 경제 작물에 발생되어 작물 폐기 등
 방제 조치로 인한 경제적 피해 지속 발생
- 바이러스 발생시 국내 농가 피해는 물론, 국내 유입에 따른 분쟁 소지, 해당 농산물 수출 불
 가 및 수입·개방 압력 등의 문제 우려
- 농작물 바이러스병은 매년 발생하고 있음을 고려하면 동물 바이러스 병에 의한 경제적 손실
 보다 피해 수준이 더욱 심각
- * 식량, 원예작물 등에 바이러스가 감염되어 연간 최소 1조원의 피해발생 (참고 1, 2)

수준이 더욱 심각

* 식량, 원예작물 등에 바이러스가 감염되어 연간 최소 1조원의 피해발생 (참고 1, 2)

건전 PSTV4 감몀		
▶ 감자걀쭉병(PSTVd) * '08년 처음 발생, 국내 발생 피해액 100억원 규모('10년)	▶ 오이녹반모자이크바이러스 *'96년 발생으로 상주 관내 보상액 100억원 이상	▶ 붉은곰팡이병 *맥류, 옥수수, 벼 등 작물에 발생하는 심각한 병으로 수확 의 30% 감소 피해

<작물 바이러스·병해충 피해 사례>

- * 출처 : 2017 농작물 병해충 예찰 발제보고서(농진청)
- 외래유입 해충의 경우 1900년 이후 47종의 해충이 유입되었으며, '00년 ~'16년까지 총 14종이 유입되는 등 유입속도 증가추세
 - * 소나무재선충('88), 꽃매미('06), 선녀벌레('09), 갈색날카매미충('10), 깍지벌레류('15), 동백솜깍지벌레/ 작은벌집딱정벌레('16) 등이 유입되어 21,000 ha 이상의 농업 재배지 및 산림생태계 피해 유발
- 주요 농업 해충 피해 현황 조사 결과 갈색날개매미충, 미국선녀벌레, 꽃매미의 발생 빈도 및

피해 규모는 점차 증가 추세

- 꽃매미의 경우 '09년부터 집중 방제로 포장발생 및 피해는 감소 추세였으나, '16년 전국적으로 83개 시·군에서 발생, 전년보다 피해면적 2.2배 증가
 - * 꽃매미의 포도 가해에 대한 직·간접 피해액은 246억~979억 원으로 추정 (2017 농작물 병해충 예찰 발제보고서(농진청))
- 고위험성 식물병해충 발생 증가에 따른 국가 간 무역(수출) 감소
 - 기후변화, 교역 확대 등으로 인해 외래 신규 병해충 유입 및 피해가 증가하고 있으며, 고 위험 병해충 발생에 따른 검역 수요 및 국내 농산물 수출 감소에 지속적 영향을 미치고 있는 상황
 - 과수화상병 발생으로 사과 등에 대해 일본·호주는 수입금지조치, 대만은 무감염 증명서
 발급 농산물에 대한 조건부 수입 조치 발령
- 또한, 국가간 교역 확대에 따라 검역수요가 지속적으로 증가하는 상황에서 작물 바이러스의 해외 유입가능성이 상존하는 상황
 - * (수입검역 건수) '00년 7,594천건 → '17년 9,917천건(30.6% 증가)
- 이 식량안보와 안전한 농산물 생산을 위해 작물보호 기술개발에 국가 주도의 지속적이며 체 계적인 지원 필요
- • 작물보호연구는 기초 학문으로 연구 성과가 서서히 나타나고 기본적으로 식량 안전 생산, 국
 민 먹거리 제공을 위해 국가 주도의 추진 필요
- 국가별 바이러스 데이터베이스 구축 및 관련 연구가 활발하게 추진 중이며, 우리나라 또한
 예방 및 관리를 위한 빅데이터 구축 필요
- 현황조사, 진단, 방제, 바이러스 등 작물 바이러스의 예방 및 관리 전주기에 체계적인 기술개
 발을 추진하여 관리체계 구축 필요
- 아작물 질병 문제는 농산업 생산성 제고를 위해 시급한 해결과제이나 이를 극복하기 위한 민간 역량
 이 부족하여 정부 주도의 지원 필요
 - 주요 작물병해충 확산으로 농산업 현장에 많은 피해를 주고 있으나 민간의 관련 대응 기 술 역량 부족
- 아작물바이러스 및 병해충 대응 기술 작물보호제 개발 등 관련 핵심기술 역량 확보로 관련 산업 활성화 및 농가소득 증대에 기여
- 현장진단용 등온유전자증폭 RPA 진단키트 개발을 위한 유전자 확보 및 간편 현장 진단용 기기를 이용한 진단시스템 개발
- 핵심소재 및 기술의 국산화로 진단키트 생산 비용 절감에 따른 저가의 진단키트 보급 확대
- ㅇ 현장사용이 가능한 Recombinase Polymerase Amplification (RPA) 분자 진단키트개발

2. 연구개발과제의 수행 과정 및 수행 내용

1) 주관연구기관- ㈜ 엘씨엠싸이언스

- 국내외 작물별 식물바이러스 유전자 정보 확보
- 획득한 유전정보를 바탕으로 타겟 유전자들에 대한 인공 RNA합성
- 각 유전자원들의 RPA 진단용 후보 프라이머와 프로브들 제작
- 최적의 반응을 보이는 프라이머 프로브 세트 선별
- Real time PCR 머신과 T8 ISO UV scanner에 사용 가능한 정밀 진단을 위한 RPA real time detection kit 시제품 제작 (TwistDx, Exo liquid kit)
- Lateral flow detector를 이용한 RPA-LFD detection kit 시제품 제작 (TwistDx, nfo kit)
- 사이버그린을 이용한 end point 결과 분석용 RPA end point detection kit 시제품 제작 (TwistDx, Basic liquid kit)
- 인공 합성한 바이러스 RNA와 야외 식물바이러스들을 대상으로 한 진단검사 유용성 평가

2) 공동연구기관-강원대

○ 진단 대상 식물바이러스 수집, 바이러스 핵산 분리 및 보관

- In vitro RNA, 온실 수준 및 농가포장시료에 대한 진단검사 및 유용성 평가
- RPA 바이러스 진단제의 진단 능력 평가 및 임상 시험을 위한 바이러스 확보
- Lateral flow detector를 이용한 RPA-LFD detection kit에 대한 민감도와 특이도 평가 시험

3) 위탁연구기관-전남대

- 과수(감귤, 포도) 피해 바이러스 CTV, GFkV 국내외 분리주 염기서열 확보 및 분석
- CTV, GFkV 검출 특이적 Probe 제작 및 진단 테스트
- End point detection kit 개발

3. 연구개발과제의 수행 결과 및 목표 달성 정도

1) 정성적 연구개발성과

■ 주관연구기관- ㈜ 엘씨엠싸이언스 연구결과

1. Lily mottle virus (LMoV) - RPA probe 진단제 개발



genomic virus protein



- <그림 1-1> Genetic map and Symptom of Lily mottle virus (LMoV) (https://en.wikipedia.org/wiki/Lily_mottle_virus).
- 1) LMoV의 coat protein gene (18건)에 대한 유전자 분석 및 프라이머 프로브 디자인

	JQ361097.1	KC430330.1	KF958302.1	JN848599.1	JQ361093.1	JQ361103.1	JQ361089.1	KF417754.1	JQ361102.1	JN848600.1	JQ361096.1	JQ361098.1	MF781080.1	KF417755.1	JQ361090.1	JQ361094.1	JQ361091.1	JQ361095.1
JQ361097.1	$>\!$	99.8%	99.8%	98.9%	98.7%	98.7%	98.7%	99.3%	98.9%	99.1%	99.1%	99.1%	99.1%	99.0%	98.4%	98.4%	97.6%	97.7%
KC430330.1	99.8%	$>\!\!\!<$	99.8%	98.7%	98.4%	98.4%	98.4%	99.0%	98.7%	98.9%	98.9%	98.9%	98.9%	98.8%	98.2%	98.2%	97.3%	97.4%
KF958302.1	99.8%	99.8%	$>\!$	98.7%	98.4%	98.4%	98.4%	99.0%	98.7%	98.9%	98.9%	98.9%	98.9%	98.8%	98.2%	98.2%	97.3%	97.4%
JN848599.1	98.9%	98.7%	98.7%	$>\!$	98.5%	98.5%	98.5%	99.1%	98.8%	99.0%	99.0%	99.0%	99.0%	98.9%	98.5%	98.5%	97.7%	97.8%
JQ361093.1	98.7%	98.4%	98.4%	98.5%	$>\!$	100%	99.0%	98.9%	99.0%	99.3%	99.3%	99.3%	99.3%	99.1%	98.3%	98.3%	97.4%	97.6%
JQ361103.1	98.7%	98.4%	98.4%	98.5%	100%	$>\!$	99.0%	98.9%	99.0%	99.3%	99.3%	99.3%	99.3%	99.1%	98.3%	98.3%	97.4%	97.6%
JQ361089.1	98.7%	98.4%	98.4%	98.5%	99.0%	99.0%	$>\!$	98.9%	99.0%	99.3%	99.3%	99.3%	99.3%	99.1%	98.3%	98.3%	97.4%	97.6%
KF417754.1	99.3%	99.0%	99.0%	99.1%	98.9%	98.9%	98.9%	$>\!$	99.1%	99.4%	99.4%	99.4%	99.4%	99.3%	98.7%	98.7%	97.8%	97.9%
JQ361102.1	98.9%	98.7%	98.7%	98.8%	99.0%	99.0%	99.0%	99.1%	$>\!$	99.5%	99.5%	99.5%	99.5%	99.4%	98.5%	98.5%	97.7%	97.8%
JN848600.1	99.1%	98.9%	98.9%	99.0%	99.3%	99.3%	99.3%	99.4%	99.5%	$>\!$	99.8%	99.8%	99.8%	99.6%	98.8%	98.8%	97.9%	98.1%
JQ361096.1	99.1%	98.9%	98.9%	99.0%	99.3%	99.3%	99.3%	99.4%	99.5%	99.8%	$>\!$	99.8%	99.8%	99.6%	98.8%	98.8%	97.9%	98.1%
JQ361098.1	99.1%	98.9%	98.9%	99.0%	99.3%	99.3%	99.3%	99.4%	99.5%	99.8%	99.8%	$>\!$	99.8%	99.6%	98.8%	98.8%	97.9%	98.1%
MF781080.1	99.1%	98.9%	98.9%	99.0%	99.3%	99.3%	99.3%	99.4%	99.5%	99.8%	99.8%	99.8%	$>\!$	99.6%	98.8%	98.8%	97.9%	98.1%
KF417755.1	99.0%	98.8%	98.8%	98.9%	99.1%	99.1%	99.1%	99.3%	99.4%	99.6%	99.6%	99.6%	99.6%	$>\!$	98.7%	98.7%	97.8%	97.9%
JQ361090.1	98.4%	98.2%	98.2%	98.5%	98.3%	98.3%	98.3%	98.7%	98.5%	98.8%	98.8%	98.8%	98.8%	98.7%	$>\!$	100%	98.9%	99.0%
JQ361094.1	98.4%	98.2%	98.2%	98.5%	98.3%	98.3%	98.3%	98.7%	98.5%	98.8%	98.8%	98.8%	98.8%	98.7%	100%	$>\!$	98.9%	99.0%
JQ361091.1	97.6%	97.3%	97.3%	97.7%	97.4%	97.4%	97.4%	97.8%	97.7%	97.9%	97.9%	97.9%	97.9%	97.8%	98.9%	98.9%	$>\!$	99.6%
10361095.1	97 7%	97.4%	97 4%	97.8%	97.6%	97.6%	97.6%	97 9%	97.8%	98 1%	98 1 %	98 1%	98 1%	97 9%	99.0%	99.0%	99.6%	~

<그림 1-2> Comparison the homology of 18 cases of LMoV-CP genes.



<그림 1-3> Phylogenic tree of 18 cases of LMoV-CP genes.



<그림 1-4> Region of primer and probe of LMoV-CP genes.

LMoV2 - Primer and Probe

1. LMoV2-250 F:

5'-GACCAXXXXAGATATTXXXXAAATACAAGGTCAA-3'

2. LMoV2-445P:

5'-AGATCXXXAAGTTGXXXTCCTTTACGTCC[FAM-dT]A[THF]AC

[BHQ1-dT]TGAAXXXXAAAACC-3'Spacer C

3. LMoV2-553R:

5'-CTAAATTXXXXGCTTCTCAXXXTAAGCTTCAGC-3'

<그림 1-5> Candidate of primer and probe set of LMoV2-CP genes.

- LMoV isolates 18건에 대한 유전자를 분석한 결과, 3개의 그룹으로 나뉘었다 (그림 1-2, 3).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 3'쪽으로 여러개의 프라이머와 프로브 세트가 생성되었고, 중앙에 하나의 프라이머 프로브 세트 (빨간색 점선 박스)가 생성되어 이를 선정하여 인공합성하였다. 이 프라이머와 프로브 (Primer probe set; LMoV2-250F, LMoV2-445P, LMoV2-553R)의 특성을 평가하였다 (그림 1-4, 5).
- RPA Exo kit를 사용하여 다른 3종의 가지의 관련 바이러스들, Lily symptomless virus (LSV), Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV), Bean yellow mosaic virus (BYMV)와 교차 반응을 조사한 결과, LMoV에만 잘 반응하였다 (그림 1-6).
- Exo RT RPA 반응은 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시켰고 음성대조군인 증류수 와는 반응이 없었다 (그림 1-6).



<그림 1-6> RPA Exo-RT reaction of primer and probe set of LMoV with several viruses.
 ○ 최소검출한계 (ng/ul)를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10 ng 부터 0.01 pg 까 지 단계적 희석한 후 39℃에서 20분간 반응시킨 결과, 0.01 pg까지 검출이 되었다 (그림 1-7).



<그림 1-7> LoD (ng/ul) of RT-RPA reaction with LMoV primer and probe set.

○ 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 10분간 반응시킨 결과, 1000 copies까지 검출이 되었다 (그림 1-8).



<그림 1-8> LoD (copies/ul) of RT-RPA reaction with LMoV primer and probe set.

reagent	vo	lume
2x R Buffer	10 ul	80 ul
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
10x B	2 ul	16 ul
20x B	1 ul	8 ul
50x B	0.4 ul	3.2 ul
RT	0.4 ul	3.2 ul
LMoV2-250F	0.7 ul	5.6 ul
LMoV2-553R	0.7 ul	5.6 ul
LMoV2-445P 1pM	0.2 ul	2.4 ul
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
RNA	1.0 ul	1.0 ul
DW	1.3 ul	9.6 ul
Total	2	0 ul

No	Bacteria	result
1	Brevibacterium casei	Negative
2	Micrococcus luteus	Negative
3	Streptococcus pyogenes	Negative
4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
5	Serratia marcescens	Negative
6	Enterobacter aerogenes	Negative
7	Klebsiella oxytoca	Negative
8	Staphylococcus warneri	Negative
9	Proteus mirabilis	Negative
10	Citrobacter freundii	Negative
11	Enterococcus faecalis	Negative
12	Streptococcus agalactiae	Negative
13	Staphylococcus epidemidis	Negative
14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
15	Propionibacterium acnes	Negative
16	Dermabacter homins	Negative
17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
18	Distilled water	Negative
Positive control	LMoV - mRNA transcript	Positive





<그림 1-9> RPA Exo-RT reaction of primer probe set of LMoV with several bacteria.

- 17건의 박테리아에 대한 유전자와 반응에서는 LMoV2 primer와 probe 세트가 반응을 하지 않 아 100%의 특이도를 보였다 (그림1-9).
- 이상의 결과로 RT-RPA LMoV detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-10, 11).
- 엘씨엠싸이언스의 홈페이지에 올려서 시판을 시작하였다 (그림 1-12).



<그림 1-10> LMoV ER Detection kit.

LCM Science Co., Ltd

LCM-LMoV-ER-50

Lily symptomless virus (LMoV) ER-Detection Kit

50 rxn

Revision No.: LCM-LMoV-ER-0001 Issue Date: Aug 08, 2023 User Manual For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.yuglobal.wavework.kr, nova3546@lcmscience.co.kr 161-10 Baekto-ri Hyangnam-eup Hwaseong-si Gyeonggido South Korea. Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 speegene@gmail.com

1. General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based fluorescence monitoring.

2. Storage conditions

The kit should be kept -20 °C (Full activity is guaranteed for 6 months).

3. Application

The Lily mottle virus (LMoV) ER-Detection kit contains specially designed probe and primer set for amplification of LMoV coat protein gene to detect the LMoV viral RNA from specimens

4. Product Description

Most lilies are grown by vegetative propagation, bulbs may be infected with viruses and consequently transmit from one generation to the next. Moreover, there are more than 10 different viruses that cause lily crops of quality and quantity damage throughout the world. The Lily mottle virus (LMoV; genus Potyvirus, family Potyviridae), being widespread throughout China, is a non-enveloped, rod-shaped flexuous virus with a width of 11 to 15 nm and a length of 680 to 900 nm, LMoV infection is characterized by deformity, curling, mottling and necrotic of leaves along with necrotic spotting and deformation of flowers. LMoV-infected plants co-infected with Lily symptomless virus (LSV) may also show plant stunting as well as more severe foliar symptoms. LMoV can be transmitted through vegetative propagation, mechanically from plant to plant or by aphids.

The Lily mottle virus (LMoV) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use system for the detection of the Lily mottle virus by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx Ltd). The master contains enzymes and reagents including specific probe and primer sets which is specially designed to amplify the LMoV coat protein gene for the unique amplification of Lily mottle virus RNA within 15-20 min.

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent	CAP	Qty / 50 rxns
1	LMoV Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl
2	LMoV Probe	PRO	1 vial, 80 µl
3	LMoV Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl
5	LMoV Positive control	POS	1 vial, 50 µl
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml

6. Required Materials and Devices

Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner /CFX96 real time PCR/ Biological cabinet / Vortex mixer / Micropipets (0.5 – 1000 µl) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 µl) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Microcentrifuge / Biohazard waste container

7. Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits.

7.2. RPA reaction

No	Reagent	1 rxn	8 rxn
1	LMoV Enzyme Master Mix	14.0 μl	112 µl
2	LMoV Probe	1.5 µl	12.0 μl
3	LMoV Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 µl	12.8 μl
5	RNA	1.0 µl	Χ μΙ
Total		20.0 µl	160.0 μΙ

Use the reagents which are stored at -20 $^\circ\!\!\mathrm{C}$ after spin down briefly when those are melted before use. * Be careful of contamination when you use the positive control for

amplification

- 1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents
- according to the table below. 2) Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down. 3) Aliquot 19 µl of master mixture to each PCR tub
- 4) Add positive and negative control (DW) to each PCR tube. * It is highly recommended that the mixture for negative control should be made separately to avoid cross contamination
- 5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the bubble.
- 6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min. 7) Set the program as below table.

Step	No. of Cycle	Temperature	Duration
1	40	37-40 °C	30 sec

- 8) Plate setup
 - Set the fluorophores with FAM.
 - Type the sample names in the each tube. Unknown: clinical sample
 - * Negative control
 - * Positive control

8. Reading the Result

Exp. example



<Example of LMoV RT-RPA reaction at T8 UV scanner>

Case	Positive control	Negative control	LMoV RNA	Interpretation (Ct value)
1	+	-	+	LMoV Positive
2	+	-	-	LMoV Negative
3	+	+	+/-	
4	-	+	+/-	Invalid result / retest
5	-	-	+/-	

9. Warnings and Precaution

1) For research use only.

- 2) Carefully read this instruction before starting the procedure. 3) Clinical samples should be regarded as potentially infectious materials
- and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood.
- 4) Do not use the kit after its expiration date written on box.
- 5) Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may cause wrong test result.
- 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the tubes before use
- 7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.
- 8) Use always sterile pipette tips with filters 9) Wear separate coats and gloves in each area.
- 10) Collected test samples in sterile tubes.
- 11) Test samples should be extracted immediately or frozen at -20 $^\circ\!\!\mathbb{C}$ to -80 $^\circ\!\!\mathbb{C}.$





Lily mottle Virus (LMoV) ER-Detection Kit

Lily mottle Virus (LMoV) ER-Detection Kit

₩ 600,000

Lily Mottle Virus (LSV) ER-Detection Kit 는 TwistDx Ltd.에서 개발한 RPA (Recombinase Polymerase Amplification) 를 기반으로 한 제품입니다. RPA에서 생성된 증폭 산물은 프로브 기반 형광 모니터링을 통해 실시간으로 LMoV를 검출하는 분자진단제입니다.



600,000원

바로구매 장바구니

Lily Mottle Virus (LMoV) ER-Detection Kit

Research use only

제품스펙	주문정보	관련제품

사용목적

Lily Mottle Virus (LSV) ER-Detection Kit 는 TwistDx Ltd.에서 개발한 RPA (Recombinase Polymerase Amplification) 를 기반으로 한 제품입니다. RPA에서 생성된 증폭 산물은 프로브 기반 형 광 모니터링을 통해 실시간으로 LMoV를 검출하는 분자진단제입니다.

제품특징

- ・20분내 빠른 검사 결과 확인
- ・간편한 사용법
- ·빠른 시간대비 높은 민감도
- ·사용자를 위한 동영상 제공

Research use only

제품스펙

검체	LMoV 감염의심 작물
검사시간	15-20분 (핵산추출시간 제외)
민감도	10 ³ copies/ul
특이도	100%
보관온도	-20°C

Lily Mottle Virus (LMoV) ER-Detection Kit Research use only					
주문정보					
Cat. No.	제품명	보관온도	Test/Kit	가격	

Cat. No.	제품명	보관온도	Test/Kit	가격
LCM-LMoV- ER-50	Lily Mottle Virus (LSV) ER- Detection Kit	-20 °C	50T/Kit	₩600,000 (VAT 별도)

<그림 1-12> LMoV ER Detection kit in LCM science Homepage.

■ LMoV nfo detection kit - 공동연구기관 - 강원대 결과

1. LMoV2nfo-250F:

5'-GACCXXXXXCAGATATTTXXXATACAAGGTCAA -3'

2. LMoV2nfo-445P:

5'- [FAM]AGA TCA GCA XXX TGA ATT XXX TTT ACG TCC TA[THF]ACT XXX ACA CGC AAA ACC -C3 Spacer

3. LMoV2-553R:

5'- [Biotin] CTAAAXXXTTCTCAATATXXXGCTTCAGC -3'

<그림 1-13> RT-RPA nfo primer probe set of LMoV.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT LMoV primer & probe set를 응용하여 PCRD를 이용한 육안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe들을 합성하였다 (그림 1-13).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분간 반응시킨 후 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다 (그림 1-14).
- 4가지의 관련바이러스중에서 LMoV와만 반응을 하였다 (그림 1-14).
- 검출한계는 0.1 pg, 1000 copies/ul 까지 가능하였다 (그림 1-15, 16).



reagent	volume				
2x R Buffer	10 ul	80 ul			
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul			
10x B	2 ul	16 ul			
20x B	1 ul	8 ul			
50x B	0.4 ul	3.2 ul			
RT	0.4 ul	3.2 ul			
LMoV2nfo-250F	0.7 ul	5.6 ul			
LMoV2nfo-553R	0.7 ul	5.6 ul			
LMoV2nfo-445P 1pM	0.2 ul	2.4 ul			
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul			
RNA	1.0 ul	1.0 ul			
DW	1.3 ul	9.6 ul			
Total	20	ul			

<그림 1-14> RT-RPA nfo reaction with LMoV primer and probe set.

						Chef Deschold Bar Deschol
1	and the second second		ľ	1	1	2x R B
		(.)	0	0		100 m dNTP
	\smile	\sim				10x B
	1			T.		20x B
	2 C	2 C	2 C	12 C	120	50x B
				-		RT
	õ	õ	õ	õ	PC	LMoV2nfo
	8	RD	RD	RD	R	LMoV2nfo
	The second second	and the second second				LMoV2nfo 1pM
LoD	0.01 ng	1 pg	0.1 pg	0.01 pg	DW	MgOA
		T			1270	RNA
Result	i.	Ŧ		1		DW
						ALL ALL ALL

reagent	volume				
2x R Buffer	10 ul	80 ul			
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul			
10x B	2 ul	16 ul			
20x B	1 ul	8 ul			
50x B	0.4 ul	3.2 ul			
RT	0.4 ul	3.2 ul			
LMoV2nfo-250F	0.7 ul	5.6 ul			
LMoV2nfo-553R	0.7 ul	5.6 ul			
LMoV2nfo-445P 1pM	0.2 ul	2.4 ul			
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul			
RNA	1.0 ul	1.0 ul			
DW	1.3 ul	9.6 ul			
Total	20) <mark>ul</mark>			

<그림 1-15> LoD (ng/ul) of RT-RPA nfo reaction with LMoV primer and probe set.



reagent	volume				
2x R Buffer	10 ul	80 ul			
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul			
10x B	2 ul	16 ul			
20x B	1 ul	8 ul			
50x B	0.4 ul	3.2 ul			
RT	0.4 ul	3.2 ul			
LMoV2nfo-250F	0.7 ul	5.6 ul			
LMoV2nfo-553R	0.7 ul	5.6 ul			
LMoV2nfo-445P 1pM	0.2 ul	2.4 ul			
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul			
RNA	1.0 ul	1.0 ul			
DW	1.3 ul	9.6 ul			
Total	20 ul				

<그림 1-16> LoD (copies/ul) of RT-RPA nfo reaction with LMoV primer and probe set.

5 m	nin 10	min 15 m	in 20 min						reagent	vo	olume
+	- +	- +	- + -			LMoV-Tin	ne Course	11	2x R Buffer	10 ul	80 ul
P		HEF	AT AT		1000		$R^2 = 0.998$	37	100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
1+	51 19	4 4	(5 ¥ ×	e	000		Í		10x B	2 ul	16 ul
1	18 B.	A. 18-1		1 val	600-		m I		20x B	1 ul	8 ul
		1 miles		FAN	400 -				50x B	0.4 ul	3.2 ul
	5 12				200-	Ē	ΠĒ		RT	0.4 ul	3.2 ul
A	Image: State								LMoV2- 250F	0.7 ul	5.6 ul
						Time	(min)		LMoV2- 553R	0.7 ul	5.6 ul
			10		45		20		MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
Time		min	10	min	15	min	20	min	RNA	1.0 ul	1.0 ul
	27	20	217	95	572	2/1	774	222	DW	1.3 ul	16 ul
FAM	29	31	200	75	575	228	742	315	Total	ź	20 ul

<그림 1-17> LMoV RT-RPA end point detection kit according to the reaction time.



<그림 1-18> Limitation of detection (LoD, ng/ul)LMoV RT-RPA end point detection kit.

- 사이버그린을 이용한 LMoV end point detection kit는 반응 후 10분부터 음성과 양성을 구 별할 수 있었다 (그림 1-17).
- 최소검출한계 (ng/ul)를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10 ng 부터 0.01 pg 까 지 단계적 희석한 후 39℃에서 10분간 반응시킨 결과, 0.01 ng까지 검출이 되었다 (그림 1-18).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 10분간 반응시킨 결과, 100 copies까지 검출이 되었다 (그림 1-19).

○ 4가지 관련바이러스 (Lily symtomless virus, Bean yellow mosaic virus, Plantago asiatica mosaic virus)와 RPA 반응을 시켜본 결과 LMoV와만 잘 반응하였다 (그림 1-20).



reagent	vol	ume
2x R Buffer	10 ul	80 ul
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
10x B	2 ul	16 ul
20x B	1 ul	8 ul
50x B	0.4 ul	3.2 ul
RT	0.4 ul	3.2 ul
LMoV2- 250F	0.7 ul	5.6 ul
LMoV2- 553R	0.7 ul	5.6 ul
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
RNA	1.0 ul	1.0 ul
DW	1.3 ul	16 ul
Total	20) ul

<그림 1-19> Limitation of detection (LoD, ng/ul)LMoV RT-RPA end point detection kit.

LMoV-Field sample							reagent	volume			
i i	N. S.	1 L L		250 _T				P<0.0001 R ² =0.9789	2x R Buffer	10 ul	80 ul
			Ed I	200-		T	1	11 0.0100	100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
				ang 150 -	.				10x B	2 ul	16 ul
							20x B	1 ul	8 ul		
				LL 50-					50x B	0.4 ul	3.2 ul
			U	0					RT	0.4 ul	3.2 ul
				LNO	- 54 - 54	ormy " chi	DW WO	DW	LMoV2- 250F	0.7 ul	5.6 ul
					PIAN				LMoV2- 553R	0.7 ul	5.6 ul
									MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
	LMoV	LSV	PIAM	BYMV	+CTRL	DW	W/O	DW	RNA	1.0 ul	1.0 ul
		100	V+LSV						DW	1.3 ul	16 ul
FAM	147	132	132	122	207	121	121	107	Total	2	0 ul
	140	125	124	116	195	113	127	101			

<그림 1-20> RPA reaction of LMoV RT-RPA end point detection kit with several viruses.

2. Lily symptomless virus (LSV) - RPA probe 진단제 개발

LSV는 길이 640nm, 직경 17-18nm의 사상 바이러스 입자를 포함합니다. LSV의 게놈 RNA는 8,394 개의 뉴클레오티드(폴리(A) 테일 제외)로 구성되어 있으며 Mr 220 kDa(1,948 aa), 25 kDa(228 aa), 12 kDa(106 aa), 7 kDa(64 aa), 32 kDa(291 aa) 및 16 kDa(140 aa)는 각각 5'에서 3' 말단 에서 단일 가닥, 단일 가닥 및 센스 RNA 분자로 구성됩니다. ORF5(7140-8015nts)는 291aa의 CP 를 암호화하고 LSV의 게놈 RNA는 32kDa의 Mr을 갖는 단일 유형의 CP에 의해 캡슐화됩니다. carlavius 그룹의 3' 말단은 폴리(A) 테일과 연결되어 있습니다.











14	LC004126.1	MK649770.1	AM422452.2	HM222522.1	NC_005138.1	AM263208.1	GU440579.1
LC004126.1	$>\!$	84.6%	85.1%	85.2%	85.2%	85.7%	85.2%
MK649770.1	84.6%	$>\!$	96.7%	96.9%	97.0%	96.0%	96.7%
AM422452.2	85.1%	96.7%	$>\!$	98.5%	98.5%	96.9%	97.8%
HM222522.1	85.2%	96.9%	98.5%	$>\!$	98.8%	97.2%	98.1%
NC_005138.1	85.2%	97.0%	98.5%	98.8%	$>\!$	97.4%	98.4%
AM263208.1	85.7%	96.0%	96.9%	97.2%	97.4%	\geq	98.5%
GU440579.1	85.2%	96.7%	97.8%	98.1%	98.4%	98.5%	$>\!$

<그림 1-21> Homology distance of 6 cases of LSV isolates.



<그림 1-22> Phylogenic tree of 7 cases of LSV isolates.

	ю	4,000	4,500	5,000	5,500	6,000	6,500	7,000	7,500		8,000
Consensus Identity											
1. LC004126.1											
3. AM422452.2	1									M III	
4. HM222522.1	1							1 1	L L L	1	11
6. AM263208.1											
7. GU440579.1	TIL			11					r r	11	11

<그림 1-23> Region of RPA exo primer and probe set candidates of 6 cases of LSV isolates.

1. LSV-5,706 F :

5'- AGAAXXXXXAACAACCTAGTXXXTTGCATAGAT -3'

- 2. LSV-5,839 P:
 - 5'- TTG XXX XXX TAT AAT TGT CAA AAA TAA GCA [FAM-dT] C [THF] G [BHQ1-dT] TGA XXX CAG XXX TGC -3' Spacer C
- 3. LSV-5,913 R :
 - 5'- CCTAXXXTTCTAATCTXXXTGTTCCTXXXTAC -3'

<그림 1-24> RPA exo primer and probe set of 7 cases of LSV isolates.



<그림 1-25> Limitation of Detection (ng/ul) of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of LSV.



reagent	V	olume
2x R Buffer	10 ul	80 ul
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
10x B	2 ul	16 ul
20x B	1 ul	8 ul
50x B	0.4 ul	3.2 ul
RT	0.4 ul	3.2 ul
LSV-611F	0.7 ul	5.6 ul
LSV-817R	0.7 ul	5.6 ul
LSV-704P 1pM	0.2 ul	1.6 ul
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
RNA	1.0 ul	1.0 ul
DW	1.3 ul	16 ul
Total		20 ul



<그림 1-26> Limitation of Detection (copies/ul) of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of LSV.



<그림 1-27> RT-RPA exo reaction of LSV primer and probe set with several viruses.

reagent	volu	ıme
2x R Buffer	10 ul	80 ul
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
10x B	2 ul	16 ul
20x B	1 ul	8 ul
50x B	0.4 ul	3.2 ul
RT	0.4 ul	3.2 ul
LSV-611F	0.7 ul	5.6 ul
LSV-817R	0.7 ul	5.6 ul
LSV-704P 1pM	0.2 ul	1.6 ul
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
RNA	1.0 ul	1.0 ul
DW	1.3 ul	16 ul
Total	20	ul

No	Bacteria	result
1	Brevibacterium casei	Negative
2	Micrococcus luteus	Negative
3	Streptococcus pyogenes	Negative
4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
5	Serratia marcescens	Negative
6	Enterobacter aerogenes	Negative
7	Klebsiella oxytoca	Negative
8	Staphylococcus warneri	Negative
9	Proteus mirabilis	Negative
10	Citrobacter freundii	Negative
11	Enterococcus faecalis	Negative
12	Streptococcus agalactiae	Negative
13	Staphylococcus epidemidis	Negative
14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
15	Propionibacterium acnes	Negative
16	Dermabacter homins	Negative
17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
18	Distilled water	Negative
Positive control	LSV - mRNA transcript	Positive





- LSV isolates 7건에 대한 유전자를 분석한 결과, 분리주간 동질성이 85% 이상인 것으로 관찰 되었으나, LC004126.1변이주를 제외하면 분리주간 동질성은 96% 이상이었다 (그림 1-21, 22).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 3'쪽에서 프라이머와 프로브 세트 가 생성되어 그중에서 하나의 프라이머 프로브 세트를 선정하여 인공합성하였다. 이 프라이 머와 프로브 (Primer probe set; LSV-5706F, LSV-5839P, LSV-5913R)의 특성을 평가하였다 (그림 1-23, 24).
- 최소검출한계 (ng/ul)를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10 ng 부터 0.01 pg 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 20분간 반응시킨 결과, 0.01 pg까지 검출이 되었다 (그림 1-25).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 10분간 반응시킨 결과, 100 copies까지 검출이 되었다 (그림 1-26).
- RPA Exo kit를 사용하여 다른 3종의 관련 바이러스들, Lily mottle virus (LMoV), Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV), Bean yellow mosaic virus (BYMV)와 교차반응을 조사한 결과, LSV에만 잘 반응하였다 (그림 1-27).
- Exo RT RPA 반응은 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시켰고 음성대조군인 증류수와 는 반응이 없었다 (그림 1-27).
- 17건의 박테리아에 대한 유전자와 반응에서는 LSV primer와 probe 세트가 반응을 하지 않아 100%의 특이도를 보였다 (그림1-28).
- 이상의 결과를 바탕으로 RT-RPA LSV detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-29, 30).
- 엘씨엠싸이언스 홈페이지에 등록하여 시판을 실시하였다 (그림 1-31).



<그림 1-29> LSV ER detection kit.

LCM Science Co., Ltd

LCM-LSV-ER-50

Lily symptomless virus (LSV) ER-Detection Kit

Revision No.: LCM-LSV-ER-0001 Issue Date: Jul 07, 2023 User Manual For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.yuglobal.wayework.kr. nova3546@lcmscience.co.kr

161-10 Baekto-ri Hyangnam-eup Hwaseong-si Gyeonggido South Korea.

Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 speegene@gmail.com

1. General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based fluorescence monitoring.

2. Storage conditions

The kit should be kept -20 $^\circ\!\!\mathrm{C}$ (Full activity is guaranteed for 6 months).

3. Application

The Lity symptomless virus (LSV) ER-Detection kit contains specially designed probe and primer set for amplification of LSV gene to detect the LSV viral RNA from specimens.

4. Product Description

Lanzhou lily (L. davidii Duch. var) is an important bulb edible crop which mostly distributes in middle area of Gansu province in China. Virus infection caused serious reduction in production of Lanzhou lily and other economic corps in recent years. Lily symptomless virus (LSV; family, Genus Carlavirus, species) is the most prevalent virus infecting Lanzhou lily, and it has been reported in USA, Europe, Australia and Asia. It is also one of the most harmful viruses of lilies that causes severe losses in terms of quantity as well as quality of bulb and flower production. The host range of LSV is mostly distributed in genue Lilium, however, in one case reported in Altergameira. in genus Lillum, however, in one case reported in Alstroemeria. The observed abnormalities such as growth reduction, smaller flowers and lower bulb yield can be caused by combined infection with LSV and cucumber mosaic virus (CMV) which threatens the yield and commercial production of lily plants.

LSV contains a filamentous viral particle, 640 nm in length and 17-18 nm in diameter. The genomic RNA of LSV is constituted of 8,394 nucleotides (excluding the poly (A) tail) and contains six open reading frames (ORFs) coding for proteins of Mr 220 kDa (1,948 aa), 25 kDa (228 aa), 12 kDa (106 aa), 7 kDa (64 aa), 32 kDa (291 aa) and 16 kDa (140 aa) from the 5' to 3' end respectively, composed of monopartite, single-stranded, plus sense RNA molecules. The ORF5 (7140-8015 nts) encodes a CP of 291 aa and genomic RNA of LSV is encapsidated by the single type of CP with a Mr of 32 kDa. The 3' terminal of carlavius groups is linked with a not (A) tail group is linked with a poly (A) tail.

The Lily symptomless virus (LSV) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use system for the detection of the Lily symptomless virus by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx Ltd). The master contains enzymes and reagents including specific probe and primer sets which is specially designed to amplify the LSV gene for the unique amplification of Lily symptomless virus RNA within 15-20 min.

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent	САР	Qty / 50 rxns
1	LSV Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl
2	LSV Probe	PRO	1 vial, 80 µl
3	LSV Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl
5	LSV Positive control	POS	1 vial, 50 µl
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml

6. Required Materials and Devices

 $\begin{array}{l} \mbox{Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner / CFX96 real time PCR/\\ \mbox{Biological cabinet / Vortex mixer / Micropipets (0.5 - 1000 \mul) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 \mul) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Internet and Inte$ Microcentrifuge / Biohazard waste container

7. Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits.

7.2. RPA reaction

No	Reagent	1 rxn	8 rxn
1	LSV Enzyme Master Mix	14.0 µl	112 µl
2	LSV Probe	1.5 µl	12.0 µl
3	LSV Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 µl	12.8 µl
5	RNA	1.0 µl	Χ μΙ
Total		20.0 μl	160.0 μl

* Use the reagents which are stored at -20 °C after spin down briefly when those are melted before use.

* Be careful of contamination when you use the positive control for amplification.

1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents according to the table below.

2) Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down. 3) Aliquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.

4) Add positive and negative control (DW) to each PCR tube.

* It is highly recommended that the mixture for negative control should be made separately to avoid cross contamination.

5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the bubble.

6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min.

7) Set the program as below table.

Step	No. of Cycle	Temperature	Duration
1	40	37-40 ℃	30 sec

8) Plate setup

Set the fluorophores with FAM.

Type the sample names in the each tube.
 * Unknown: clinical sample

* Negative control

* Positive control

8. Reading the Result

Exp. example



<Example of LSV RT-RPA reaction at T8 UV scanner>

Interpretation (Ct value)	LSV RNA	Negative control	Positive control	Case
LSV Positive	+	-	+	1
LSV Negative	-	-	+	2
	+/-	+	+	3
Invalid result / retest	+/-	+	-	4
	+/-	-	-	5

9. Warnings and Precaution

- 1) For research use only.
- 2) Carefully read this instruction before starting the procedure. 3) Clinical samples should be regarded as potentially infectious materials
- and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood. 4) Do not use the kit after its expiration date written on box.
- 5) Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may cause
- wrong test result. 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the
- tubes before use. 7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.
- 8) Use always sterile pipette tips with filters.
- 9) Wear separate coats and gloves in each area. 10) Collected test samples in sterile tubes.
- 11) Test samples should be extracted immediately or frozen at -20 °C to -80 °C.



<그림 1-30> Insert of LSV ER detection kit.







Lily Symptomless Virus (LSV) ER-Detection Kit

Lily Symptomless Virus (LSV) ER-Detection Kit

₩ 600,000

Lily Symptomless Virus (LSV) ER-Detection Kit 는 TwistDx Ltd. 에서 개발한 RPA (Recombinase Polymerase Amplification) 를 기반으로 한 제품입니다. RPA에서 생성된 증폭 산물은 프로브 기반 형광 모니터링을 통해 실시간으로 LSV를 검출하는 분자진단제입니다.



Lily Symptomless Virus (LSV) ER-Detection Kit

Research use only

Lily Symptomless Virus (LSV) ER-Detection Kit는 감염된 작물로 부터 LSV를 검출하여 정량분석하는 연구용 제품 입니다.





...

Lily Symptomless Virus (LSV) ER-Detection Kit

Research use only

제푸스페	즈무저보	과려제푸
에 쓴 ㅋ	TLOL	다 다 에 곱

사용목적

Lily Symptomless Virus (LSV) ER-Detection Kit 는 TwistDx Ltd.에서 개발한 RPA (Recombinase Polymerase Amplification) 를 기반으로 한 제품입니다. RPA에서 생성된 증폭 산물은 프로브 기반 형 광 모니터링을 통해 실시간으로 LSV를 검출하는 분자진단제입니다.

제품특징

- · 20분내 빠른 검사 결과 확인
- · 간편한 사용법
- ·빠른 시간대비 높은 민감도
- ·사용자를 위한 동영상 제공

	Electric Vehicle	LCM SCIENCE	LCM Energy Solution Inc	FDA technology	products	community
--	------------------	-------------	-------------------------	----------------	----------	-----------

제품스펙

검체	LSV 감염의심 작물
검사시간	15-20분 (핵산추출시간 제외)
민감도	10 ² copies/ul
특이도	100%
보관온도	-20°C

Lily Symptomless Virus (LSV) ER-Detection Kit

Research use only

주문정보

Cat. No.	제품명	보관온도	Test/Kit	가격
LCM-LSV- ER-50	Lily Symptomless Virus (LSV) ER-Detection Kit	-20 °C	50T/Kit	₩600,000 (VAT 별도)

<그림 1-31> LSV ER Detection kit in LCM science Homepage.

■ LSV nfo detection kit - 공동연구기관 - 강원대 결과

1. LSVnfo-5,706 F :

5'- AGAAXXXXACAACCTAGTXXXXTGCATAGAT -3'

- 2. LSVnfo-5,839 P:
 - 5'- [FAM] TTG XXX XXX TAT AAT TGT CAA AAA TAA GCA C [THF] G TGA AAT CAG XXX -3' Spacer C
- 3. LSVnfo-5,913 R :

5'- [Biotin] CCTAXXXXCTAATCTAAXXXTCCTCATAC -3'

<그림 1-32> RT-RPA nfo primer probe set of LSV.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT LSV primer & probe set를 응용하여 PCRD을 이용한 육안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe들을 합성하였다 (그림 1-32).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분간 반응시킨 후 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.
- RPA nfo kit를 사용하여 다른 3종의 관련 바이러스들, Lily mottle virus (LMoV), Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV), Bean yellow mosaic virus (BYMV)와 교차반응을 조사한 결과, LSV가 혼합감염된 실험군에만 잘 반응하였다 (그림 1-33).
- 검출한계는 0.1 pg, 100 copies/ul 까지 가능하였다 (그림 1-34, 35).



종 특이도

reagent	volume			
2x R Buffer	10 ul	80 ul		
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul		
10x B	2 ul	16 ul		
20x B	1 ul	8 ul		
50x B	0.4 ul	3.2 ul		
RT	0.4 ul	3.2 ul		
LSVnfo-611F	0.7 ul	5.6 ul		
LSVnfo-817R	0.7 ul	5.6 ul		
LSVnfo-704P 1pM	0.2 ul	1.6 ul		
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul		
RNA	1.0 ul	1.0 ul		
DW	1.3 ul	16 ul		
Total	20 ul			

<그림 1-33> RT-RPA nfo reaction of LSV primer and probe set with several viruses.

	LoD (copies/ul)							
	PCRD	PCRD	• 12 c PCRD	• 12 c • PCRD		• HI PCRD		
LoD	10 ⁴	10 ³	10 ²	10 ¹	10 ⁰	DW		
Result	+	+	+	-	-	-		

reagent	volume			
2x R Buffer	10 ul	80 ul		
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul		
10x B	2 ul	16 ul		
20x B	1 ul	8 ul		
50x B	0.4 ul	3.2 ul		
RT	0.4 ul	3.2 ul		
LSVnfo-611F	0.7 ul	5.6 ul		
LSVnfo-817R	0.7 ul	5.6 ul		
LSVnfo-704P 1pM	0.2 ul	1.6 ul		
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul		
RNA	1.0 ul	1.0 ul		
DW	1.3 ul	16 ul		
Total	20 ul			

<그림 1-34> LoD (copies/ul) of RT-RPA nfo reaction with LSV primer and probe set.

			• 12 C PCRD	• 12 C PCRD	• 12 C PCRD	2 12C PCRD
LoD	0.1 ng	0.01 ng	1 pg	0.1 pg	0.01 pg	DW
Result	+	+	+	+	-	-

LoD (ng/ul)

reagent	volume			
2x R Buffer	10 ul	80 ul		
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul		
10x B	2 ul	16 ul		
20x B	1 ul	8 ul		
50x B	0.4 ul	3.2 ul		
RT	0.4 ul	3.2 ul		
LSVnfo-611F	0.7 ul	5.6 ul		
LSVnfo-817R	0.7 ul	5.6 ul		
LSVnfo-704P 1pM	0.2 ul	1.6 ul		
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul		
RNA	1.0 ul	1.0 ul		
DW	1.3 ul	16 ul		
Total	20 ul			

<그림 1-35> LoD (ng/ul) of RT-RPA nfo reaction with LSV primer and probe set.

5 min	10 min	15 min	20 min						reagent	vo	ume
+ -	+ -	+ -	+ -		e00	LSV-Time	Course <i>P</i> < 0.0001		2x R Buffer	10 ul	80 ul
5	5 K K	15 15	21 40						100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
	0 0 0	0 0		value					10x B	2 ul	16 ul
				FAM					20x B	1 ul	8 ul
							50x B	0.4 ul	3.2 ul		
								RT	0.4 ul	3.2 ul	
7	1 😈 🗑	7	7		Time (min)				LSV-611F	0.7 ul	5.6 ul
									LSV-817R	0.7 ul	5.6 ul
Timo	5 n	nin	10 1	nin	15	min	20	min	MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
Time	+	-	+	-	+	-	+	-	RNA	1.0 ul	1.0 ul
	156	68	368	149	524	229	491	322	DW	1.3 ul	16 ul
FAM	129	45	365	146	510	221	490	324	Total	20	0 ul
	129	45	305	146	510	221	490	324	lotar	2.	- ui

■ LSV end point detection kit - 위탁연구기관 - 전남대 결과

<그림 1-36> RT-RPA end point detection reaction of LSV primer set according to the time.



<그림 1-37> LoD (ng/ul) of LSV RT-RPA end point detection kit.


<그림 1-38> LoD (copies/ul) of LSV RT-RPA end point detection kit.



reagent	vo	lume
2x R Buffer	10 ul	80 ul
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
10x B	2 ul	16 ul
20x B	1 ul	8 ul
50x B	0.4 ul	3.2 ul
RT	0.4 ul	3.2 ul
LSV-611F	0.7 ul	5.6 ul
LSV-817R	0.7 ul	5.6 ul
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
RNA	1.0 ul	1.0 ul
DW	1.3 ul	16 ul
Total	2	0 ul

<그림 1-39> RT-RPA end point detection reaction of LSV primer set with several viruses.

- 사이버그린을 이용한 LSV end point detection kit는 반응 후 5분부터 음성과 양성을 구별 할 수 있었다 (그림 1-36).
- 최소검출한계 (ng/ul)를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10 ng 부터 0.01 pg 까 지 단계적 희석한 후 39℃에서 10분간 반응시킨 결과, 1 pg까지 검출이 되었다 (그림 1-37).

 ○ 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 10분간 반응시킨 결과, 100 copies까지 검출이 되었다 (그림 1-38).
 ○ 4가지 관련바이러스 (Lily symtomless virus, Bean yellow mosaic virus, Plantago asiatica mosaic virus)와 RPA 반응을 시켜본 결과 LSV 감염된 샘플과 잘 반응하였다 (그림 1-39).

3. Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV) - RPA probe 진단제 개발



○ Plantago asiatica mosaic virus(PIAMV)는 길이가 약 490~530nm, 너비가 10~15nm인 유연한 비리온을 가지고 있습니다. PIAMV의 게놈은 약 6.13kb의 단일 가닥 포지티브 센스 RNA로 구성됩 니다. 여기에는 추정 바이러스 중합효소(RdRp), 이동 단백질(삼중 유전자 블록 단백질, TGBp1-3) 및 외피 단백질(CP)을 각각 인코딩하는 5개의 open reading frame (ORF 1-5)이 포함되 어 있습니다.

○ PIAMV는 매우 넓은 숙주 범위를 가지며 Plantago asiatica, Nandina domestica, Rehmannia glutinosa 및 기타 잡초 식물을 포함한 다양한 야생 식물에서 분리되었습니다. 실험적으로 PIAMV는 Nicotiana benthamiana 및 Arabidopsis thaliana를 포함한 많은 식물 종을 감염시킬 수 있습니다. 또한 장식용 백합을 감염시키고 종종 심한 괴사 증상을 유발합니다. 그러나 숙주 범 위는 종 내에서 상당한 생물학적 다양성을 나타내는 분리주에 따라 다릅니다.

○ PIAMV는 계통발생학적 분석을 기반으로 5개의 클레이드로 분리될 수 있습니다. 뉴클레오타 이드 정체성은 다른 클레이드의 분리주 사이에서 상당히 낮습니다.

○ PIAMV는 생물학적 벡터에 의해 전파되는 것으로 보고되지 않았습니다. PIAMV의 비리온은 매 우 안정적이며 기계적 접촉에 의해 효율적으로 전파될 수 있습니다.

(<u>https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC9452766/)</u>

	LC15579	LC15579.	KY92370.	KU6973	NC_003	KU1590.	. KU1590.	. MH0258.	KT71732	KX24553.	LN7941	KU1590	. KU1590	. KU1590	AB3607	AB3607	AB3607	AB3607.,	AB3607	. AB3607	. AB3607
LC155795.1	$>\!\!<$	75.9%	76.3%	76.6%	75.9%	76.2%	76.0%	76.1%	76.1%	76.2%	76.2%	76.0%	76.1%	76.1%	76.2%	76.3%	76.6%	76.6%	76.6%	76.6%	76.5%
LC155796.1	75.9%	$>\!$	76.8%	77.8%	76.4%	76.7%	76.5%	76.5%	76.7%	76.7%	76.7%	76.6%	76.6%	76.6%	76.8%	76.8%	77.0%	77.0%	77.1%	77.0%	77.0%
KY923700.1	76.3%	76.8%	$>\!$	86.4%	85.7%	77.9%	77.6%	77.6%	77.6%	77.7%	77.7%	77.6%	77.7%	77.7%	77.8%	77.7%	77.8%	77.9%	77.9%	77.9%	77.9%
KU697313.1	76.6%	77.8%	86.4%	$>\!$	86.4%	78.1%	77.8%	77.9%	77.8%	77.9%	78.0%	77.9%	77.9%	77.9%	78.2%	77.8%	78.0%	78.0%	78.0%	77.9%	77.9%
NC_003849.1	75.9%	76.4%	85.7%	86.4%	$>\!$	77.6%	77.4%	77.4%	77.3%	77.4%	77.5%	77.4%	77.5%	77.4%	77.8%	77.1%	77.2%	77.3%	77.3%	77.3%	77.2%
KU159093.1	76.2%	76.7%	77.9%	78.1%	77.6%	$>\!$	98.8%	98.7%	98.8%	98.9%	99.0%	98.8%	98.9%	98.9%	85.7%	84.9%	85.0%	85.1%	85.1%	85.1%	85.0%
KU159092.1	76.0%	76.5%	77.6%	77.8%	77.4%	98.8%	\geq	99.2%	99.4%	99.5%	99.4%	99.4%	99.5%	99.4%	85.5%	84.7%	84.8%	84.9%	84.8%	84.8%	84.8%
MH025891.1	76.1%	76.5%	77.6%	77.9%	77.4%	98.7%	99.2%	\geq	99.3%	99.4%	99.4%	99.3%	99.4%	99.3%	85.5%	84.7%	84.8%	84.9%	84.9%	84.9%	84.8%
KT717325.1	76.1%	76.7%	77.6%	77.8%	77.3%	98.8%	99.4%	99.3%	\geq	99.6%	99.5%	99.5%	99.5%	99.5%	85.5%	84.7%	84.8%	84.9%	84.9%	84.9%	84.8%
KX245539.1	76.2%	76.7%	77.7%	77.9%	77.4%	98.9%	99.5%	99.4%	99.6%	\geq	99.7%	99.6%	99.7%	99.6%	85.7%	84.8%	84.9%	85.1%	85.0%	85.0%	84.9%
LN794199.1	76.2%	76.7%	77.7%	78.0%	77.5%	99.0%	99.4%	99.4%	99.5%	99.7%	\geq	99.6%	99.6%	99.6%	85.7%	84.9%	85.0%	85.2%	85.1%	85.1%	85.0%
KU159091.1	76.0%	76.6%	77.6%	77.9%	77.4%	98.8%	99.4%	99.3%	99.5%	99.6%	99.6%	\geq	99.6%	99.7%	85.6%	84.8%	84.9%	85.0%	85.0%	85.0%	84.9%
KU159089.1	76.1%	76.6%	77.7%	77.9%	77.5%	98.9%	99.5%	99.4%	99.5%	99.7%	99.6%	99.6%	\geq	99.9%	85.6%	84.7%	84.8%	84.9%	84.9%	84.9%	84.8%
KU159090,1	76.1%	76.6%	77.7%	77.9%	77.4%	98.9%	99.4%	99.3%	99.5%	99.6%	99.6%	99.7%	99.9%	$>\!$	85.6%	84.8%	84.9%	85.0%	84.9%	84.9%	84.9%
AB360796.1	76.2%	76.8%	77.8%	78.2%	77.8%	85.7%	85.5%	85.5%	85.5%	85.7%	85.7%	85.6%	85.6%	85.6%	$>\!$	91.3%	91,4%	91.5%	91,4%	91.5%	91,4%
AB360793.1	76.3%	76.8%	77.7%	77.8%	77.1%	84.9%	84.7%	84.7%	84.7%	84.8%	84.9%	84.8%	84.7%	84.8%	91.3%	$>\!$	99.5%	99.6%	99.5%	99.6%	99.5%
AB360795.1	76.6%	77.0%	77.8%	78.0%	77.2%	85.0%	84.8%	84.8%	84.8%	84.9%	85.0%	84.9%	84.8%	84.9%	91,4%	99.5%	\geq	99.8%	99.6%	99.7%	99.7%
AB360794.1	76.6%	77.0%	77.9%	78.0%	77.3%	85.1%	84.9%	84.9%	84.9%	85.1%	85.2%	85.0%	84.9%	85.0%	91.5%	99.6%	99.8%	\geq	99.8%	99.9%	99.8%
AB360791.1	76.6%	77.1%	77.9%	78.0%	77.3%	85.1%	84.8%	84.9%	84.9%	85.0%	85.1%	85.0%	84.9%	84.9%	91,4%	99.5%	99.6%	99.8%	\geq	99.9%	99.9%
AB360790.1	76.6%	77.0%	77.9%	77.9%	77.3%	85.1%	84.8%	84.9%	84.9%	85.0%	85.1%	85.0%	84.9%	84.9%	91.5%	99.6%	99.7%	99.9%	99.9%	$>\!$	99.9%
AB360792.1	76.5%	77.0%	77.9%	77.9%	77.2%	85.0%	84.8%	84.8%	84.8%	84.9%	85.0%	84.9%	84.8%	84.9%	91,4%	99.5%	99.7%	99.8%	99.9%	99.9%	\geq

<그림 1-40> Homology distance of 21 cases of PIAMV isolates.



<그림 1-41> Phylogenic tree of 21 cases of PIAMV isolates.

1. **PIAMV** - 4,195 F :

5'- CAGGXXXXXGTTCGTXXXXTTAGTTAAGTTC-3'

- 2. **PIAMV** 4,229 P :
 - 5'- TCG XXX XXX AGT TAA GTT CGG TGG TTC ACC [FAM-dT] T [THF] CC [BHQ1-dT] TAX XXX AAC ATG -3' Spacer C

3. **PIAMV** - 4,304 R :

5'- TAGTTXXXXGAAAGTTXXXXGATGTTAGTGC -3'

<그림 1-42> Region of RPA exo primer and probe set candidates of 21 cases of PIAMV isolates.

	00	1,000	1,500	2,000	2,500	3,000	3,500	4,000	4,500	5,000	5,500	6,139
												N
Consensus								M				M
Identity		il and in the second			and provided to the	-in former and	,	menener,	and and the second s	and the state of the	a di pita a términén	
1. LC155795.1												
2. LC155796.1												
3. KY923700.1 // KU607313.1												
5. NC 003849.1												
6. KU159093.1												TILITI
7. KU159092.1	11 10 10											
8. MH025891.1												MINT H
9. KT717325.1	1 11 11											ШШН
10. KX245539.1												
11. LN/94199.1												
12. KU159091.1												
14 KU1590901												
15. AB360796.1												
16. AB360793.1												
17. AB360795.1												
18. AB360794.1												
19. AB360791.1												
20. AB360790.1												
21. AB360792.1												

<그림 1-43> RPA exo primer and probe set of 21 cases of PIAMV isolates.



reagent	vol	ume
2x R Buffer	10 ul	80 ul
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
10x B	2 ul	16 ul
20x B	1 ul	8 ul
50x B	0.4 ul	3.2 ul
RT	0.4 ul	3.2 ul
PIAMV - 4,195 F	0.7 ul	5.6 ul
PIAMV - 4,304 R	0.7 ul	5.6 ul
PIAMV - 4,229 P 1pM	0.2 ul	1.6 ul
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
RNA	1.0 ul	1.0 ul
DW	1.3 ul	16 ul
Total	20) ul



<그림 1-44> Limitation of Detection (ng/ul) of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of PIAMV.



reagent	volu	ume
2x R Buffer	10 ul	80 ul
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
10x B	2 ul	16 ul
20x B	1 ul	8 ul
50x B	0.4 ul	3.2 ul
RT	0.4 ul	3.2 ul
PIAMV - 4,195 F	0.7 ul	5.6 ul
PIAMV - 4,304 R	0.7 ul	5.6 ul
PIAMV - 4,229 P 1pM	0.2 ul	1.6 ul
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
RNA	1.0 ul	1.0 ul
DW	1.3 ul	16 ul
Total	20	ul



<그림 1-45> Limitation of Detection (copies/ul) of RPA Exo-RT reaction with primer and probe set of PIAMV.

reagent	volu	ime
2x R Buffer	10 ul	80 ul
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
10x B	2 ul	16 ul
20x B	1 ul	8 ul
50x B	0.4 ul	3.2 ul
RT	0.4 ul	3.2 ul
PIAMV - 4,195 F	0.7 ul	5.6 ul
PIAMV - 4,304 R	0.7 ul	5.6 ul
PIAMV - 4,229 P 1pM	0.2 ul	1.6 ul
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
RNA	1.0 ul	1.0 ul
DW	1.3 ul	16 ul
Total	20	ul

No	Bacteria	result
1	Brevibacterium casei	Negative
2	Micrococcus luteus	Negative
3	Streptococcus pyogenes	Negative
4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
5	Serratia marcescens	Negative
6	Enterobacter aerogenes	Negative
7	Klebsiella oxytoca	Negative
8	Staphylococcus warneri	Negative
9	Proteus mirabilis	Negative
10	Citrobacter freundii	Negative
11	Enterococcus faecalis	Negative
12	Streptococcus agalactiae	Negative
13	Staphylococcus epidemidis	Negative
14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
15	Propionibacterium acnes	Negative
16	Dermabacter homins	Negative
17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
18	Distilled water	Negative
Positive control	PIAMV - mRNA transcript	Positive



<그림 1-46> RPA Exo-RT reaction of primer and probe set of PIAMV with several bacteria.



<그림 1-47> RPA Exo-RT reaction of primer and probe set of PIAMV with several viruses.

- PIAMV isolates 21건에 대한 유전자를 분석한 결과, 크게 세 개의 그룹으로 나누어지고 있었 으나 분리주 간에 크게는 25%이상의 변이가 관찰되었다 (그림 1-41, 42).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 3'쪽에서 프라이머와 프로브 세트 가 생성되어 그중에서 하나의 프라이머 프로브 세트를 선정하여 인공합성하였다. 이 프라이 머와 프로브 (Primer probe set; PIAMV-4195F, PIAMV-4229P, PIAMV-4304R)의 특성을 평가하 였다 (그림 1-43).
- 최소검출한계 (ng/ul)를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10 ng 부터 0.01 pg 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 20분간 반응시킨 결과, 0.01 pg까지 검출이 되었다 (그림 1-44).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 10분간 반응시킨 결과, 1 copies까지 검출이 되었다 (그림 1-45).
- 17건의 박테리아에 대한 유전자와 반응에서는 PIAMV primer와 probe 세트가 반응을 하지 않 아 100%의 특이도를 보였다 (그림1-46).
- RPA Exo kit를 사용하여 다른 3종의 관련 바이러스들, Lily mottle virus (LMoV), Lily symptomless virus (LSV), Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV), Bean yellow mosaic virus (BYMV)와 교차반응을 조사한 결과, PIAMV에만 잘 반응하였다 (그림 1-47).
- Exo RT RPA 반응은 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시켰고 음성대조군인 증류수와 는 반응이 없었다 (그림 1-47).
- 이상의 결과로 RT-RPA PIAMV detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-48, 49).
- 엘씨엠싸이언스 홈페이지에 등록하여 시판을 실시하였다 (그림 1-50).



<그림 1-48> PIAMV ER detection kit.

LCM Science Co., Ltd

LCM-PIAMV-ER-50

Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV) ER-Detection Kit

50 rxn

Revision No.: LCM-PIAMV-ER-0001 Issue Date: Jul 03, 2023 User Manual For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.yuglobal.wavework.kr, nova3546@lcmscience.co.kr 161-10 Baekto-ri Hyangnam-eun Hwaseong-si Gyeonggido South Korea.

Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 speegene@gmail.com

1. General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based fluorescence monitoring.

2. Storage conditions

The kit should be kept -20°C (Full activity is guaranteed for 6 months).

3. Application

The Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV) ER-Detection kit contains specially designed probe and primer set for amplification of PIAMV gene to detect the PIAMV viral RNA from specimens.

4. Product Description

Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV) has flexuous virions of approximately 490-530 nm Financia assists a mosane vines (r1240) finas nextuots vinuous of approximately 490–300 in in length and 10–15 mm in width. The genome of PlAMV consists of a single-stranded, positive-sense RNA of approximately 6.13 kb. It contains five open reading frames (ORFs 1–5), encoding a putative viral polymerase (RdRp), movement proteins (triple gene block proteins, TGBp1-3), and coat protein (CP), respectively.

proteins, TGBp1-3), and coat protein (CP), respectively. PIAMV has an exceptionally wide host range and has been isolated from various wild plants, including Plantago asiatica, Nandina domestica, Rehmannia glutinosa, and other weed plants. Experimentally PIAMV can infect many plant species including Nicotiana benthaminan and Arabidopsis thaliana. It also infects ornamental lilles and frequently causes severe necrotic symptoms. However, host range varies depending on isolates, which show significant biological diversity within the species. PIAMV is not reported to be transmitted by biological vectors. Virions of PIAMV are quite stable and it can be transmitted efficiently by mechanical contact. PIAMV sources red-rusted systemic necrosis in ornamental lilles, but it shows much weaker, if any, symptoms in wild plants such as P. asiatica. PIAMV can be separated into five clades based on phylogenetic analyses; nucleotide identities are significantly low between isolates in the different clades. different clades.

unterent chades. The Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use system for the detection of the Plantago asiatica mosaic virus by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx Ltd). The master contains enzymes and reagents including specific probe and primer sets which is specially designed to amplify the PIAMV gene for the unique amplification of Plantago asiatica mosaic virus RNA within 15-20 min.

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent	CAP	Qty / 50 rxns
1	PIAMV Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl
2	PIAMV Probe	PRO	1 vial, 80 µl
3	PIAMV Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl
5	PIAMV Positive control	POS	1 vial, 50 µl
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml

6. Required Materials and Devices

Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner /CFX96 real time PCR/ Biological cabinet / Vortex mixer / Micropipets (0.5 – 1000 µl) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 µl) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Microcentrifuge / Biohazard waste container

7. Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

· Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits

7.2. RPA reaction

No	Reagent	1 rxn	8 rxn
1	PIAMV Enzyme Master Mix	14.0 µl	112 µl
2	PIAMV Probe	1.5 µl	12.0 µl
3	PIAMV Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 µl	12.8 µl
5	RNA	1.0 µl	X µl
Total		20.0 µl	160.0 µl

* Use the reagents which are stored at -20 °C after spin down briefly when those are melted before us those are melted before use. ⁵ Be careful of contamination when you use the positive control for

- amplification.
- 1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents according to the table below.
- 2) Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down. 3) Aliquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.
- 4) Add positive and negative control (DW) to each PCR tube. * It is highly recommended that the mixture for negative control should be made separately to avoid cross contamination. 5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the
- hubble
- 6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min. 7) Set the program as below table.

Step	No. of Cycle	Temperature	Duration
1	40	37-40 °C	30 sec

8) Plate setup

- Set the fluorophores with FAM. Type the sample names in the each tube.
- * Unknown: clinical sample
- * Negative control
- * Positive control

8. Reading the Result

Exp. example



<Example of PIAMV RT-RPA reaction at T8 UV scanner>

Case	Positive control	Negative control	PIAMV RNA	Interpretation
1	+	-	+	PIAMV Positive
2	+	-	-	PIAMV Negative
3	+	+	+/-	
4	-	+	+/-	Invalid result / retest
5	-	-	+/-	

9. Warnings and Precaution

1) For research use only.

- 2) Carefully read this instruction before starting the procedure. 3) Clinical samples should be regarded as potentially infectious materials and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood.
- 4) Do not use the kit after its expiration date written on box.
- 5) Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may cause wrong test result.
- 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the tubes before use.
- 7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.
- 8) Use always sterile pipette tips with filters.9) Wear separate coats and gloves in each area.
- 10) Collected test samples in sterile tubes.

11) Test samples should be extracted immediately or frozen at -20 °C to -80 °C.



<그림 1-49> Insert of PIAMV ER detection kit.



Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV) ER-Detection Kit

Research use only

Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV) ER-Detection Kit는 감염된 작물로 부터 PIAMV를 검출하여 정량분석하는 연구용 제품입니다.





Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV) ER-Detection Kit	Research use only

제품스펙	주문정보	관련제품

사용목적

Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV) ER-Detection Kit 는 TwistDx Ltd.에서 개발한 RPA (Recombinase Polymerase Amplification) 를 기반으로 한 제품입니다. RPA에서 생성된 증폭 산물은 프로브 기반 형광 모니터링을 통해 실시간으로 PIAMV를 검출하는 분자진단제입니다.

제품특징

- ・20분내 빠른 검사 결과 확인
- ・간편한 사용법
- ·빠른 시간대비 높은 민감도
- 사용자를 위한 동영상 제공

Plantago asiatica mosaic virus (PIAM)	/) ER-Detection Kit	Research use only
i lainage ablatica intebale titab (i itali		nescaren ase only

제품스펙

검체	PIAMV 감염의심 작물
검사시간	15-20분 (핵산추출시간 제외)
민감도	10º copies/ul
특이도	100%
보관온도	-20°C

Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV) ER-Detection Kit Research use only

주문정보

Cat. No.	제품명	보관온도	Test/Kit	가격
LCM-PIAMV- ER-50	Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV) ER-Detection Kit	-20 °C	50T/Kit	₩600,000 (VAT 별도)

<그림 1-50> PIAMV ER Detection kit in LCM science Homepage.

■ PIAWV nfo detection kit - 공동연구기관 - 강원대 결과

- 1. **PIAMVnfo** 4,195 F : 5'- CAGXXXXCGGTTCGTGATTXXXXTAAGTTC-3'
- 2. PIAMVnfo 4,229 P :
 - 5'- [FAM] TCG TGA XXX XXX TAA GTT CGG TGG TTC ACC T [THF] CC TA ACT CCG XXX XXX ATG -3' Spacer C

3. **PIAMVnfo** - 4,304 R : 5'- [Biotin] TAGTTXXXXAAAGTTGTTAGAXXXTAGTGC -3'

<그림 1-51> RT-RPA nfo primer probe set of PIAMV.



종 특이도

reagent	volume			
2x R Buffer	10 ul	80 ul		
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul		
10x B	2 ul	16 ul		
20x B	1 ul	8 ul		
50x B	0.4 ul	3.2 ul		
RT	0.4 ul	3.2 ul		
PIAMVnfo - 4,195 F	0.7 ul	5.6 ul		
PIAMVnfo - 4,304 R	0.7 ul	5.6 ul		
PIAMVnfo - 4,229 P 1pM	0.2 ul	1.6 ul		
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul		
RNA	1.0 ul	1.0 ul		
DW	1.3 ul	16 ul		
Total	20	ul		

<그림 1-52> PIAMV RT-RPA nfo reaction with several related viruses.

reagent	vol	ume
2x R Buffer	10 ul	80 ul
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
10x B	2 ul	16 ul
20x B	1 ul	8 ul
50x B	0.4 ul	3.2 ul
RT	0.4 ul	3.2 ul
PIAMVnfo - 4,195 F	0.7 ul	5.6 ul
PIAMVnfo - 4,304 R	0.7 ul	5.6 ul
PIAMVnfo - 4,229 P 1pM	0.2 ul	1.6 ul
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
RNA	1.0 ul	1.0 ul
DW	1.3 ul	16 ul
Total	20	ul

<그림 1-53> LoD (ng/ul) of RT-RPA nfo reaction with PIAMV primer and probe set.

	LoD (copies/ul)						
	Il PCRD				DW I I PCRD		
LoD	10 ⁵	10 ⁴	10 ³	10 ²	DW		
Result	+	+	+	+	-		

LoD (ng/ul)

12 C

PC

J

0.1 pg

+

12 C

PCRD

1 pg

+

LoD

Result

pw ng

12 C

PCRD

DW

-

12 C

PCRE

0.01 pg

+w

reagent	volume				
2x R Buffer	10 ul	80 ul			
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul			
10x B	2 ul	16 ul			
20x B	1 ul	8 ul			
50x B	0.4 ul	3.2 ul			
RT	0.4 ul	3.2 ul			
PIAMVnfo - 4,195 F	0.7 ul	5.6 ul			
PIAMVnfo - 4,304 R	0.7 ul	5.6 ul			
PIAMVnfo - 4,229 P 1pM	0.2 ul	1.6 ul			
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul			
RNA	1.0 ul	1.0 ul			
DW	1.3 ul	16 ul			
Total	20	ul			

<그림 1-54> LoD (copies/ul) of RT-RPA nfo reaction with PIAMV primer and probe set.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT PIAMV primer & probe set를 응용하여 PCRD을 이용한 육 안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe들을 합성하였다 (그림 1-51).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분간 반응시킨 후
 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.
- RPA nfo kit를 사용하여 다른 관련 바이러스들, Lily mottle virus (LMoV), Lily symptomless virus (LSV), Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV), Bean yellow mosaic virus (BYMV)와 교차반응을 조사한 결과, PIAMV에 감염된 샘플에 잘 반응하였다 (그림 1-52).
- 검출한계는 0.01 pg, 100 copies/ul까지 가능하였다 (그림 1-53, 54).



■ PIAWV end point detection kit - 위탁연구기관 - 전남대 결과

<그림 1-55> RT-RPA end point detection reaction of PIAMV primer set according to the time.

reagent	vol	ume
2x R Buffer	10 ul	80 ul
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
10x B	2 ul	16 ul
20x B	1 ul	8 ul
50x B	0.4 ul	3.2 ul
RT	0.4 ul	3.2 ul
PIAMV -4,195F	0.7 ul	5.6 ul
PIAMV -4,304R	0.7 ul	5.6 ul
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
RNA	1.0 ul	1.0 ul
DW	1.3 ul	16 ul
Total	20) ul

				FAM value	300 200- 100- 0, cr ⁶ A	PIA	MV-LoD	2 < 0.0001 2 = 0.8830
LoD	10 ng	1 ng	0.1 ng	0.01 ng	1 pg	0.1 pg	0.01 pg	DW
	238	256	245	218	188	169	164	154
FAIVI	211	227	217	195	162	144	133	123

<그림 1-56> LoD (ng/ul) of PIAMV RT-RPA end point detection kit.

1	The state	1	100						reagent	vol	ume
1-2-2-2-2-2-2-2-2-2-2-2-2-2-2-2-2-2-2-2					PIAMV	-LoD		2x R Buffer	10 ul	80 ul	
101 161 1 1 1 1 1			7	¹⁵⁰] <i>P</i> < 0.0001			100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul		
		AL AL A		1			R ² = 0.9	9995	10x B	2 ul	16 ul
T	A		TRA	value	100-	7			20x B	1 ul	8 ul
and the		11		AM	50-			-	50x B	0.4 ul	3.2 ul
	7								RT	0.4 ul	3.2 ul
0 10 ⁶ 10 ⁵ 1							$5 10^4 10^3 10^2 10^1 10^0 DW$		PIAMV -4,195F	0.7 ul	5.6 ul
						copie	5/01		PIAMV -4,304R	0.7 ul	5.6 ul
									MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
LoD	10 ⁶	10 ⁵	104	10 ³	10 ²	10 ¹	10 ⁰	DW	RNA	1.0 ul	1.0 ul
ΔΝΛ	106	87	69	68	67	60	58	54	DW	1.3 ul	16 ul
	107	88	70	68	67	60	59	54	Total	20) ul

<그림 1-57> LoD (copies/ul) of PIAMV RT-RPA end point detection kit.

				250 - 200 - 150 - 150 - 100 - 50 - 0 -	PIA	MV-Field s	ample P< R ² =	0.0001 =0.9862	2x F 100 10x 20x 50x RT PIA PIA MgC RNA
	LMoV	LSV	PIAM V+LSV	BYMV	+CTRL	DW	W/O	DW	DW Tota
FAM	112	171	197	111	221	109	147	117	
	103	161	186	100	209	100	141	110	

reagent	vol	ume
2x R Buffer	10 ul	80 ul
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
10x B	2 ul	16 ul
20x B	1 ul	8 ul
50x B	0.4 ul	3.2 ul
RT	0.4 ul	3.2 ul
PIAMV -4,195F	0.7 ul	5.6 ul
PIAMV- 4,304R	0.7 ul	5.6 ul
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
RNA	1.0 ul	1.0 ul
DW	1.3 ul	16 ul
Total	20) ul

<그림 1-58> RT-RPA end point detection reaction of PIAMV primer set with several viruses.

- 사이버그린을 이용한 PIAMV end point detection kit는 반응 후 5분부터 음성과 양성을 구 별할 수 있었다 (그림 1-55).
- 최소검출한계 (ng/ul)를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10 ng 부터 0.01 pg 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 10분간 반응시킨 결과, 1 pg까지 검출이 되었다 (그림 1-56).
 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 10분간 반응시킨 결과, 100 copies까지 검출이 되었다 (그림 1-57).
- 4가지 관련바이러스 (Lily symtomless virus, Bean yellow mosaic virus, Plantago asiatica mosaic virus)와 RPA 반응을 시켜본 결과 PIAMV 감염된 샘플과 잘 반응하였다 (그 림 1-58).
- 4. Bean yellow mosaic virus (BYMV) RPA probe 진단제 개발



○ 콩황색모자이크바이러스는 Potyvirus속과 Potyviridae과에 속하는 식물병원성 바이러스이 다. Potyvirus 속의 다른 구성원과 마찬가지로 단일 바이러스 암호화 단백질을 위해 만들어진 캡시드로 둘러싸인 포지티브 센스, 단일 가닥 RNA의 단일 가닥입니다. 바이러스는 길이가 약 750nm인 실 모양의 입자입니다. 이 바이러스는 진딧물 종과 기계적 접종에 의해 전염됩니다. ○ 콩 황색 모자이크 바이러스로 여겨지는 모자이크 질병은 1900년대 초 미국 북동부에서 정원 완두콩(Pisum sativum)을 감염시키는 것으로 처음 보고되었습니다. 현재 이 바이러스는 전 세 계적으로 확산된 것으로 추정됩니다.

○ 완두콩 외에도 이 바이러스는 녹두(Phaseolus vulgaris),땅콩(Arachis hypogaea), 대두 (Glycine max), 파바콩(Vicia faba), 여러 종을 포함한 많은 다른 콩류(Fabaceae과)를 감염시 키는 것으로 알려져 있습니다. 클로버(Trifolium hybridum, T. vesiculosum, T. incarnatum, T. pratense, T. repens, T. subterraneum), 알팔파(Medicago sativa), vetch(Vicia sativa), 루핀(Lupinus luteus), 검은 메뚜기 (Robinia pseudoacacia), 호로파(Trigonella foenum-graecum) 및 Crotalaria spectabilis 등도 감염시킵니다.

○ 또한 Gladiolus sp., Fressia sp., 아편 양귀비(Papaver somniferum), Canna spp.를 포함하 여 콩과가 아닌 여러 식물을 감염시키는 것으로 알려져 있습니다.

○ 식물의 증상으로는 모자이크, 잎 기형 및 잎 반점이 있습니다. 이 바이러스는 두 종류의 바이러스 내포물, 즉 적층 응집체와 핵 내포물을 만듭니다 (https://en.wikipedia.org/wiki/Bean_yellow_mosaic_virus).

	MK649741.1	KT934334.1	MK516282.1	JX173278.1	FJ492961.1	LC500882.1	KF632713.1	MW188030.1	AB439729.1	MN509831.1	JN692500.2	KF155420.2	NC_003492.1	AB439730.1	MK131270.1
MK649741.1	$>\!$	74.9%	76.0%	76.0%	75.9%	76.0%	75.7%	75.7%	75.1%	75.1%	73.5%	74.0%	75.0%	75.4%	75.1%
KT934334.1	74.9%	$>\!$	85.6%	82.7%	82.3%	82.7%	84.3%	85.4%	89.1%	84.8%	84.2%	83.8%	84.8%	85.3%	85.3%
MK516282.1	76.0%	85.6%	$>\!$	91.9%	91.2%	91.5%	93.6%	94.4%	87.5%	90.7%	86.2%	86.3%	87.7%	87.6%	87.6%
JX173278.1	76.0%	82.7%	91.9%	$>\!$	96.7%	97.2%	94.8%	92.3%	85.6%	90.1%	83.7%	85.0%	86.9%	86.7%	86.6%
FJ492961.1	75.9%	82.3%	91.2%	96.7%	$>\!$	98.0%	93.8%	91.5%	85.3%	89,7%	83.2%	84.8%	86.5%	86.3%	86,4%
LC500882.1	76.0%	82.7%	91.5%	97.2%	98.0%	$>\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!$	94.3%	91.9%	85.7%	90.2%	83.7%	85.1%	86.9%	86.8%	86.7%
KF632713.1	75.7%	84.3%	93.6%	94.8%	93.8%	94.3%	$>\!$	96.0%	85.9%	90.3%	83.9%	85,4%	87.2%	87,0%	87.0%
MW188030.1	75.7%	85.4%	94.4%	92.3%	91.5%	91.9%	96.0%	$>\!\!<$	85.4%	89.6%	84.7%	84.7%	86.4%	85.9%	86.0%
AB439729.1	75.1%	89.1%	87.5%	85.6%	85.3%	85.7%	85.9%	85.4%	$>\!$	92.0%	89.4%	91.2%	92.9%	92.6%	92.7%
MN509831.1	75.1%	84.8%	90.7%	90.1%	89.7%	90.2%	90.3%	89.6%	92.0%	$>\!$	90.5%	91.8%	92.4%	93.2%	93.0%
JN692500.2	73.5%	84.2%	86.2%	83.7%	83.2%	83.7%	83.9%	84.7%	89,4%	90.5%	$>\!$	94.9%	93.0%	94.6%	94.2%
KF155420.2	74.0%	83.8%	86.3%	85.0%	84.8%	85.1%	85.4%	84.7%	91.2%	91.8%	94.9%	$>\!$	95.1%	95.9%	95.7%
NC_003492.1	75.0%	84.8%	87.7%	86.9%	86.5%	86.9%	87.2%	86,4%	92.9%	92.4%	93.0%	95.1%	$>\!\!<$	96.8%	96.9%
AB439730.1	75.4%	85.3%	87.6%	86.7%	86.3%	86.8%	87.0%	85.9%	92.6%	93.2%	94.6%	95.9%	96.8%	$>\!$	98.1%
MK131270.1	75.1%	85.3%	87.6%	86.6%	86,4%	86.7%	87.0%	86.0%	92.7%	93.0%	94.2%	95.7%	96.9%	98.1%	$>\!$

<그림 1-59> Homology distance of 15 cases of BYMV isolates.



<그림 1-60> Phylogenic tree of 15 cases of BYMV isolates.

	1	1,000	2,000	3,000	4,000	5,000	6,000	7,000	8,000	9,000 9,890
-			W	M						N
Consensus Identity	a silina	~~~~~								
1. MK649741.1				1		1				
3. MK516282.1										
4. JX173278.1 5. FJ492961.1										
6. LC500882.1 7. KF632713.1										
8. MW188030.1										
10. MN509831.1										
11. JN692500.2 12. KF155420.2										
13. NC_003492.1 14. AB439730.1										
15. MK131270.1										

<그림 1-61> Region of RPA exo primer and probe set candidates of 15 cases of BYMV isolates.

1. BYMV - 9,376 F :

5'- TCGTATXXXXXTATCCGTCTTXXXXTTCTCTATA -3'

2. BYMV - 9,412 P:

5'- TCT ATA ATT TGG XXX XXC ATT ACT TAA TAC [FAM-dT]A [THF]G[BHQ1-dT]ATT AGT XXX XXX TCA - 3' Spacer C

3. BYMV - 9,498 R : 5'- GAGTAGXXXXATGATACACATXXXXATTTAAAA -3'

<그림 1-62> RPA exo primer and probe set of 15 cases of BYMV isolates.







<그림 1-63> Limitation of Detection (ng/ul) of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of BYMV.



reagent	vo	lume	
2x R Buffer	10 ul	80 ul	
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul	
10x B	2 ul	16 ul	
20x B	1 ul	8 ul	
50x B	0.4 ul	3.2 ul	
RT	0.4 ul	3.2 ul	
BYMV - 9,376 F	0.7 ul	5.6 ul	
BYMV - 9,498 R	0.7 ul	5.6 ul	
BYMV - 9,412 P 1pM	0.2 ul	1.6 ul	
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul	
RNA	1.0 ul 1.0 ul		
DW	/ 1.3 ul 16 ul		
Total	2	0 ul	



<그림 1-64> Limitation of Detection (copies/ul) of RPA Exo-RT reaction with primer and probe set of BYMV.

reagent	v	olume
2x R Buffer	10 ul	80 ul
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
10x B	2 ul	16 ul
20x B	1 ul	8 ul
50x B	0.4 ul	3.2 ul
RT	0.4 ul	3.2 ul
BYMV - 9,376 F	0.7 ul	5.6 ul
BYMV - 9,498 R	0.7 ul	5.6 ul
BYMV - 9,412 P 1pM	0.2 ul	1.6 ul
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
RNA	1.0 ul	1.0 ul
DW	1.3 ul	16 ul
Total		20 ul

No	Bacteria	result
1	Brevibacterium casei	Negative
2	Micrococcus luteus	Negative
3	Streptococcus pyogenes	Negative
4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
5	Serratia marcescens	Negative
6	Enterobacter aerogenes	Negative
7	Klebsiella oxytoca	Negative
8	Staphylococcus warneri	Negative
9	Proteus mirabilis	Negative
10	Citrobacter freundii	Negative
11	Enterococcus faecalis	Negative
12	Streptococcus agalactiae	Negative
13	Staphylococcus epidemidis	Negative
14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
15	Propionibacterium acnes	Negative
16	Dermabacter homins	Negative
17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
18	Distilled water	Negative
Positive control	BYMV - mRNA transcript	Positive



- 52 -



<그림 1-65> RPA Exo-RT reaction of primer and probe set of BYMV with several bacteria.

	Specificity (종)		reagent	volu	ume
	Tube Overlay - FAM		2x R Buffer	10 ul	80 ul
5000 -			100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
4500		Tube 3 Tube 4	10x B	2 ul	16 ul
4000 -		Tube 5 Tube 6	20x B	1 ul	8 ul
3500 -		Tube 7 Tube 8	50x B	0.4 ul	3.2 ul
3000 -			RT	0.4 ul	3.2 ul
2500 -			BYMV - 9,376 F	0.7 ul	5.6 ul
2000 -			BYMV - 9,498 R	0.7 ul	5.6 ul
1500 -			BYMV - 9,412 P 1pM	0.2 ul	1.6 ul
1000 -			MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
500 -			RNA	1.0 ul	1.0 ul
0			DW	1.3 ul	16 ul
8:46	8 348 500 +60 +120 +180 +240 +300 +380 +420 +480 +540 +600 +680 +720 +780 +840 +600 +680 +1020 +1080 +1140 +1200 +1280		Total	20	ul



<그림 1-66> RPA Exo-RT reaction of primer and probe set of BYMV with several viruses.

- BYMV isolates 15건에 대한 유전자를 분석한 결과, 크게 세 개의 그룹으로 나누어지고 있었으 나 분리주 간에 크게는 27.5%까지의 변이가 관찰되었다 (그림 1-59, 60).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 3'쪽에서 프라이머와 프로브 세트 가 생성되어 그중에서 하나의 프라이머 프로브 세트를 선정하여 인공합성하였다. 이 프라이 머와 프로브 (Primer probe set; BYMV-9376F, BYMV-9412P, BYMV-9498R)의 특성을 평가하였 다 (그림 1-61, 62).
- 최소검출한계 (ng/ul)를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10 ng 부터 0.01 pg 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 20분간 반응시킨 결과, 0.01 pg까지 검출이 되었다 (그림 1-63).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 20분간 반응시킨 결과, 1 copies까지 검출이 되었다 (그림 1-64).
- 17건의 박테리아에 대한 유전자와 반응에서는 BYMV primer와 probe 세트가 반응을 하지 않아 100%의 특이도를 보였다 (그림1-65).
- RPA Exo kit를 사용하여 다른 3종의 관련 바이러스들, Lily mottle virus (LMoV), Lily symptomless virus (LSV), Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV), Bean yellow mosaic virus (BYMV)와 교차반응을 조사한 결과, BYMV에 감염된 샘플에 잘 반응하였다 (그림 1-66).
- Exo RT RPA 반응은 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시켰고 음성대조군인 증류수와 는 반응이 없었다 (그림 1-66).
- 이상의 결과로 RT-RPA BYMV detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-67, 68).
- 엘씨엠싸이언스 홈페이지에 등록하여 시판을 실시하였다 (그림 1-69).



<그림 1-67> BYMV ER detection kit.

LCM Science Co., Ltd

LCM-BYMV-ER-50

Bean yellow mosaic virus (BYMV) ER-Detection Kit

50 rxn

Duration

30 sec

Revision No.: LCM-BYMV-ER-0001 Issue Date: Jul 03, 2023 User Manua For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.yuglobal.wavework.kr, nova3546@lcmscience.co.kr

161-10 Baekto-ri Hyangnam-eup Hwascong-si Gyconggido South Korea.

Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 speegene@gmail.com

1. General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based fluorescence monitoring.

2. Storage conditions

The kit should be kept -20°C (Full activity is guaranteed for 6 months)

3. Application

The Bean yellow mosaic virus (BYMV) ER-Detection kit contains specially designed probe and primer set for amplification of BYMV gene to detect the BYMV viral RNA from speci

4. Product Description

Bean yellow mosaic virus is a plant pathogenic virus in the genus Potyvirus and the virus family Potyviridae. Like other members of the Potyvirus genus, it is a monopartite strand of positive-sense, single-stranded RNA surrounded by a capsid made for a single viral coded protein. The virus is a filamentous particle that measures about 750 nm in length. This virus is transmitted by species of aphids and by mechanical inoculation

A mosaic disease, believed to be bean yellow mosaic virus, was first reported in the early 1900s infecting garden peas (Pisum sativum) in the Northeastern United States. The virus is currently believed to be distributed worldwide.

currently believed to be distributed worlawide. In addition to peas, this virus is known to infect many other legumes (family Fabaceae) including green beans (Phaseolus vulgaris), peanuts (Arachis hypogaea), soybeans (Glycine max), Faba beans (Vicia faba), several species of clover (Trifolium hybridum, T. vesiculosum, T. incarnatum, T. pratense, T. repens, T. subterraneum), alfalfa (Medicago sativa), vetch (Vicia sativa), lupine (Lupinus luteus), black locust (Robinia pseudoacacia), fenugreek (Trigonella foenum-graecum), and Crotalaria spectabilis.

It also is known to infect several non-leguminous plants including Gladiolus sp., Fressia sp., opium poppy (Papaver somniferum), Canna spp. and Eustoma russellianu Symptoms in these plants include mosaic, leaf malformation and leaf mottling. This virus makes two kinds of viral inclusions, laminated aggregates and a nuclear inclusion The Bean yellow mosaic virus (BYMV) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use system for the detection of the Bean yellow mosaic virus by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx Ltd). The master contains

enzymes and reagents including specific probe and primer sets which is specially designed to amplify the BYMV gene for the unique amplification of Bean yellow mosaic virus RNA within 15-20 min.

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent	САР	Qty / 50 rxns
1	BYMV Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl
2	BYMV Probe	PRO	1 vial, 80 µl
3	BYMV Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl
5	BYMV Positive control	POS	1 vial, 50 µl
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml

6. Required Materials and Devices

Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner /CFX96 real time PCR/ Biological cabinet / Vortex mixer / Micropipets (0.5 - 1000 µl) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 µl) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Microcentrifuge / Biohazard waste container

7. Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

· Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits.

7.2. RPA reaction

No	Reagent	1 rxn	8 rxn
1	BYMV Enzyme Master Mix	14.0 µl	112 µl
2	BYMV Probe	1.5 µl	12.0 µl
3	BYMV Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 µl	12.8 µl
5	RNA	1.0 µl	Χ μΙ
Total		20.0 µl	160.0 μl

* Use the reagents which are stored at -20 $^\circ\!\!\mathrm{C}$ after spin down briefly when those are melted before use

* Be careful of contamination when you use the positive control for amplification.

- 1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents
- according to the table below. 2) Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down.
- 3) Aliquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.
- 4) Add positive and negative control (DW) to each PCR tube.
 * It is highly recommended that the mixture for negative control should
- be made separately to avoid cross contamination

37-40℃

5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the bubble. 6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min.

7) Set the program as below table.

40

Step No. of Cycle Temperature

8) Plate setup Set the fluorophores with FAM.

1

- Type the sample names in the each tube.
- * Unknown: clinical sample
- * Negative control
- * Positive control

8. Reading the Result

Exp. example



<Example of BYMV RT-RPA reaction at T8 UV scanner>

Case	Positive control	Negative control	BYMV RNA	Interpretation
1	+	-	+	BYMV Positive
2	+	-	-	BYMV Negative
3	+	+	+/-	
4	-	+	+/-	Invalid result / retest
5	-	-	+/-	

9. Warnings and Precaution

1) For research use only.

- 2) Carefully read this instruction before starting the procedure.
- 3) Clinical samples should be regarded as potentially infectious materials and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood.
- 4) Do not use the kit after its expiration date written on box. 5) Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may cause
- wrong test result. 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the tubes before use.
- 7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.
- 8) Use always sterile pipette tips with filters.
- 9) Wear separate coats and gloves in each area.10) Collected test samples in sterile tubes.

11) Test samples should be extracted immediately or frozen at -20 °C to -80 °C.



<그림 1-68> Insert of BYMV ER detection kit.



Bean Yellow Mosaic Virus (BYMV) ER-Detection Kit

Research use only

Bean Yellow Mosaic Virus (BYMV) ER-Detection Kit 는 감염된 작물로 부터 BYMV를 검출하여 정량분석하는 연 구용 제품입니다.







Bean Yellow Mosaic Virus (BYMV) ER-Detection Kit Research use only

제품스펙	주문정보	관련제품

사용목적

Bean Yellow Mosaic Virus (BYMV) ER-Detection Kit 는 TwistDx Ltd.에서 개발한 RPA (Recombinase Polymerase Amplification) 를 기반으로 한 제품입니다. RPA에서 생성된 증폭 산물은 프로브 기반 형광 모니터링을 통해 실시간으로 BYMV를 검출하는 분자진단제입니다.

제품특징

- •20분내 빠른 검사 결과 확인
- ・간편한 사용법
- ·빠른 시간대비 높은 민감도
- ·사용자를 위한 동영상 제공

Bean Yellow Mosaic Virus (BYMV) ER-Detection Kit Research use only

제품스펙

검체	BYMV 감염의심 작물
검사시간	15-20분 (핵산추출시간 제외)
민감도	10º copies/ul
특이도	100%
보관온도	-20°C

Bean '	Yellow	Mosaic	Virus	(BYMV)	ER-Detection Kit	
Dean	1 CIIO W	wosaic	VIIUS			

주문정보

Cat. No.	제품명	보관온도	Test/Kit	가격
LCM-BYMV-ER- 50	Bean Yellow Mosaic Virus (BYMV) ER-Detection Kit	-20 °C	50T/Kit	₩600,000 (VAT 별도)

Research use only

<그림 1-69> BYMV ER Detection kit in LCM science Homepage.

■ BYMV nfo detection kit - 공동연구기관 - 강원대 결과

- 1. BYMVnfo 9,376 F : 5'- TCGTXXXXGAGTATCCGTCTXXXXXTTCTCTATA -3'
- 2. BYMVnfo 9,412 P :
 - 5'- [FAM] TCT XXX XXX TGG CGT TAC ATT ACT TAA TAC A [THF]G ATT XXX XXX GTT TCA - 3' Spacer C
- 3. BYMVnfo 9,498 R : 5'- [Biotin] GAGTAGAXXXXXGATACACATAXXXAATTTAAAA -3'

<그림 1-70> RT-RPA nfo primer probe set of BYMV.

종 특이도

		12	• 12	• 12	+ mà 12	
	PCRD	PCRD	r I PCRD	PCRD	PCRD	PCRD
virus	LMoV	LSV+P IAMV	PIAMV +LSV	BYMV	+CTRL	DW
result	-	-	-	+	+	-

reagent	volume			
2x R Buffer	10 ul	80 ul		
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul		
10x B	2 ul	16 ul		
20x B	1 ul	8 ul		
50x B	0.4 ul	3.2 ul		
RT	0.4 ul	3.2 ul		
BYMVnfo - 9,376 F	0.7 ul	5.6 ul		
BYMVnfo - 9,498 R	0.7 ul	5.6 ul		
BYMVnfo - 9,412 P 1pM	0.2 ul	1.6 ul		
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul		
RNA	1.0 ul	1.0 ul		
DW	1.3 ul	16 ul		
Total	20) ul		

<그림 1-71> BYMV RT-RPA nfo reaction with several related viruses.

		II PCRD	II PCRD	PCRD
LoD	1 pg	0.1 pg	0.01 pg	DW
Result	+	-	-	-

LoD (ng/ul)

reagent	volume			
2x R Buffer	10 ul	80 ul		
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul		
10x B	2 ul	16 ul		
20x B	1 ul	8 ul		
50x B	0.4 ul	3.2 ul		
RT	0.4 ul	3.2 ul		
BYMVnfo - 9,376 F	0.7 ul	5.6 ul		
BYMVnfo - 9,498 R	0.7 ul	5.6 ul		
BYMVnfo - 9,412 P 1pM	0.2 ul	1.6 ul		
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul		
RNA	1.0 ul	1.0 ul		
DW	1.3 ul	16 ul		
Total	20) ul		

<그림 1-72> LoD (ng/ul) of RT-RPA nfo reaction with BYMV primer and probe set.

	LoD (copies/ul)						
	LI PCRD	Il PCRD	Il PCRD	PCRD	PCRD		
LoD	10 ⁶	10 ⁵	10 ³	10 ²	DW		
Result	+	+	+	-	-		

reagent	volume			
2x R Buffer	10 ul	80 ul		
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul		
10x B	2 ul	16 ul		
20x B	1 ul	8 ul		
50x B	0.4 ul	3.2 ul		
RT	0.4 ul	3.2 ul		
BYMVnfo - 9,376 F	0.7 ul	5.6 ul		
BYMVnfo - 9,498 R	0.7 ul	5.6 ul		
BYMVnfo - 9,412 P 1pM	0.2 ul	1.6 ul		
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul		
RNA	1.0 ul	1.0 ul		
DW	1.3 ul	16 ul		
Total	20 ul			

<그림 1-73> LoD (copies/ul) of RT-RPA nfo reaction with BYMV primer and probe set.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT BYMV primer & probe set를 응용하여 PCRD을 이용한 육안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe들을 합성하였다 (그림 1-70).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분간 반응시킨 후 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.
- RPA nfo kit를 사용하여 다른 관련 바이러스들, Lily mottle virus (LMoV), Lily symptomless virus (LSV), Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV), Bean yellow mosaic virus (BYMV)와 교차반응을 조사한 결과, BYMV에 감염된 샘플에 잘 반응하였다 (그림 1-71).
- 검출한계는 1 pg, 1000 copies/ul까지 가능하였다 (그림 1-72, 73).



■ BYMV end point detection kit - 위탁연구기관 - 전남대 결과

<그림 1-74> RT-RPA end point detection reaction of BYMV primer set according to the time.

1		5 mi mb	100						reagent	vo	lume
1	Exex		11 11			BYM	V-LoD		2x R Buffer	10 ul	80 ul
10.00		1000		500	'T		P < 0	0.0001	100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
- AT	A W	in in in	and a	400			R ² =	0.9914	10x B	2 ul	16 ul
	8-8-	0.0-0	-0-0-	alue 300	-				20x B	1 ul	8 ul
				≥ ₩ 200			Ĩā		50x B	0.4 ul	3.2 ul
1	1	d d	7	<u>ت</u>					RT	0.4 ul	3.2 ul
				100					BYMV-9,376 F	0.7 ul	5.6 ul
				C				4. 0	BYMV-9,498 R	0.7 ul	5.6 ul
					Jours Vus	o.the other	1830,183,019	~ Q*	MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
LoD				0.04		(and a local sector	0.04		RNA	1.0 ul	1.0 ul
LOD	10 ng	1 ng	0.1 ng	0.01 ng	1 pg	0.1 pg	0.01 pg	DW	DW	1.3 ul	16 ul
FAM	418	291	277	244	251	216	234	232	Total	2	0 ul
17 111	401	278	265	233	240	208	229	227			

<그림 1-75> LoD (ng/ul) of BYMV RT-RPA end point detection kit.

_				_					reagent	vol	ume
	TATA	8282		-		BYM	V-LoD		2x R Buffer	10 ul	80 ul
100	1,5	11-12-1					<i>P</i> = 0	.0132	100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
	1 1 1 1	11 11		1	250		R ² = 0	.8313	10x B	2 ul	16 ul
					200-		- È - i		20x B	1 ul	8 ul
-12		221	1 1	value	150-				50x B	0.4 ul	3.2 ul
				FAM	100-			RT	0.4 ul	3.2 ul	
					50-				BYMV-9,376 F	0.7 ul	5.6 ul
						05 404 403	40 ² 10 ¹ 10		BYMV-9,498 R	0.7 ul	5.6 ul
					10 1	сорі	ies/ul		MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
									RNA	1.0 ul	1.0 ul
LoD	106	105	10 ⁴	10 ³	10 ²	10 ¹	10 ⁰	DW	DW	1.3 ul	16 ul
	204	199	195	199	205	190	195	179	Total	20) ul
FAM	198	191	188	193	197	183	188	171			

<그림 1-76> LoD (copies/ul) of BYMV RT-RPA end point detection kit.

				FAM value 5 C		BYMV-Fiel	d sample	P<0.0001 R ² =0.9878
	LMoV	LSV	PIAM V+LSV	BYMV	+CTRL	DW	W/O	DW
AM	321	281	290	350	349	278	307	314
	316	275	284	346	348	277	299	304

reagent	vol	ume		
2x R Buffer	10 ul	80 ul		
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul		
10x B	2 ul	16 ul		
20x B	1 ul	8 ul		
50x B	0.4 ul	3.2 ul		
RT	0.4 ul	3.2 ul		
BYMV-9,376 F	0.7 ul	5.6 ul		
BYMV-9,498 R	0.7 ul	5.6 ul		
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul		
RNA	1.0 ul	1.0 ul		
DW	1.3 ul	16 ul		
Total	20 ul			

<그림 1-77> RT-RPA end point detection reaction of BYMV primer set with several viruses.

- 사이버그린을 이용한 BYMV end point detection kit는 반응 후 5분부터 음성과 양성을 구 별할 수 있었다 (그림 1-74).
- 최소검출한계 (ng/ul)를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10 ng 부터 0.01 pg 까 지 단계적 희석한 후 39℃에서 10분간 반응시킨 결과, 1 pg까지 검출이 되었다 (그림 1-75).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 10분간 반응시킨 결과, 1 copies까지 검출이 되었다 (그림 1-76).
- 4가지 관련바이러스 (Lily symtomless virus, Bean yellow mosaic virus, Plantago asiatica mosaic virus)와 RPA 반응을 시켜본 결과 BYMV 감염된 샘플과 잘 반응하였다 (그림 1-77).

5. Citrus tristeza virus (CTV) - RPA probe 진단제 개발



○ Citrus tristeza 바이러스(CTV)는 이름을 딴 식물 속인 Citrus에 가장 경제적으로 피해를 주 는 질병을 일으키는 Closterovirus 속의 바이러스 종입니다. 이 질병으로 인해 전 세계 수백만

		RdF	tp p6	p61	CP p13 p23
	PROI MT	HEL			
CTV gRNA (+) +			00000		3'NTR
5'N	TR PRO II		p33 HSP	70h C	Pm p18 p20

그루의 감귤 나무가 죽었으며 수백만 그루가 생산에 쓸모 없게 되었습니다. 브라질과 다른 남미 국가의 농부들은 1930년대에 이 질병으로 인한 황폐화를 언급하면서 포르투갈어와 스페인어로 슬픔을 의미하는 "tristeza"라는 이름을 붙였습니다. 이 바이러스는 갈색 감귤류 진딧물에 의 해 가장 효율적으로 전염됩니다.

○ CTV는 길이가 2000nm이고 직경이 12nm인 유연한 로드 바이러스입니다. CTV 게놈은 일반적으 로 길이가 19.2~19.3kb 사이이며 두 가지 유형의 캡시드 단백질로 둘러싸인 (+)-센스 RNA의 단 일 가닥으로 구성됩니다. 게놈의 크기는 CTV를 알려진 가장 큰 RNA 바이러스 중 하나로 만듭니 다. CTV 게놈은 적어도 17개의 단백질을 암호화할 수 있는 12개의 ORF를 포함합니다.

○ CTV는 숙주의 체관부 조직에 한정된 바이러스입니다. 그것은 수액을 추출하기 위해 체관부를 관통하는 벡터에 의해 반영구적으로 전파되며, 대부분은 작물에 서식하는 진딧물 종입니다. 갈 색 감귤류 진딧물은 감귤류에 서식하는 다른 진딧물보다 바이러스를 옮기는 데 훨씬 효율적입니 다. 플로리다에서는 1995년 이전에 갈색 감귤 진딧물이 도입되기 전에 주에서 발견된 가장 효율 적인 벡터인 Aphis gossypii보다 6~25배 더 효율적인 것으로 나타났습니다. 이 효율성은 좁은 숙주 범위에 의해 향상됩니다. 갈색 감귤 진딧물과 새로운 성장을 식민지화하기 위해 날개 달린 형태를 만드는 경향. A. gossypii는 플로리다에 있는 수백 종의 식물을 포함하여 훨씬 더 넓은 숙주 범위를 가지고 있으며 다른 숙주를 먹을 때 바이러스의 전파가 차단됩니다.

○ CTV는 경제적으로 가장 중요하고 감귤 나무에 피해를 주는 바이러스입니다. 신 오렌지 대목 이 있는 나무를 죽일 뿐만 아니라 일반 감귤 나무의 줄기에 구멍을 내서 빠르게 퍼질 수 있고 피해를 입힐 수 있습니다. 1910년 이후 남아프리카, 1970년 이후 아르헨티나(1000만)와 브라질 (600만), 1950년 이후 미국(300만)을 중심으로 전 세계적으로 8000만 그루 이상의 나무를 죽였 다. 중앙 아메리카와 미국에서는 그 영향이 극적으로 증가했습니다. 스페인에서는 4천만 그루 가 넘는 스위트 오렌지와 만다린 나무의 생산량이 점진적으로 감소했습니다 (https://en.wikipedia.org/wiki/Citrus_tristeza_virus).

	AF24927	HQ6342	MW169	AF33908	_ MW201	. MW201	FJ66759	HP9473.	. FR87186.	. EU5794	. MW201	MW201	MT8330.	. MT8332	. EU6609	MT8331.	KF14475.	KF14475.	.KF14473	KF14473	KF14473.		KF14473	.KF14471.	.KF14472	. CTV_J	KF14473.	. KU3613	KF14473	.KF14477.,	FJ52543	MH0517.,	.GQ1316	KF14472_	.HM1605	JF95719
AF249279.1:1-699	$>\!\!\!<$	92.6%	93.5%	93.0%	93.2%	93.6%	92.9%	91.8%	92.1%	92.1%	92.7%	93.3%	93.3%	93.2%	93.0%	93.2%	93.4%	93.3%	93.6%	92.8%	92.9%	93.4%	93.4%	93.3%	93.3%	89.3%	92.3%	91.3%	92.3%	93.0%	91.5%	91.5%	92.7%	93.0%	91.8%	92.0%
HQ634290.1	92.6%	$>\!\!<\!\!>$	98.5%	96.1%	96.6%	96.3%	96.7%	95.5%	95.8%	95.8%	96.3%	97.0%	97.0%	96.9%	96.7%	96.9%	96.9%	96.8%	96.6%	95.9%	96.0%	96.6%	96.8%	.96.5%	96.5%	94.1%	95.7%	94.1%	96.0%	96.3%	95.4%	95.1%	95.9%	96.6%	95.2%	95.4%
MW169228.1	93.5%	98.5%	\geq	97.0%	97.5%		97.6%	96.4N				97.6%	97.9%	97.8%	97.6%	97.8%	97.5%		97.5%	96.8%	96.9%	97.5%	97.4%	97,4%	97.4%	94.9%	96.6%	94.9%	96,6%	97.2%		96.0%	96.8%	97.5%	95.8%	96.0%
AF339088.1	93.0%	95.1%		\geq	97.2%		97.3%			96.7%	97.2%	97.6%	97.9%	97.8%	97.6%	97.8%	96.3%	96.2%	98.2%	97.7%	97.5%	97.9%	98.0%	98.3%	98.6%	94.9%	96.6%	94.9%	96.6%	97.2%	95.7%	95.7%		97.5%	95.8%	95.7%
MW201851.1	93.2%	96.6%	97.5%		$>\!\!<$	99.6%	97.5%	97.2%	97.5%	97.5%	97.9%	98.1%	98.4%	98.2%	98.1%	98.2%	96.8%	95.6%	97.7%		96.8%	97.4%				95.7%	97.7%	95.1%	96.8%	97.7%	96.7%	96.7%	98.8%	98.3%	96.3%	96.1%
MW201872.1	93.6%				99.6%	\geq					97.5%	97.6%	97.9%	97.8%	97.6%	97.8%	96.5%		97.2%			97.1%	96.9%	96.9%	96.9%	95.2%	97.2%	94.7%	96.3%	97.2%			98.3%	97.9%	95.8%	95.7%
FJ667599.1	92.9%		97.6%	97.3%		97.2%	$>\!\!\!<$	96.7%			97.5%	97.6%	98.2%	98.1%	97.9%	98.1%	97.2%		97.5%		97.2%	98.2%	97.7%	97.7%	97.7%	95.2%	96.9%	94.9%	96.9%	97.5%	96.0%	96.0%		97.9%	95.4%	96.6%
HF947343.1	91.8%	95.5%			97.2%		96.7%	$>\!$	99.1%	99.0%	98.7%	97.9%	98.2%	98.1%	98.5%	98.4%	95.7%	95.6%	96.6%	95.9%	96.0%					97.0%	98.8%	95.2%	96.9%		96.0%	96.0%		97.9%	96.1%	96.0%
FR871866.1	92.1%	95.8%	96.7%	96.7%	97.5%	97.0%	97.0%	99.1%	\geq	99.1%	99.0%	97.9%	98.5%	98,4%	98.8%	98.7%	95.0%	95.9%	96.9%	96.2%	96.3%	96.9%	96.8%	96.8%	96.8%	97.3%	99.1%	95.5%	97.2%	97.2%	96.0%	96.0% I	96.8%	98.2%	95.4%	96.3%
EU579421.1	92.1%	95.8%			97.5%	97.0%	97.0%	99.0%	99.1%	$>\!\!<$	99.3%	97.9%	98.8%	98.7%	98.5%	98.4%	96.0%	95.9%	96.9%	96.2%		96.9%	96.8%	96.8%	96.8%	97.3%	99.4%	95.5%	97.5%	97.2%	96.0%	96.0%	96.8%	98.2%	95.4%	96.3%
MW201852.1	92.7%		97.2%	97.2%	97.9%	97.5%	97.5%	98.7%	99.0%	99.3%	$>\!$	98,4%	99.0%	98.8%	98.7%	98.8%	96.5%		97.4%	96.9%	97.1%	97.4%	97.5%	97.2%	97.2%	97.2%	99.2%	95.7%	97.4%	97.7%	96.4%		97.3%	98.6%	96.9%	96.7%
MW201867.1	93.3%	97.0%	97.6%	97.6%	98.1%	97.6%	97.6%	97.9%	97.9%		98.4%	$>\!\!<$	99.1%	99.0%	98.8%	99.0%	97.2%	97.1%	97.9%	96.8%	96.9%	97.5%	97.4%	97.7%	97.7%	95.1%	97.9%	96.1%	97.2%	97.9%		96.9%	97.4%	98.8%	97.0%	96.9%
MT833058.1	93.3%		97.9%	97.9%	98,4%	97.9%	98.2%	98.2%	98.5%	98.8%	99.0%	99.1%	$>\!\!<$	99.9%	99,4%	99.6%	97.2%		98.2%	97.4%	97.5%	98.2%	98.0%	98.0%	98.0%	95.7%	98.5%	96.4%	97.9%	98.5%			97.7%	99.4%	97.6%	97.5%
MT833234.1	93.2%	96.9%	97.8%	97.8%	98.2%	97.8%	98.1%	98.1%	98.4%	98.7%	98.8%	99.0%	99.9%	\sim	99.3%	99.4%	97.1%	96.9%	98.0%		97.4%	98.0%	97.9%	97.9%	97.9%		98.3%	96.3%	97.7%	98.3%			97.6%	99.2%	97.5%	97.3%
EU660921.1	93.0%		97.6%	97.6%	98.1%	97.6%	97.9%	98.5%	98.8%	98.5%	98.7%	98.8%	99.4%	99.3%	$>\!$	99.6%	96.9%		97.9%			97.9%					98.5%	96.4%	97.9%	98.2%			97.4%	99.1%	97.3%	97.2%
MT833127.1	93.2%	96.9%	97.8%	97.8%	98.2%	97.8%	98.1%	98.4%	98.7%	98.4%	98.8%	99.0%	99.6%	99.4%	99.6%	\geq	97.1%	96.9%	98.0%		97.4%	98.0%	97.9%		97.9%		98.3%	96.3%	97.7%	98.3%			97.6%	99.2%	97.5%	97.3%
KF144750.1:813-1496	93.4%							95.7%	96.0%	96.0%					96.9%		$>\!$	99.6%	96.8%	96.2%						95.3%	96.1%									96.5%
KF144751.1:813-1496	93.3%			96.2%				95.6%	95.9%	95.9%		97.1%					99.6%	$\geq \leq$	96.6%	96.1%	96.2%					95.2%	95.9%									96.3%
KF144731.1:813-1496	93.6%		97.5%	98.2%	97.7%	97.2%	97.5%	96.6%	95.9%	96.9%	97.4%	97.9%	98.2%	98.0%	97.9%	98.0%	96.8%		\geq	98.0%	98.1%	98.4%	98.5%	98,4%	98,5%	96.2%	96.6%	96.1%		97.4%	97.5%	97.5%	97.5%	97.7%	97.4%	96.8%
KF144735.1:813-1496	92.8%	95.9%		97.7%			97.1%	95.9%	96.2%	96.2%	96.9%		97.4%				96.2%	95.1%	98.0%	$>\!\!\!>$	99.0%	98.7%	99.1%	98.7%	99.1%	95.3%	95.8%	95.2%	95.8%					96.8%		95.9%
KF144736.1:813-1496	92.9%	96.0%	96.9%	97.5%	96.8%			56.0 W			97.1%		97.5%	97.4%		97.4%		96.2%	98.1%	99.0%	$>\!$	98.8%	99.3%	98.8%	99.0%	95.5%	95.9%	95.3%	95.9%	96.6%					96.8%	96,1%
KF144724.1:813-1496	93.4%	96.6%	97.5%	97.9%	97.4%		98.2%	96.6%	96.9%	96.9%	97.4%	97.5%	98.2%	98.0%	97.9%	98.0%	96.9%	96.8%	98.4%	98.7%	98.8%	\sim	99.3%	99.1%	99.3%	95.1%		95.9%	96.5%	97.2%	97.1%			97.5%	97.4%	96.6%
KF144730.1:813-1496	93.4%		97.4%	98.0%			97.7%	96.5%			97.5%		98.0%	97.9%		97.9%			98.5%	99.1%	99.3%	99.3%	\sim	99.3%	99.4%	95.9%		95.8%		97,1%				97.4%	97.2%	96.5%
KF144718.1:813-1496	93.3%		97.4%	98.3%			97.7%	96.5%			97.2%	97.7%	98.0%	97.9%	97.7%	97.9%	96.6%		98.4%	98.7%	98.8%	99.1%	99.3%	\geq	99.6%	95.8%	95.2%	95.6%	96.2%	96.9%				97.2%	97.2%	96.3%
KF144720.1:813-1496	93.3%	96.5%	97.4%	98,6%	97.2%	96.9%	97.7%	96.5N			97.2%	97.7%	98.0%	97.9%	97.7%	97.9%	96.8%	96.6%	98.5%	99.1%	9900%	99.3%	99,4%	99.6%	\geq	95.9%		95.8%		97,1%	96.9%	96.9%		97.4%	97.2%	96.5%
CTV_J	89.3%	94.1%	94.9%	94.9%	95.7%	95.2%	95.2%	97.0%				96.1%					95.3%	95.2%	95.2%	95.3%	95.5%	96.1%	95.9%	95.8%	95.9%	$>\!\!\!>$	98.7%	95.6%	97.2%					98.0%	97.6%	96.4%
KF144734.1:813-1496	92.3%	95.7%	96.6%		97.7%	97.2%		98.8%	99.1%	99.4%	99.2%	97.9%	98.5%	98.3%	98.5%	98.3%	96.155	95.9%	96.6%	95.8%	95.9%			96.2% i		98.7%	\geq	96.8%	97.7%					98.1%	97.7%	97.5%
KU361340.1:16080-1681	91.3%	94.1%	94.9%	94.9%	95.1%	94.7%	94.9%	95.2%	95.5%	95.5%	95.7%	96.1%							95.1%	95.2%	95.3%	95.9%	95.8%	95.6%	95.8%	95.6%	96.8%	\geq	97.4%					98.1%		97.5%
KF144738.1:813-1496	92.3%	96.0%					96.9%			97.5%			97.9%	97.7%	97.9%					95.8%	95.9%			96.2%		97.2%	97.7%		$>\!\!\!\!>\!\!\!\!>$	97.2%				98.1%	97.7%	97.5%
KF144770.1:813-1496	93.0%		97.2%	97.2%	97.7%	97.2%	97.5%	96.9%	97.2%	97.2%	97.7%	97.9%	98.5%	98.3%	98.2%	98.3%	96.8%		97.4%			97.2%	97.1%		97.1%	96.8%	97.2%	97.2%	97.2%	\geq	98.1%	98.1%	98.1%	98.5%	98.3%	97.7%
FJ525434.1:16095-16823	91.5%	95.4%		95.7%	96.7%		96.0%	96.0 W	96.0%	96.0%									97.5%								97.1%			98.1%	\geq	99.7%	98.6%	98.4%	98.1%	97.5%
MH051718.1:16079-1680	91.5%	95.1%	95.0%	95.7%	96.7%		96.0%	96.0%	95.0%	95.0%		96.9%					96.9%	96.8%	97.5%				96.9%	96.8%	96.9%		97.1%			98.1%	99.7%	\geq	98.6%	98.4%	98.1%	97.5%
GQ131682.1:34-724	92.7%	95.9%	96.8%		98.8%	98.3%	96.8%		96.8%	96.8%	97.3%	97.4%	97.7%	97.6%	97.4%	97.6%			97.5%				96.9%	96.8%	96.9%		97.4%			98.1%	98.6%	98.6%	\geq	98.7%	98.0%	97.5%
KF144729.1:813-1496	93.0%		97.5%	97.5%	98.3%	97.9%	97.9%	97.9%	98.2%	98.2%	98.6%	98.8%	99.4%	99.2%	99.1%	99.2%	96.8%		97.7%			97.5%	97.4%		97.4%	98.0%	98.1%	98.1%	98.1%	98.5%	98.4%	98.4%	98.7%	> <	99.2%	98.8%
HM160513.1	91.8%	95.2%	95.8%	95.8%		95.8%		96,1%					97.6%						97.4%			97.4%				97.6%				98.3%	98.1%	98.1%	98.0%	99.2%		99.3%
JF957196.1:16080-16810	92.0%	95.4%	95.0%	95.7%	96:1%	95.7%		96.0%												95.9%	96.1%						97.5%							98.8%	99.3%	$>\!\!<$

<그림 1-78> Homology distance of 36 cases of CTV isolates.



<그림 1-79> Phylogenic tree of 36 cases of CTV isolates.





1. CTV - 40 F :

5'- ACGAAXXXXXAAATTGAAGAAXXXXAAACAA -3'

- 2. CTV 200 P :
 - 5'- CAA CAG XXX XXX GCT TTA AAC AGA GAC TTA[FAM-dT]T[THF]C [BHQ1-dT] TAC TTT XXX XXX GAA -3' Spacer C
- 3. CTV 315 R :
 - 5'- GTAATXXXXXACTCTTAACTXXXXACGATA -3'

<그림 1-81> RPA exo primer and probe set of 36 cases of CTV isolates.




<그림 1-82> Limitation of Detection (ng/ul) of RPA Exo-RT reaction with primer and probe set of CTV.



reagent	volu	ıme
2x R Buffer	10 ul	80 ul
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
10x B	2 ul	16 ul
20x B	1 ul	8 ul
50x B	0.4 ul	3.2 ul
RT	0.4 ul	3.2 ul
CTV - 40 F	0.7 ul	5.6 ul
CTV - 315 R	0.7 ul	5.6 ul
CTV - 200 P 1pM	0.25 ul	2.0 ul
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
RNA	1.0 ul	1.0 ul
DW	1.3 ul	16 ul
Total	20	ul



<그림 1-83> Limitation of Detection (copies/ul) of RPA Exo-RT reaction with primer and probe set of CTV.





<그림 1-84> RPA Exo-RT reaction of primer and probe set of CTV with several bacteria.







<그림 1-85> RPA Exo-RT reaction of primer and probe set of CTV with field samples.

No.1	1	2	3	4	5	6	+ Ctrl	DW
RT-PCR	+	+	+	+	+	+		
Exo-RPA	+	+	+	+	+	+	+	-:
No.2	7	8	9	10	11	12	+ Ctrl	DW
RT-PCR	+	+	+	+	+	+		
Exo-RPA	-	+	+	+w	+	+	+	-
No 3	12	14	15	16	17	19	+ Ctrl	DW
DT DCD	10	14	13	10		10	T Curi	
RI-PCR	+	+	+	+	+	+		
Exo-RPA	+w	-	+	+	+	+	+	-
	40	-	-			~		514
No.4	19	20	21	22	23	24	+ Ctri	DW
RT-PCR	÷	+	+	+	+	+		
Exo-RPA	+	+	+	+	+	÷	+	-
No.5	25	26	27	28	29	30	+ Ctrl	DW
RT-PCR	+	-	+	-	+	-		
Exo-RPA	+		+	-	+w	-	+	-

Table 1. RPA Exo-RT reaction of CTV infected field samples.

- CTV isolates 15건에 대한 유전자를 분석한 결과, 크게 네 개의 그룹으로 나누어지고 있었으 나 분리주 간에 크게는 11%까지의 변이가 관찰되었다 (그림 1-78, 79).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 3'쪽에서 프라이머와 프로브 세트 가 생성되어 그중에서 하나의 프라이머 프로브 세트를 선정하여 인공합성하였다. 이 프라이 머와 프로브 (Primer probe set; CTV-40F, CTV-200P, CTV-315R)의 특성을 평가하였다 (그림 1-80, 81).
- 최소검출한계 (ng/ul)를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10 ng 부터 0.01 pg 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 20분간 반응시킨 결과, 0.01 pg까지 검출이 되었다 (그림 1-82).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 20분간 반응시킨 결과, 100 copies까지 검출이 되었다 (그림 1-83).
- 17건의 박테리아에 대한 유전자와 반응에서는 CTV primer와 probe 세트가 반응을 하지 않아 100%의 특이도를 보였다 (그림1-84).
- RT-RPA CTV detection kit의 민감도를 알아보기 위하여 30개의 샘플을 준비하여 RT-PCR를 수 행한 결과, 27건이 양성이었고 3건이 음성이었다. 3건의 음성 샘플은 RT-RPA CTV detection kit에서도 음성으로 판정되었다. RT-RPA CTV detection kit는 27건의 RT-PCR 양성 샘플에 대하여서는 25건이 양성이었다. 그러므로 RT-RPA CTV detection kit의 민감도는 92.6% (25/27)였다 (그림 1-85, Table 1).
- Exo RT RPA 반응은 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시켰고 음성대조군인 증류수와 는 반응이 없었다 (그림 1-85).

○ 이상의 결과로 RT-RPA CTV detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-86, 87). ○ 엘씨엠싸이언스 홈페이지에 등록하여 시판을 실시하였다 (그림 1-88).



<그림 1-86> CTV ER detection kit.

LCM Science Co., Ltd

LCM-CTV-ER-50

Citrus tristeza virus (CTV) ER-Detection Kit

50 rxn

Revision No.: LCM-CTV-ER-0001 Issue Date: Jul 03, 2023 User Manual For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.yuglobal.wavework.kr, nova3546@lcmscience.co.kr

161-10 Baekto-ri Hyangnam-eun Hwaseong-si Gyeonggido South Korea

Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 speegene@gmail.com

1. General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based fluorescence monitoring.

2. Storage conditions

The kit should be kept -20 °C (Full activity is guaranteed for 6 months)

3. Application

The Citrus tristeza virus (CTV) ER-Detection kit contains specially designed probe and primer set for amplification of CTV gene to detect the CTV viral RNA from specimens.

4. Product Description

Citrus tristeza virus (CTV) is a viral species of the genus Closterovirus that causes the most economically damaging disease to its namesake plant genus, Citrus. The disease has led to the death of millions of Citrus trees all over the world and has rendered millions of others useless for production. Farmers in Brazil and other South American countries gave it the name "tristeza", meaning sadness in Portuguese and Spanish, referring to the devastation produced by the disease in the 1930s. The virus is transmitted most efficiently by the brown citrus aphid.

CTV is a flexuous rod virus with dimensions of 2000 nm long and 12 nm in diameter. The CTV is genome is typically between 19.2 and 19.3 kb long and consists of a single strand of (+)-sense RNA aclosed by two types of capsid proteins. The size of its genome makes CTV one of the largest RNA viruses known. The CTV genome contains 12 open reading frames, which could encode at least 17 proteins.

which could encode at least 17 proteins. CTV is a virus that is limited to the phloem tissues of its host. It is transmitted semi-persistently by vectors that penetrate the phloem to extract sap, mostly the aphild species that colonize the crop. The brown citrus aphild is considerably more efficient at transmitting the virus than are other aphilds that infest citrus. In Florida, it has been shown to be from six to twenty five times as efficient as Aphis gossypii, the most efficient vector found in the state before the introduction of the brown citrus aphild and its tendency to produce winged forms in order to colonize new growth. A: gossypii has a much wider host range, including hundreds of plant species in Florida, and the transmission of the virus is blocked when it feeds on a different host.

The Citrus tristeza virus (CTV) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use system

for the detection of the Citrus tristeza virus by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx Ltd). The master contains enzyme and reagents including specific probe and primer sets which is specially designed to amplifi-the CTV gene for the unique amplification of Citrus tristeza virus RNA within 15-20 min

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent	CAP	Qty / 50 rxns
1	CTV Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl
2	CTV Probe	PRO	1 vial, 80 µl
3	CTV Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl
5	CTV Positive control	POS	1 vial, 50 µl
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml

6. Required Materials and Devices

Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner /CFX96 real time PCR/ Biological cabinet / Vortex mixer / Micropipets (0.5 – 1000 μ) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 μ) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Microcentrifuge / Biohazard waste container

7. Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

· Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits.

7.2. RPA reaction

No	Reagent	1 rxn	8 rxn
1	CTV Enzyme Master Mix	14.0 μl	112 µl
2	CTV Probe	1.5 µl	12.0 µl
3	CTV Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 µl	12.8 µl
5	RNA	1.0 µl	Χ μΙ
Total		20.0 µl	160.0 μl

* Use the reagents which are stored at -20 $^\circ$ C after spin down briefly when those are melted before use.

- * Be careful of contamination when you use the positive control for amplification.
- 1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents according to the table below.
- 2) Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down. 3) Aliquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.
- 4) Add positive and negative control (DW) to each PCR tube. * It is highly recommended that the mixture for negative control should be made separately to avoid cross contamination. 5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the
- hubble
- 6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min.

7) Set the program as below table.

Step	No. of Cycle	Temperature	Duration
1	40	37-40 ℃	30 sec

8) Plate setup

- Set the fluorophores with FAM. Type the sample names in the each tube.
- * Unknown: clinical sample
- Negative control
- * Positive control

8. Reading the Result

Exp. example

	Positive reaction			Negative reaction			
-	March Tolera	* rat	-	tant tant	* 101		
-							
-			-				
-			-				
_			-				
-			1				
-			-				
	T		1				
	min		-	min			

<Example of CTV RT-RPA reaction at T8 UV scanner>

Case	Positive control	Negative control	CTV RNA	Interpretation
1	+	-	+	CTV Positive
2	+	-	-	CTV Negative
3	+	+	+/-	
4	-	+	+/-	Invalid result / retest
5	-	-	+/-	

9. Warnings and Precaution

- 1) For research use only.
- 2) Carefully read this instruction before starting the procedure. 3) Clinical samples should be regarded as potentially infectious materials and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood.
- 4) Do not use the kit after its expiration date written on box.5) Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may cause
- wrong test result. 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the
- tubes before use. 7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.
- 8) Use always sterile pipette tips with filters.9) Wear separate coats and gloves in each area.
- 10) Collected test samples in sterile tubes.
- 11) Test samples should be extracted immediately or frozen at -20 °C to -80 °C.



<그림 1-87> Insert of CTV ER detection kit.







Citrus tristeza virus (CTV) ER-Detection Kit

Citrus tristeza virus (CTV) ER-Detection Kit

₩ 600,000

Citrus tristeza virus (CTV) ER-Detection Kit 는 TwistDx Ltd. 에서 개발한 RPA (Recombinase Polymerase Amplification) 를 기반으로 한 제품입니다. RPA에서 생성된 증폭 산물은 프로브 기반 형광 모니터링을 통해 실시간으로 CTV를 검출하는 분자진단제입니다.



Citrus tristeza virus (CTV) ER-Detection Kit

Research use only

Citrus tristeza virus (CTV) ER-Detection Kit 는 감염된 작물로 부터 CTV를 검출하여 정량분석하는 연구용 제품 입니다.







Citrus tristeza virus (CTV) ER-Detection Kit	Research use only
--	-------------------

제품스펙 주문정보 관련제품

사용목적

Citrus tristeza virus (CTV) ER-Detection Kit 는 TwistDx Ltd.에서 개발한 RPA (Recombinase Polymerase Amplification) 를 기반으로 한 제품입니다. RPA에서 생성된 증폭 산물은 프로브 기반 형 광 모니터링을 통해 실시간으로 CTV를 검출하는 분자진단제입니다.

제품특징

- ・20분내 빠른 검사 결과 확인 ・간편한 사용법
- ·빠른 시간대비 높은 민감도
- ·사용자를 위한 동영상 제공

Citrus tristeza virus (CTV) ER-Detection Kit

Research use only

제품스펙

검체	CTV 감염의심 작물
검사시간	15-20분 (핵산추출시간 제외)
민감도	10 ² copies/ul
특이도	100%
보관온도	-20°C

Citrus tristeza virus (CTV) ER-Detection Kit

Research use only

주문정보

Cat. No.	제품명	보관온도	Test/Kit	가격
LCM-CTV-ER-50	Citrus tristeza virus (CTV) ER-Detection Kit	-20 °C	50T/Kit	₩600,000 (VAT 별도)

<그림 1-88> CTV ER Detection kit in LCM science Homepage.

■ CTV nfo detection kit - 공동연구기관 - 강원대 결과

- 1. CTVnfo 40 F : 5'- ACGAXXXXAGAAATTGAAXXXXAAAACAA -3'
- 2. CTVnfo 200 P :
 - 5'- [FAM]CAA XXX XXX GCT GCT TTA AAC AGA GAC TTA TT[THF] C T TAC TTT XXX XXX GAA -3' Spacer C
- 3. CTVnfo 315 R :

5'- [Biotin] GTAAXXXTGAACTCTTXXXTGCTAAACGATA -3'

<그림 1-89> RT-RPA nfo primer probe set of CTV.

									reagent	vol	ume
				Field s	sample				2x R Buffer	10 ul	80 ul
	-	r	1		1	1	-	_	100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
	\sim	\square	1			0	0	0	10x B	2 ul	16 ul
	0	0-				•	•	•	20x B	1 ul	8 ul
			-		-	100	100	-	50x B	0.4 ul	3.2 ul
	12	12	12	12	12	12	12	12	RT	0.4 ul	3.2 ul
		20	N		C	- C		2 0	CTVnfo-40 F	0.7 ul	5.6 ul
	PC	PC	PC	PC	PC	PCI	PC	PC	CTVnfo-200 P	0.7 ul	5.6 ul
	RD	RD	RD	RD	RD	RD	RD	RD	CTVnfo-315 R 1pM	0.2 ul	1.6 ul
CTV	25	26	27	20	20	20	I and all	DW	MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
	25	20	21	28	29	30	+ ctri	Dvv	RNA	1.0 ul	1.0 ul
PCR	+	-	+		+	-	+		DW	1.3 ul	16 ul
nto	+	2	+		+		+		Total	20) ul

<그림 1-90> CTV RT-RPA nfo reaction with filed samples.

		LoD (ng)								
	• 12C PCRD	• 12 C PCRD	12 C PCRD	• 12 C PCRD	• 12c PCRD					
LoD	10 pg	1 pg	0.1 pg	0.01 pg	DW					
Result	+	+	+	+	-					

reagent	volu	volume				
2x R Buffer	10 ul	80 ul				
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul				
10x B	2 ul	16 ul				
20x B	1 ul	8 ul				
50x B	0.4 ul	3.2 ul				
RT	0.4 ul	3.2 ul				
CTVnfo-40 F	0.7 ul	5.6 ul				
CTVnfo-200 P	0.7 ul	5.6 ul				
CTVnfo-315 R 1pM	0.2 ul	1.6 ul				
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul				
RNA	1.0 ul	1.0 ul				
DW	1.3 ul	16 ul				
Total	20 ul					

<그림 1-91> LoD (ng/ul) of RT-RPA nfo reaction with CTV primer and probe set.

		L	oD (copie	es)	
	• 12 C PCRD	• 12 c PCRD	12 C PCRD	12 C PCRD	12C PCRD
LoD	10 ⁷	10 ³	10 ²	10 ¹	DW
Result	+	+	+w	-	

reagent	volume			
2x R Buffer	10 ul	80 ul		
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul		
10x B	2 ul	16 ul		
20x B	1 ul	8 ul		
50x B	0.4 ul	3.2 ul		
RT	0.4 ul	3.2 ul		
CTVnfo-40 F	0.7 ul	5.6 ul		
CTVnfo-200 P	0.7 ul	5.6 ul		
CTVnfo-315 R 1pM	0.2 ul	1.6 ul		
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul		
RNA	1.0 ul	1.0 ul		
DW	1.3 ul	16 ul		
Total	20 ul			

<그림 1-92> LoD (copies/ul) of RT-RPA nfo reaction with CTV primer and probe set.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT BYMV primer & probe set를 응용하여 PCRD을 이용한 육안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe들을 합성하였다 (그림 1-89).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분간 반응시킨 후 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다 (그림 1-90).
- RPA nfo kit를 사용하여 field에서 수집한 샘플을 이용하여 RNA를 분리한 후 CTV nfo primer probe와 반응을 시켜서 RT-PCR결과와 비교해 본 결과 감염된 샘플과 잘 반응하였다 (그림 1-90).

volume

80 ul

5.6 ul

16 ul

8 ul

3.2 ul

5.6 ul

5.6 ul

10 ul

1.0 ul

36 ul

20 ul

10 ul

0.7 ul

2 ul

1 ul

0.4 ul

0.7 ul

0.7 ul

1.0 ul

1.0 ul

2.5 ul

○ 검출한계는 0.01 pg, 100 copies/ul까지 가능하였다 (그림 1-91, 92).



■ CTV end point detection kit - 위탁연구기관 - 전남대 결과

<그림 1-93> RT-RPA end point detection reaction of CTV primer set according to the time.



reagent	volume		
2x R Buffer	10 ul	80 ul	
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul	
10x B	2 ul	16 ul	
20x B	1 ul	8 ul	
RT	0.4 ul	3.2 ul	
CTV - 40 F	0.7 ul	5.6 ul	
CTV - 156 R	0.7 ul	5.6 ul	
MgOAc	1.0 ul	10 ul	
RNA	1.0 ul	1.0 ul	
DW	2.5 ul	36 ul	
Total	20 ul		

<그림 1-94> LoD (ng/ul) of CTV RT-RPA end point detection kit.



<그림 1-95> LoD (copies/ul) of CTV RT-RPA end point detection kit.

1 2 3 4 5 6 + DW									reagent	vol	ume
15.63	TITE	TTTT			Field Samples-1				2x R Buffer	10 ul	80 ul
1				600	<i>P</i> < 0.0001 R ² =0.9997				100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
		-		0.400			-		10x B	2 ul	16 ul
		1 1 1	E	value					20x B	1 ul	8 ul
				AM 200					RT	0.4 ul	3.2 ul
				L 200-					CTV - 40 F	0.7 ul	5.6 ul
				<u></u>				L	CTV - 156 R	0.7 ul	5.6 ul
					1 2 3	4 5	6 + ctrl DV	v	MgOAc	1.0 ul	10 ul
						Sample No.			RNA	1.0 ul	1.0 ul
No.1	1	2	3	4	5	6	+ Ctrl	DW	DW	2.5 ul	36 ul
RT-PCR	+	+	+	+	+	+			Total	20) ul
	+	+	+	+	+		+	-			
End-RPA	107	123	108	125	102	88	505	81			
	107	122	111	125	103	86	494	79			

_

<그림 1-96> RT-RPA end point detection reaction of CTV primer set with field samples-I.



<그림 1-97> RT-RPA end point detection reaction of CTV primer set with field samples-II.

10	14 15	16 17		7		Field Sam	ples-3		reagent	vol	ume
15	14 15	10 17	10 + DW	/		· ···· · ···	P < 0.00	001	2x R Buffer	10 ul	80 ul
12	800 R ² =1.0000						100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul		
	L AD AL	14417411	A CONTRACTOR	value	100		_		10x B	2 ul	16 ul
-6	CAR.	frft	Raftan	FAM	+00-		_		20x B	1 ul	8 ul
	TH		100		200-				RT	0.4 ul	3.2 ul
1	1	1	9 7 9					<u></u>	CTV - 40 F	0.7 ul	5.6 ul
					13 14	Sample	/ 18 + ctri D No.	VVV	CTV - 156 R	0.7 ul	5.6 ul
									MgOAc	1.0 ul	10 ul
No.2	13	14	15	16	17	18	+ Ctrl	DW	RNA	1.0 ul	1.0 ul
RT-PCR	+	+	+	+	+	+			DW	2.5 ul	36 ul
5 J 554	+	+	+	+	+	+	+	-	Total	20) ul
End-RPA	124	184	112	119	161	136	654	85			
	124	183	112	119	164	134	655	86			

<그림 1-98> RT-RPA end point detection reaction of CTV primer set with field samples-III.



<그림 1-99> RT-RPA end point detection reaction of CTV primer set with field samples-IV.

														reagent	vol	ume
25	26	27	28	29	30	+	DW	<u> </u>	Field Samples-5					2x R Buffer	10 ul	80 ul
24		T-DA		-	-	1			600 - R ² =0.9997				100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul	
24	T	1	The second	Ser.	The second	4		en	400-					10x B	2 ul	16 ul
			IL COMPANY	-	4			M val						20x B	1 ul	8 ul
-20	<u>₹</u> 200-									RT	0.4 ul	3.2 ul				
a	T	1			Ĩ	Ĭ	Ĭ		0					CTV - 40 F	0.7 ul	5.6 ul
1	1		۳ (9	9	V	1		0-	25 26	27 28 29	30 + ctrl DW	P.	CTV - 156 R	0.7 ul	5.6 ul
											Sample N	0.		MgOAc	1.0 ul	10 ul
No 2	25			26		27		20		20	20	. Ctrl	DW	RNA	1.0 ul	1.0 ul
DT DCD	2.			20	_			20	-	23	30	+ cui	DW	DW	2.5 ul	36 ul
RI-PCR	+)). 		-	_	+		-		+	-			Total	20) ul
End-RPA	+	2		+		+		+		+	+	+	-			
	103	3		95		111		90		95	118	569	65			
	104	1		92		108		85		91	112	560	70			

<그림 1-100> RT-RPA end point detection reaction of CTV primer set with field samples-V.

No.1	1	2	3	4	5	6	+ Ctrl	DW
RT-PCR	+	+	+	+	+	+		
End-RPA	Ŧ	+	÷	+	+	-	+	-
No 2	7	0	0	10	11	12	L Chul	DW
110.2		0	9	10	1.1	12	+ Cui	DVV
RT-PCR	+	+	+	+	+	+		
End-RPA	1.7			+	(=)		+	-
								and a state
No.3	13	14	15	16	17	18	+ Ctrl	DW
RT-PCR	+	+	+	+	+	+		
End-RPA	Ŧ	t	ŧ	+	+	+	+	-
								-
No.4	19	20	21	22	23	24	+ Ctrl	DW
RT-PCR	+	+	+	+	+	+		
End-RPA	:=	:=:	::=:		-	+	+	-
No.5	25	26	27	28	29	30	+ Ctrl	DW
RT-PCR	+	-	+	-	+			
End-RPA	÷	+	+	+	+	+	+	.

Table 2. RPA end point detection reaction of CTV infected field samples

○ 사이버그린을 이용한 CTV end point detection kit는 반응 후 5분부터 음성과 양성을 구별 할 수 있었다 (그림 1-93).

○ 최소검출한계 (ng/ul)를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10 ng 부터 0.01 pg 까
 지 단계적 희석한 후 39℃에서 10분간 반응시킨 결과, 0.01 pg까지 검출이 되었다 (그림 1-94).

○ 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 10분간 반응시킨 결과, 1000 copies까지 검출이 되었다 (그림 1-95).

- RT-RPA CTV end point detection kit의 민감도를 알아보기 위하여 30개의 샘플을 준비하여 RT-PCR를 수행한 결과, 27건이 양성이었고 3건이 음성이었다. 3건의 음성 샘플은 RT-RPA CTV end point detection kit에서 양성으로 판정되었다. RT-RPA CTV end point detection kit는 27건의 RT-PCR 양성 샘플에 대하여서는 16건이 양성이었다. 그러므로 RT-RPA CTV detection kit의 민감도는 59.3% (16/27)였다 (그림 1-96, 97, 98, 99, 100, Table 2).
- RT-RPA CTV end point detection kit는 특이도와 민감도가 낮아서 현장에서 사용하기에는 부적당한 것으로 사료된다.

6. Grapevine fleck virus (GFkV) - RPA probe 진단제 개발









- 포도덩굴 반점 바이러스(GFkV), 포도나무 레드 글로브 바이러스(GRGV), 포도나무 루페스트리스 정맥 깃털 바이러스(GRVFV), 포도나무 소행성 모자이크 관련 바이러스(GAMaV) 및 포도나무 시 라 바이러스 1(GSyV-1)은 진화적으로 관련된 그룹입니다. 형태학적, 물리화학적, 분자적 특성 이 유사한 바이러스. GFkV는 반점병의 원인균이며 GAGV는 소행성모자이크병, GRVFV는 각각 소 행성모자이크병, GRVFV는 특정 증상에 관여하지 않는다.
- GSyV-1은 네 가지 바이러스와 많은 특성을 공유하지만 아직 특정 증후군과 관련이 없습니다.
 이 모든 바이러스는 체관부 제한적이고 기계적으로 전염되지 않으며 주로 감염된 전파 물질을
 통해 퍼집니다. GFkV는 어디에나 존재하는 반면 다른 바이러스는 특정 지리적 영역에서만 보고

되었습니다. GFkV의 자연 현장 전파에 대한 확인되지 않은 보고가 거의 없음에도 불구하고 이에 대한 벡터나 다른 바이러스는 확인되지 않았습니다.

○ 바이러스 게놈은 6.5-7.5kb 크기의 캡핑 및 폴리아데닐화, 시토신이 풍부한 메신저 유사 RNA의 단일 분자로 구성됩니다. 현재 분류법에 따르면, 이러한 바이러스는 Tymoviridae, 목 Tymovirales의 Maculavirus(GFkV 및 GRGV) 및 Marafivirus(GSyV-1, GRVFV 및 GMaV) 속의 인식 되거나 추정되는 종에 속합니다.



<그림 1-101> Homology distance of 42 cases of GFkV isolates.



<그림 1-102> Phylogenic tree of 45 cases of GFkV isolates.

	1	100	200	300	400	500	600	700
Consensus		a contrat de descente					No. In the second	Accession 1
Identity								
17. MZ091492_Russi 18. MZ091494_Russi			I.		LT.		ТН	
19. MW810496_Russi 20. MZ091484_Russi								
21. MW810498_Russi 22. MZ091486 Russi							ТН	1 1
23. MZ091487_Russi 24. MZ091480 Russi							HI	
25. MZ091482_Russi 26. MZ091490_Russi	<u>n</u>							
27. JN022610_Brazil 28. MZ001403_Russi			1 1 1	$+$ $+$ $+$ π			<u></u>	
29. MW810497_Russi		i i i	n in	i i li li				
31. MZ091481_Russi		11 1 1	11			i i		
32. MW246579_05A 33. MW246581_USA			Ť		i i			
34. MW246582_USA 35. MW246583_USA	E E	11						
36. MW246580_USA 37. MN716779_USA			<u> </u>					
38. MZ091483 Russi 39. MW929097 Russi			а <u>а</u>			22		
40. GU372374_USA		1	- <u>11</u>					
42. GU372373_USA	n i	Î.	i ii				н	

<그림 1-103> Region of RPA exo primer and probe set candidates of 45 cases of GFkV isolates.

1. GFkV - 191 F :

5'- TAAGXXXXXCACCTCCCCTTCXXXXCCTGTGGTAT -3'

- 2. GFkV 237 P :
 - 5'- TTC CTG XXX XXX GAC ATC ACG GGC ACC GAG[FAM-dT]CC[THF]CC[BHQ1-dT] ACA CCT XXX XXX CCA TC-3' Spacer C
- 3. GFkV 352 R :

5'- CAGTGGXXXGGACGAAGGCTTCAXXXXXGGTGAG-3'

<그림 1-104> RPA exo primer and probe set of 45 cases of GFkV isolates.



reagent	vol	ume		
2x R Buffer	10 ul	80 ul		
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul		
10x B	2 ul	16 ul		
20x B	1 ul	8 ul		
50x B	0.4 ul	3.2 ul		
RT	0.4 ul	3.2 ul		
GFkV - 191 F	0.7 ul	5.6 ul		
GFkV - 352 R	0.7 ul	5.6 ul		
GFkV - 237 P 1pM	0.2 ul	1.6 ul		
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul		
RNA	1.0 ul	1.0 ul		
DW	1.3 ul	16 ul		
Total	20 ul			



<그림 1-105> Limitation of Detection (ng/ul) of RPA Exo-RT reaction with primer and probe set of GFkV.

	Tube Overlay - FAM
Statistication and a second	

reagent	vol	volume			
2x R Buffer	10 ul	80 ul			
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul			
10x B	2 ul	16 ul			
20x B	1 ul	8 ul			
50x B	0.4 ul	3.2 ul			
RT	0. <mark>4 ul</mark>	3.2 ul			
GFkV - 191 F	0.7 ul	5.6 ul			
GFkV - 352 R	0.7 ul	5.6 ul			
GFkV - 237 P 1pM	0.2 ul	1.6 ul			
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul			
RNA	1.0 ul	1.0 ul			
DW	1.3 ul	16 ul			
Total	20) ul			



<그림 1-106> Limitation of Detection (copies/ul) of RPA Exo-RT reaction with primer and probe set of GFkV.

т	ube Overlay - FAM
and and a second s	

reagent	volume			
2x R Buffer	10 ul	80 ul		
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul		
10x B	2 ul	16 ul		
20x B	1 ul	8 ul		
50x B	0.4 ul	3.2 ul		
RT	0.4 ul	3.2 ul		
GFkV - 191 F	0.7 ul	5.6 ul		
GFkV - 352 R	0.7 ul	5.6 ul		
GFkV - 237 P 1pM	0.2 ul	1.6 ul		
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul		
RNA	1.0 ul	1.0 ul		
DW	1.3 ul	16 ul		
Total	20	ul		







<그림 1-107> RPA Exo-RT reaction of primer and probe set of GFkV with field samples.

No.1	1	2	3	4	5	6	+ Ctrl	DW
RT-PCR	+	+	+	-	-	-		
End-RPA		+	+	-	-	+		
				1000				
No.2	1	8	9	10	11	12	+ Ctrl	Dvv
RT-PCR	+	+	+	+	+	+		
End-RPA	+	+	+	+	+	+		
No.3	13	14	15	16	17	18	+ Ctrl	DW
RT-PCR	+	+	+	+	+	+		
End-RPA	+	-	-	-	-	+		
	2005	10000	11-1100	10.60	tte Maria	10000		5.50 Kt/cs.
No.4	19	20	21	22	23	24	+ Ctrl	DW
RT-PCR	+	+	+	+	+	+		
End-RPA	-	-	+	-	-	-		
Nie E	25	26	27	20	20	20	L Chul	DW
110.5	25	20	21	28	29	30	+ Ctrl	Dvv
RT-PCR	+	+	+	+	+	+		
End-RPA	1.77	-	1. 	-			+	=0

Table 3. RPA Exo-RT reaction of GFkV infected field samples

reagent	volu	ume
2x R Buffer	10 ul	80 ul
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
10x B	2 ul	16 ul
20x B	1 ul	8 ul
50x B	0.4 ul	3.2 ul
RT	0.4 ul	3.2 ul
GFkV - 191 F	0.7 ul	5.6 ul
GFkV - 352 R	0.7 ul	5.6 ul
GFkV - 237 P 1pM	0.2 ul	1.6 ul
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
RNA	1.0 ul	1.0 ul
DW	1.3 ul	16 ul
Total	20	ul

No	Bacteria	result
1	Brevibacterium casei	Negative
2	Micrococcus luteus	Negative
3	Streptococcus pyogenes	Negative
4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
5	Serratia marcescens	Negative
6	Enterobacter aerogenes	Negative
7	Klebsiella oxytoca	Negative
8	Staphylococcus warneri	Negative
9	Proteus mirabilis	Negative
10	Citrobacter freundii	Negative
11	Enterococcus faecalis	Negative
12	Streptococcus agalactiae	Negative
13	Staphylococcus epidemidis	Negative
14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
15	Propionibacterium acnes	Negative
16	Dermabacter homins	Negative
17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
18	Distilled water	Negative
Positive control	GFkV - mRNA transcript	Positive





<그림 1-108> RPA Exo-RT reaction of primer and probe set of GFkV with several bacterial samples.

- GFkV isolates 45건에 대한 유전자를 분석한 결과, 크게 네 개의 그룹으로 나누어지고 있었으 나 분리주 간에 크게는 6%까지의 변이가 관찰되었다 (그림 1-101, 102).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 유전자 중간에 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 그중에서 하나의 프라이머 프로브 세트를 선정하여 인공합성하였다. 이 프 라이머와 프로브 (Primer probe set; GFkV-191F, GFkV-237P, GFkV-352R)의 특성을 평가하였 다 (그림 1-103, 104).
- 최소검출한계 (ng/ul)를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10 ng 부터 0.01 pg 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 20분간 반응시킨 결과, 0.01 pg까지 검출이 되었다 (그림 1-105).

- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10°-10° copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 20분간 반응시킨 결과, 10 copies까지 검출이 되었다 (그림 1-106).
- RT-RPA CTV detection kit의 민감도를 알아보기 위하여 30개의 샘플을 준비하여 RT-PCR를 수 행한 결과, 27건이 양성이었고 3건이 음성이었다. 3건의 음성 샘플은 2건은 음성 한 건은 양 성으로 RT-RPA GFkV detection kit에서 판정되었다. RT-RPA GFkV detection kit는 27건의 RT-PCR 양성 샘플에 대하여서는 11건이 양성이었다. 그러므로 RT-RPA GFkV detection kit의 민감도는 40.7% (11/27)였다 (그림 1-107, Table 3).
- Exo RT RPA 반응은 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시켰고 음성대조군인 증류수와
 는 반응이 없었다 (그림 1-107).
- 17건의 박테리아에 대한 유전자와 반응에서는 GFkV primer와 probe 세트가 반응을 하지 않아 100%의 특이도를 보였다 (그림1-108).
- RT-RPA GFkV detection kit는 특이도와 LoD가 좋았지만 민감도에서 좋은 결과를 얻지 못하여 시제품을 제작하지는 않았다.

■ GFkV nfo detection kit - 공동연구기관 - 강원대 결과

1. GFkVnfo - 191 F :

5'- TAAGCXXXXXCCTCCCCTTCCAGTXXXTGGTAT -3'

- 2. GFkVnfo 237 P :
 - 5'- [FAM]TTC CTG XXX XXX GAC ATC ACG GGC ACC GAG TCC [THF] CCT ACA CCT XXX XXX CCA TC-3' Spacer C
- 3. GFkVnfo 352 R :

5'- [Biotin] CAGTGGGXXXGAAGGCTTCAAXXXGAGGTGAG-3'

<그림 1-109> RT-RPA nfo primer probe set of GFkV.

	LoD (ng)						
	12 C PCRD	12 C PORD	12 C PCRD	12 C PCRD	12 C PCRD		
LoD	10 pg	1 pg	0.1 pg	0.01 pg	DW		
Result	+	+	+	+	-		

reagent	voli	ume
2x R Buffer	10 ul	80 ul
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
10x B	2 ul	16 ul
20x B	1 ul	8 ul
50x B	0.4 ul	3.2 ul
RT	0.4 ul	3.2 ul
GFkVnfo-191F	0.7 ul	5.6 ul
GFkVnfo-352R	0.7 ul	5.6 ul
GFkVnfo-237P 1pM	0.2 ul	1.6 ul
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
RNA	1.0 ul	1.0 ul
DW	1.3 ul	16 ul
Total	20	ul

<그림 1-110> LoD (ng/ul) of RT-RPA nfo reaction with GFkV primer and probe set.

		C	opies/ul		
	12 C PCRD	Il PCRD	Il PCRD	I ^{12C} PCRD	• 12 c PCRD
LoD	10 ⁶	10 ³	10 ²	10 ¹	DW
Result	+w	+w	+w	+w	-

reagent	volume			
2x R Buffer	10 ul	80 ul		
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul		
10x B	2 ul	16 ul		
20x B	1 ul	8 ul		
50x B	0.4 ul	3.2 ul		
RT	0.4 ul	3.2 ul		
GFkVnfo-191F	0.7 ul	5.6 ul		
GFkVnfo-352R	0.7 ul	5.6 ul		
GFkVnfo-237P 1pM	0.2 ul	1.6 ul		
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul		
RNA	1.0 ul	1.0 ul		
DW	1.3 ul	16 ul		
Total	20) ul		

<그림 1-111> LoD (copies/ul) of RT-RPA nfo reaction with GFkV primer and probe set.

				Filed	l sample	es			reagent	vol	ume
									2x R Buffer	10 ul	80 ul
									100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
	0	•	(•)	(\bullet)			()		10x B	2 ul	16 ul
		\sim			~		-	-	20x B	1 ul	8 ul
	1 - I	1.		1.	1	1	1	T =	50x B	0.4 ul	3.2 ul
	2 C	2 C	2 C	2 C	- ° °	- ĉ	- 0	- 0	RT	0.4 ul	3.2 ul
	P	P	P	PO	PC	PO	PC	PC	GFkVnfo-191F	0.7 ul	5.6 ul
	CRI	CRI	CRI	CRE	RE	RE	Ř	R	GFkVnfo-352R	0.7 ul	5.6 ul
	0	0	0	610	C11	620		DIV	GFkVnfo-237P 1pM	0.2 ul	1.6 ul
DCD	G/	G8	G9	GIU	GII	G20	+ ctrl	Dvv	MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
PCR	+	+	+	+	+	-	+	-	RNA	1.0 ul	1.0 ul
PCRD	+w	+w	+w	+w	+w	+w	+		DW	1.3 ul	16 ul
									Total	20) ul

<그림 1-112> RT-RPA nfo reaction of GFkV primer and probe set with several field samples.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT GFkV primer & probe set를 응용하여 PCRD을 이용한 육안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe들을 합성하였다 (그림 1-109).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분간 반응시킨 후
 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다 (그림 1-110).
- 검출한계는 0.01 pg, 1 copies/ul까지 가능하였다 (그림 1-110, 111).
- RPA nfo kit를 사용하여 field에서 수집한 샘플을 이용하여 RNA를 분리한 후 GFkV nfo primer probe와 반응을 시켜서 RT-PCR결과와 비교해 본 결과 감염된 샘플과 잘 반응하였다 (그림 1-112).



<그림 1-113> RT-RPA end point detection reaction of GFkV primer set according to the time.



reagent	vol	ume
2x R Buffer	10 ul	80 ul
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
10x B	2 ul	16 ul
20x B	1 ul	8 ul
50x B	0.4 ul	3.2 ul
RT	0.4 ul	3.2 ul
GFkV - 191 F	0.7 ul	5.6 ul
GFkV - 352 R	0.7 ul	5.6 ul
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
RNA	1.0 ul	1.0 ul
DW	1.3 ul	16 ul
Total	20	ul

<그림 1-114> LoD (ng/ul) of GFkV RT-RPA end point detection kit.

■ GFkV end point detection kit - 위탁연구기관 - 전남대 결과

reagent	volu	ume
2x R Buffer	10 ul	80 ul
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul
10x B	2 ul	16 ul
20x B	1 ul	8 ul
50x B	0.4 ul	3.2 ul
RT	0.4 ul	3.2 ul
GFkV - 191 F	0.7 ul	5.6 ul
GFkV - 352 R	0.7 ul	5.6 ul
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul
RNA	1.0 ul	1.0 ul
DW	1.3 ul	16 ul
Total	20	ul

<그림 1-115> LoD (copies/ul) of GFkV RT-RPA end point detection kit.

GFkV-LoD

108 106 105 104 103 102 101 DW copies/ul

P < 0.0001 $R^2 = 0.9990$

FAM

GFkV Field Sample - I

1454	-	AL.	A STA			reagent	volume			
90 2	3 4 4	6 +	1	250	°1 🕳	2x R Buffer	10 ul			
11	0.0		100	200-					100 mM dNTP	0.7 ul
	<u></u>		20	anlav 150	D-	10x B	2 ul			
	타타		8 8	₩ 100-					20x B	1 ul
				50	D-	50x B	0.4 ul			
				(RT	0.4 ul			
					GD1 GD2	GFkV - 191 F	0.7 ul			
						GFkV - 352 R	0.7 ul			
	GD1	GD2	GD3	GD4	GD5	GD6	+	DW	MgOAc	1.6 ul
FAM	236	217	214	214	211	191	230	177	RNA	1.0 ul
	236	216	212	214	210	189	228	174	DW	1.3 ul
Result	+	+	+	+	+	+	+		Total	20 ul

<그림 1-116> RT-RPA end point detection reaction of GFkV primer set with field samples-I.

GFkV Field Sample - II												
1124	12222	12125	114		(GFkV Sam	reagent	volume				
7 8 9 10 11 11 + -				200-		$R^2 = 0.9932$			2x R Buffer	10 ul		
	0.00		<u>)</u>						100 mM dNTP	0.7 ul		
									10x B	2 ul		
			7	A A A A A A A A A A A A A A A A A A A				20x B	1 ul			
<u>A A A A A A A A</u>				50-				50x B	0.4 ul			
				_ه		┯┛┛┯┚┛┯	RT	0.4 ul				
				en					GFkV - 191 F	0.7 ul		
						00			GFkV - 352 R	0.7 ul		
	GD7	GD8	GD9	GD10	GD11	GD12	÷	DW	MgOAc	1.6 ul		
FAM	152	150	138	132	139	138	177	123	RNA	1.0 ul		
	153	149	138	132	138	138	171	120	DW	1.3 ul		
Result	+	+	+	+	+	+	+	-	Total	20 ul		

<그림 1-117> RT-RPA end point detection reaction of GFkV primer set with field samples-II.



GFkV Field Sample - III GFkV Samples

<그림 1-118> RT-RPA end point detection reaction of GFkV primer set with field samples-III.

Carthally.	The Part	Wind Town	the second							
10 10	H 12 1	2.4	1	20	0-		P < 0.00 $D^2 = 0.08$	01	reagent	volume
*	6 8 9	1.4	15	20			R = 0.96	04	2x R Buffer	10 ul
		NO THE	1 Aug						100 mM dNTP	0.7 ul
221	381	122	2						10x B	2 ul
									20x B	1 ul
			V	5	0-		50x B	0.4 ul		
				,	₀⊥₽₽	╷╷╷╷	RT	0.4 ul		
					GD19 GD20	602 602 G	GFkV - 191 F	0.7 ul		
							Ū		GFkV - 352 R	0.7 ul
	GD19	GD20	GD21	GD22	GD23	GD24	+	DW	MgOAc	1.6 ul
FAM	145	137	142	154	149	133	144	113	RNA	1.0 ul
	142	132	139	154	146	129	140	110	DW	1.3 ul
Result	+	+	+	+	÷	+	+	-	Total	20 ul

GFkV Field Sample - IV

<그림 1-119> RT-RPA end point detection reaction of GFkV primer set with field samples-IV.

这些人		REAL	大三	2	00 -		P < 0.00 $P^2 = 0.53$	01	reagent	volume
it no	27 28 27	TT T	-					21	2x R Buffer	10 ul
uu	u u			1 9	50		Д	T	100 mM dNTP	0.7 ul
-			-	1 val	00-				10x B	2 ul
8.8				FAI	50			20x B	1 ul	
					50-			50x B	0.4 ul	
				SUP SUP SUP SUP SUP SUP SUP IN					RT	0.4 ul
									GFkV - 191 F	0.7 ul
									GFkV - 352 R	0.7 ul
	GD25	GD26	GD27	GD28	GD29	GD30	+	DW	MgOAc	1.6 ul
FAM	152	136	148	146	139	156	141	114	RNA	1.0 ul
	130	120	128	124	117	131	121	98	DW	1.3 ul
Result	+	+	+	+	+	+	+	÷	Total	20 ul

GFkV Field Sample - V

<그림 1-120> RT-RPA end point detection reaction of GFkV primer set with field samples-V.

No.1	1	2	3	4	5	6	+ Ctrl	DW
RT-PCR	+	+	+	-	-	-		
Exo-RPA	+	÷	+	+	+	+	+	
No.2	7	8	9	10	11	12	+ Ctrl	DW
RT-PCR	+	÷	+	+	+	+		
Exo-RPA	+	+	÷	+	+	+	+	-
No.3	13	14	15	16	17	18	+ Ctrl	DW
RT-PCR	+	+	+	+	+	+		
Exo-RPA	+	+	-	+	-	-	+	-
			1256					1000
No.4	19	20	21	22	23	24	+ Ctrl	DW
RT-PCR	+	+	+	+	+	+		
Exo-RPA	+	+	+	+	+	+	+	-
	-	1000		-				
No.5	25	26	27	28	29	30	+ Ctri	DW
RT-PCR	+	+	+	+	+	÷		
Exo-RPA	+	+	+	+	+	+	÷	 (

Table 4. RPA end point detection reaction of GFkV infected field samples

○ 사이버그린을 이용한 GFkV end point detection kit는 반응 후 10분부터 음성과 양성을 구 별할 수 있었다 (그림 1-113).

○ 최소검출한계 (ng/ul)를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10 ng 부터 0.01 pg 까
 지 단계적 희석한 후 39℃에서 15분간 반응시킨 결과, 0.01 pg까지 검출이 되었다 (그림 1-114).

○ 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 15분간 반응시킨 결과, 10⁵ copies까지 검출이 되었다 (그림 1-115).

RT-RPA GFkV end point detection kit의 민감도를 알아보기 위하여 30개의 샘플을 준비하여 RT-PCR를 수행한 결과, 27건이 양성이었고 3건이 음성이었다. 3건의 음성 샘플은 RT-RPA GFkV end point detection kit에서 양성으로 판정되었다. RT-RPA GFkV end point detection kit는 27건의 RT-PCR 양성 샘플에 대하여서는 24건이 양성이었다. 그러므로 RT-RPA GFkV detection kit의 민감도는 88.9% (24/27)였다 (그림 1-116, 117, 118, 119, 120, Table 4).
 RT-RPA GFkV end point detection kit는 특이도와 민감도가 현장에서 스크린용으로 사용하기에 적당할 것으로 사료된다.
◎ 1년차 정성적 연구개발성과

■ 주관연구기관- ㈜ 엘씨엠싸이언스 연구결과

1. Apple stem grooving virus (ASGV) - RPA probe 진단제 개발

Apple stem grooving virus, ASGV (6,495 nts)





<그림 1-1> Genetic map, Symptom, EM of ASGV.

1) ASGV-CP (97건)에 대한 유전자 분석 및 프라이머 프로브 디자인



<그림 1-2> Comparison the homology of 97 cases of ASGV-CP genes.



<그림 1-3> Phylogenic tree of 97 cases of ASGV-CP genes.



<그림 1-4> Region of primer and probe of ASGV-CP genes.

ASGV 175 F: TGTAAATATTTATTTGGTAATATTGCTGTTTTCGG ASGV 615R: TTTTTCATCAGGTGTTAAACGATTCATTTTTAGAC <그림 1-5> Candidate of primer set No.1 of ASGV-CP genes.

	1	2	3	4	5	6	7	8
	Apple 3-2	Apple 3-4	Apple 3-5	Apple 3-6	Pear	Pear	Pear	Pear
					U1-2	U4-4	U4-5	NJ-3
PCR	+	.+	+	+	+	+	+	1 +.
End point	-	+	-	-	+	+	-	+
FAM	66	118	90	61	121	163	86	111
FAM	69	124	94	65	126	171	93	129
FAM	57	93	63	48	92	114	66	81
	Q	10	11	12	12	14	DW/	DW
	Pear	Pear	Pear	Pear	Apple	Apple	DW	
	S4-4	S1-3	NU-6	NU-3	1-6	1-11		
PCR	+	+	+W	+W	-	-		
End point	-	÷	+	+	-	-		
FAM	79	68	128	120	90	94	67	65
FAM	80	69	131	123	91	95	67	66
FAM	49	46	83	77	60	59	44	42

RPA Basic Liquid – End point detection test

<그림 1-6> Result of End point detection kit with ASGV-CP primer set No.1.

○ ASGV-CP 유전자 97건에 대한 유전자를 분석한 결과 5개의 sub type으로 나뉘었다.

- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과 한 개의 프라이머 세트가 지정되었 고 프로브는 생성되지 안아서 프라이머 세트만 (Primer set No.1; ASGV 175F, ASGV 615R) 평 가하였다 (그림 1-4, 5).
- RPA Liquid Basic kit를 사용하여 12개의 ASGV 양성시료와 2개의 음성시료를 Primer set No.1과의 반응성 여부를 확인하였다.
- RPA 반응은 37℃에서 15분간 반응시킨후 사이버그린 I을 첨가하여 HARU-2000 등온핵산증폭 기로 FAM 값을 측정하였다.
- 양성판정기준은 음성대조군 (증류수)의 FAM값의 두배로 정하였다.
- 그 결과 12개의 양성 샘플 중에서 6개만이 RPA 반응에서 양성으로 판정되었다 (그림 1-6).
- 민감도가 50% 밖에 안되어서 새로운 프라이머를 디자인하기로 하였다.

2) ASGV full sequence (39건) 에 대한 유전자 분석 및 프라이머 프로브 디자인 |



<그림 1-8> Phylogenic tree of 39 cases of ASGV full sequences.

C	1 500	1,000	1,500	2,000	2,500	3,000	3,500	4,000	4,500	5,000	5,500
Consensus		11									
	m	Γ Γ Γ						'n	1		
	m	1 / 1						10.1			
	— in — —										
2010 - 11.00 -				and the state of the	and here a		terment being mit auf der			in the second	
Identity			and the second s		(Arrent in arrest of						
18. KU198289.1 Apple stem			II II I								
19. MI60/622.1 Apple stem											
20. NJ579253.1 Apple Stern g 21. KU605672 1 Apple stern											
22. LC475149.1 Apple stem g			101								
23. AB004063.1 Apple stem											
24. LC143387.1 Apple stem g											
25. LC184610.1 Apple stem g											
27. KX668488.1 Apple stem g											
28. LC184612.1 Apple stem g											
29. MK929792.1 Apple stem											
30. KX686111.1 Apple stem g											
31. D14995.2 Apple stem gro											
33. KF434636.1 Apple stem g											
34. MN786531.1 Apple stem											
35. JQ308181.1 Apple stem g											
36. LC475148.1 Apple stem g											
37. LC475148.1 Apple stem g											
39. MK599422.1 Apple stem											

<그림 1-9> Region of primer and probe set No.2 of ASGV full sequences.

ASGV Full - Primer and Probe

- 1. ASGV 258 F:
 - 5'-CCAATATCCAAAATGATAGAAAATCATCTTTTGTA-3'
- 2. ASGV 351P:
 - 5'- TTT TCA CTT AGA GAA AAT AAA GTT AAT AGT[FAM-dT] T [THF] C [BHQ1-dT] CAA GAT GCA TTC AGT-[3'-block]
- 3. ASGV- 465 R:
 - 5'- CACCATACCTATATTTATCTTTCCCATCAATTATG -3'

<그림 1-10> Candidate of primer and probe set No.2 of ASGV full genes.

				EXO RT-I	RPA test								
1	2	3	4	5	6	7	8						
Apple 3-2	Apple 3-4	Apple 3-5	Apple 3-6	Pear U1-2	Pear U4-4	Pear U4-5	Pear NJ-3						
+	+	+	+	+	+	+	+	PCR					
-	-	-	-	-	-	-	÷	RT_EXO					
9	10	11	12	13	14	DW	DW						
9 Pear S4-4	10 Pear S1-3	11 Pear NU-6	12 Pear NU-3	13 Apple 1-6	14 Apple 1-11	DW	DW						
9 Pear 54-4 +	10 Pear S1-3 +	11 Pear NU-6 +w	12 Pear NU-3 +w	13 Apple 1-6	14 Apple 1-11	DW -	DW -	PCR					
9 Pear 54-4 + -	10 Pear S1-3 + -	11 Pear NU-6 +w	12 Pear NU-3 +w	13 Apple 1-6 -	14 Apple 1-11 -	- -	DW - -	PCR RT_EXO					
9 Pear 54-4 + -	10 Pear S1-3 + -	11 Pear NU-6 +w	12 Pear NU-3 +w	13 Apple 1-6 -	14 Apple 1-11 -	- -	DW - -	PCR RT_EXO					

Reaction	Volume
2x R.Buffer	12.5 ul
10 mM d NTP	2.0 ul
10 x	2.5 ul
20 x	1.25 ul
50 x	0.5 ul
RT (new)	1.0 ul
ASGV 258F	1.5 ul
ASGV 465R	1.5 ul
ASGV 351P	0.1 ul
RNA	2.0 ul
DW	0.0 ul
MgOAC	1.5 ul
total	26.35 ul

<그림 1-11> Result of Real time Exo RT-RPA kit with ASGV full primer probe set No.2.

Reaction	Volume
2x R.Buffer	12.5 ul
10 x	2.5 ul
20 x	1.25 ul
RT (new)	1.0 ul
ASGV 258F	1.0 ul
ASGV 465R	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	3.25 ul
MgOAC	1.5 ul
total	25 ul

RPA - Basic liquid kit – End point detection

1	2	3	4	5	6	7	DW	
Apple 3-2	Apple 3-4	Apple 3-5	Apple 3-6	Pear U1-2	Pear U4-4	Pear U4-5		
+	+	+	+	+	+	+	-	PCR
29	47	36	30	45	51	41	33	FAM
12	28	19	15	29	30	24	17	FAM
12	27	19	17	28	30	27	21	FAM

<그림 1-12> Result of End Point RPA reaction with ASGV full primer probe set No.2.

- ASGV full sequence 39건에 대한 유전자를 분석한 결과, grouping이 전혀되지 않을 정도로 유전자가 많이 달랐다 (그림 1-7, 8).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 여러개의 프라이머와 프로브 세
 트가 생성되어 그중 한 개 (빨간색 점선 박스) 프라이머와 프로브 세트 (Primer probe set No. 2; ASGV 258F, ASGV 351P, ASGV 465R)를 평가하였다 (그림 1-9, 10).
- RPA Exo kit를 사용하여 12개의 ASGV 양성시료와 2개의 음성시료를 Primer probe set No.2와의 반응성 여부를 확인하였다.
- Exo RT RPA 반응은 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시켰으나 전혀 반응이 없어 프로브에 문제가 있는 것으로 판단하여 프라이머 세트만으로 다음 실험을 수행하였다 (그림 1-11).
- RPA Liquid Basic kit를 사용하여 7개의 ASGV 양성시료와 Primer probe set No.2와의 반응 성 여부를 확인하였다.
- RPA 반응은 37℃에서 15분간 반응시킨후 사이버그린 I을 첨가하여 HARU-2000 등온핵산증폭 기로 FAM 값을 측정하였다.
- 양성판정기준은 음성대조군 (증류수)의 FAM값의 두배로 정하였다.
- 그 결과 7개의 양성 샘플이 모두 음성으로 나왔다 (그림 1-12).

3) ASGV full sequence (39건) 에 대한 유전자 분석 및 프라이머 프로브 디자인 ||



<그림 1-13> Region of primer and probe set No.3 of ASGV full sequences.

1. ASGV2-264F:

5'-TCCAAAATGATAGAAAATCATCTTTTGTACATATG-3'

- 2. ASGV2-299P:
 - 5'- GTA TTC CAA GTT ATT CCA AGT CTT CTA TCT [FAM-dT] CC [THF] T [BHQ1-dT] AAG TCA GTT GCC TTT -[3'-block]
- 3. ASGV2-387R:
 - 5'- CTGAATGCATCTTGAGAAAACTATTAACTTTATTT-3'

<그림 1-14> Candidate of primer and probe set No.3 of ASGV full genes.

		Exe	o RT-RP	A test	ASC	iV2		
8	9	10	11	12	13	14	DW	
Pear NJ-3	Pear S4-4	Pear S1-3	Pear NU-6	Pear NU-3	Apple 1-6	Apple 1-11		
+	+	+	+w	+w	-	-	-	PCR
-	-	-	-	-	-	-	-	Exo- probe

Reaction	Volume
2x R.Buffer	12.5 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10 x	2.5 ul
20 x	1.25 ul
50 x	0.5 ul
RT	0.5 ul
ASGV2 264F	0.8 ul
ASGV2 387R	0.8 ul
ASGV2 299P	0.1 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.85 ul
MgOAC	1.5 ul
total	25 ul

<그림 1-15> Result of Real time Exo RT-RPA kit with ASGV full primer probe set No.3.

1 Apple 3-2	A	2 pple 3-4	3 Apple 3-5	e	4 Apple 3-6	5 Pear U1-2	F	6 Dear J4-4	7 Pear U4-5		8 DW	
28.23	2	2.63	25.74	1	23.58	19.89	1	7.27	26.88		0	Ct
76.3	7	76.3	76.3		76.3	76.6	7	75.7	75.1		0	Tm
11 (0.2 u	ul)	12 (0).2 ul)		13			D	w			
Pear NU-6		Pe NI	ear J-3		Apple 1-6	Apple 1-11						
33.8			0		0	0			0		Ct	
76		7	5.4		0	0			0		Tm	
											Melting	curve

ASGV2 – good primer but bad probe

Re	action	Volume
2x	ТВ	5 ul
Tac	7	0.6 ul
AS	GV2 264F	0.4 ul
AS	GV2 387R	0.4 ul
Ro	x dye	0.2 ul
RT		0.2 ul
RN	IA	1.0 ul
DV	V	2.2 ul
		10 ul
	42C	5 min
	95C	10 sec
	95C	5 sec
	60C	34 sec
	95C	15 sec
	55C	15 sec
	95C	15 sec

<그림 1-16> Result of Real time RT-PCR with ASGV full primer probe set No.3.

- 프라이머와 프로브 세트 (Primer probe set No. 2; ASGV 258F, ASGV 351P, ASGV 465R) 평가 한 결과가 좋지 않았다 (그림 1-11, 12).
- 그래서 같은 위치에서 다른 프라이머 프로브 세트를 선정하였다 (Primer probe set No. 3; ASGV2 264F, ASGV2 299P, ASGV2 387R) (그림 1-13, 14).
- RPA Exo kit를 사용하여 5개의 ASGV 양성시료와 2개의 음성시료를 Primer probe set No.3 와의 반응성 여부를 확인하였다.
- Exo RT RPA 반응은 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시켰으나 전혀 반응이 없어 프로브에 문제가 있는 것으로 판단하여 프라이머 세트만으로 다음 실험을 수행하였다 (그림 1-15).
- 프라이머만을 이용하여 real time RT-PCR반응을 7개의 ASGV 양성시료로 수행하였다.

○ 그 결과 7개의 양성 샘플이 모두 양성으로 나왔고 한개의 melting curve가 작성되어 프라이 머는 잘 디자인된 것으로 사료되었다 (그림 1-16).

4) ASGV full sequence (Korean isolates 4건)에 대한 유전자 분석 및 프라이머 프로브 디자인



<그림 1-17> Phylogenic tree and homology distance of 4 cases of ASGV full Korean isolates sequences.

6) 1,500	2,000	2,500	3,000	3,500	4,000	4,500	5,000	5,500 6,00	0 6,494
Consensus										
									<u>h</u> —	-
									n	-i
									-	
Identity	www.outukaw	1 marine and	topic methoda (s			and also and				
1. LC480457.1 Apple stem g										
3. LC475149.1 Apple stem										
4. LC475148.1 Apple stem	1 1 1 11 11 1	I II I								

<그림 1-18> Region of primer and probe set No.4 of ASGV full Korean isolate sequences.

1. ASGV3-5610F :

5'- TCTCAGCTAGAATTGAAAGATTTGGAAAAA -3'

- 2. ASGV3- 5825P :
 - 5'- TTA CTG TAA ATA CTT ATT TGG TAA TAT TGC [FAM-dT] G [THF] T [BHQ1-dT] TCG GGT CAT CTG ATA-[3'-block]

3. ASGV3-6007R:

5'- GACAAGTCGATTCTCCAAATTTTTGTTTTT -3'

<그림 1-19> Candidate of primer and probe set No.4 of ASGV full Korean isolate genes.



<그림 1-20> Result of Real time RT-PCR and Exo-RT-RPA with ASGV full Korean isolate primer probe set No.4.

- ASGV full Korean isolate sequence 4건에 대한 유전자를 분석한 결과도 앞선 결과와 마찬 가지로 유사성이 전혀 보이지 않았다 (그림 1-17).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 여러개의 프라이머와 프로브 세
 트가 생성되어 그중 한 개 (빨간색 점선 박스) 프라이머와 프로브 세트 (Primer probe set No. 4; ASGV3 5610F, ASGV3 5825P, ASGV3 6007R)를 평가하였다 (그림 1-18, 19).
- RPA Exo kit를 사용하여 7개의 ASGV 양성시료와 Primer probe set No.4와의 반응성 여부를 확인하였다.
- Exo RT RPA 반응은 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시켰으나 전혀 반응이 없어

프로브에 문제가 있는 것으로 판단하여 프라이머 세트만으로 다음 실험을 수행하였다 (그림 1-20).

- 프라이머만을 이용하여 real time RT-PCR반응을 7개의 ASGV 양성시료로 수행하였다.
- 그 결과 7개의 양성 샘플이 모두 양성으로 관찰되어 프라이머는 잘 디자인된 것으로 사료되 었다 (그림 1-20).
- 여러번의 프라이머와 프로브 디자인에도 RPA probe법을 이용한 ASGV 진단에 사용할 만한 것이 없어서 램프법으로 접근을 시도하였다.
- 5) ASGV-CP sequence 대한 LAMP 프라이머 디자인



<그림 1-21> Target region of ASGV-CP LAMP primer.

<그림 1-22> Real time RT-LAMP reaction of ASGV-CP LAMP primer.

- ASGV에 대한 RPA probe에 디자인이 쉽지 않았다. 이는 우수한 품종을 얻기 위한 육종의 과정 으로 바이러스 역시 함께 변이가 일어난 것으로 보인다. 해서 본 연구에서는 다른 진단법인 LAMP법으로 프로브세트를 디자인하여 ASGV감염 시료에 대한 진단을 시도하였다. 유전자 부 위는 coat protein이었다.
- Real time RT-LAMP reaction으로 12건의 ASGV 감염목 중에서 10건을 검출할 수 있었고, 양성 인 나머지 두건은 PCR에서 아주 약하게 반응한 시료였다. 두건의 음성 시료는 반응하지 않았 다 (그림 1-22). 이 프라이머 세트를 이용하여 ASGV real time LAMP detection kit를 제작하

였다 (그림 1-24, 25).

1	2	3	4		5	6	7	DW	Time
Apple 3-2	Apple 3-4	Apple 3-5	Apple 3-	6 Pe U1	ar 1-2	Pear U4-4	Pear U4-5		
28.06	23.79	28.3	25.6	35	5.6	26.18	21.36	0	Ct
+	+	+	+	+	w	+	+	æ)	40 min
8	9	10	11	12	13	14	DW	Time	
Pear NJ-3	Pear S4-4	Pear S1-3	Pear NU-6	Pear NU-3	Appl 1-6	e App 1-1	le 1		
35.29	33.05	33.90	0	0	0	0	0	Ct	
#	40	144	-		-	1.1		40 min	

ASGV-CP Eye detection LAMP kit

2x C LAMP	10 ul
ASGV-CP Primer	4 ul
RNA	1 ul
DW	5 ul
Total	20 ul

Pink - negative Yellow - positive



<그림 1-23> ASGV-CP Eye detection LAMP kit using HARU-2000 nucleic acid amplifier.

- ASGV-CP LAMP primer를 이용하여 육안으로 결과를 관찰할 수 있는 ASGV-CP Eye detection LAMP kit를 제조하여 12건의 양성과 2건의 음성 시료를 검사하였다.
- 양성시료는 노란색으로 변하고, 음성시료는 붉은 빛을 띄게된다.
- Eye detection LAMP 반응에서 10건이 노란색으로 변하여 양성이었고, 색깔의 반응 정도를 real time LAMP reaction에서 얻은 Ct값과 비교해 보니, 정비례하였다 (그림 1-23).
- 음성의 두건은 붉은 빛을 유지하였고, 음성 대조군으로 사용한 증류수 또한 붉은 빛을 띄었다.
- 이 결과를 바탕으로 ASGV eye detection kit를 제작하였다 (그림 1-26, 27).



<그림 1-24> Development of ASGV real time LAMP detection kit.

오이비<u>지</u> 표스 (주)

Research use only

50 rxn

Sp-ASGV-RT-LAMP-50

ASGV Real Time LAMP Detection Kit

Revision No.: Sp_ASGV_RT_LAMP-001 Issue Date: Oct. 16. 2021 User Manual For Research Use Only

Manufactured by Speegenebio Co. speegene@gmail.com Tel: +82-10-8621-2676 553 Sanseongdae-ro Sujeong-gu Seongnam-si Gyeonggi-do #608 Euljikwan Eulji University 13135 Republic of Korea

1. 제품설명

ASGV real time LAMP detection kit 는 LAMP (loop-mediated isothermal amplification) 기법을 이용하여 등온 조건에서 국내에서 유행하는 Apple stem grooving Virus 유전자를 증폭할 수 있도록 구성된 제품입니다. LAMP는 strand displacement DNA synthesis 기능을 가지는 *Bst* polymerase를 이용하여 6개의 프라이머에 의해 반응이 이루어집니다. 먼저 내부 프라이머가 DNA 에 결합하여 신장되 면서 strand displacement가 발생하며 먼저 형성된 가다은 떨어져 나오게 됩니다. 딸 이져 나온 단일가락의 5~말단에서부터 loop 구조가 형성되며 이는 3~말단에서도 같은 과정이 반복되고 loop구조가 신장되게 됩니다. LAMP 를 수행하기 위해서는 증폭 시킬 유전자의 6개의 위치를 인식하도록 특별히 고만된 4개의 프라이머를 사용하게 됩니다 이는 일반 PCR이 2개의 위치를 인식하는 것과 비교했을 때, LAMP는 타켓 DNA에 대한 특이성이 매우 높아짐을 의미합니다. 본 제품은 ASGV의 coat protein 유전자를 검출할 수 있도록 디자인한 재품입니다.

2. 제품 특성

- 1) 고특이성 검사: 일반 PCR법이 2개의 위치를 인식하는 것과 비교했을 때 LAMP 의 경우 6개의 유전자 위치를 인식하도록 프라이미를 설계하기 때문에 타켓 DNA에 높은 특이성을 가지고 있습니다.
- 2) 경제적 검사: 등은 증폭의 특징상 온도 변화에 따른 DNA의 손실 및 손상이 없 기 때문에 증폭효율이 매우 높으며 온도조절이 필요없기 때문에 상대적으로 반 응시간이 짧아집니다 (65°C, 40분).
- 3) 현장검사: 실험실에서 고가의 장비를 이용한 검출 뿐만 아니라 현장에서는 보다 저렴한 휴대용등온핵산중폭기 [HARU-2000, 에스앰션전자 (주)] 를 이용하여 ASGV 바이러스를 검출할 수 있습니다.

3. 제품 구성

번호	명 칭	뚜 껑	수량 / 50 회분
1	2x LAMP Enzyme Mixture	ENZ	520 µ2, 17H
2	ASGV-CP Primer Mixture	PRM	160 µ2, 17H
3	ASGV-CP Positive Control	POS	30 µ2 , 1개
4	Molecular Grade Water	DW	500 µ e , 1개
5	LAMP Dye	Dye	25 µ2 , 1개

4. 필요 구성물 (제공되지 않음)

실험용 파이펫 및 팁/ 살균용 70% 에탄을/ 실험용 일회용 장갑/ 교반기/ 8-STRIP용 원심분리기/등온핵산증폭기/ CFX96 real-time PCR detection system (Bio-Rad)/Applied Biosystems 7500 Fast real time PCR instrument system (Thermo Fisher Scientific)/ 그와 일반적인 실험실 장비

5. ASGV 바이러스 RNA 분리

* 상용회된 키트를 이용하거나 실험자에게 역숙한 방법으로 ASGV RNA를 주출하여 본 키트에 적용합니다.

6. LAMP 반응

1) ASGV 바이러스 검출을 위한 LAMP 반응액은 아래표와 같이 준비합니다.

Reagent	Volume	
2x LAMP Enzyme Mixture	10 µe	
ASGV-CP Primer Mixture	3 µe	
RNA sample	1-2 µl	
LAMP dye	0.4 µl	
Molecular Grade Water (DW)	4.6 - 5.6 µl	
Total	20 w2	

2) RNA sample은 1~2 μℓ 넣어줍니다.

- 3) 매 실험마다 양성대조군과 음성대조군 (증류수)를 함께 반응시켜 줍니다.
- A. HARU-2000 사용시
- 1) 노트북과 HARU-2000을 연결합니다.
- 2) HARU-2000을 켜고 LAMP 프로그램을 선택합니다
- 3) 노트북에서 HARU_RealTimeChartViewer를 실행시키고 표시창에서 Logging을 선택하여 Start를 누릅니다.
- 4) 표시창에서 Setting→ Network → Connect 눌러서 노트북과 기기를 연결합니다.
- 5) HARU-2000에 검사 PCR 튜브를 넣고 시작 버튼을 누릅니다.
- 6) 결과는 실시간으로 노트북에서 보실 수 있습니다.
- B. Real time PCR machine 사용시

1) 표와 같이 세팅합니다.

Step	No. of Cycle	Temperature	Duration	Threshold setting	Fluorophore
 1	40	65℃	45 sec	Auto	FAM

2) 시작 버튼을 누릅니다

<반응예>



7. LAMP 결과 분석

ative	Interpretation (Ct value)	

Case	control	control	Interpretation (Ct value)
1	+		ASGV Positive
2			ASGV Negative
3	+	+	
4		+	Invalid result / retest
5	-	-	

8. 사용상의 주의 사항

- 1) 본 제품은 연구용입니다.
- 2) 감염 및 미지의 질병을 일으킬 수 있는 위험성을 내포하고 있는 검체를 취 급할 시에는 실험전에 실험 할 예정인 장소에 비닐 매트나 이에 상용하는 깔개를 깔아 놓은 다음 실험을 시작하여 실험 종결 후 폐기물은 121°C에서 15분 동안 가열한 다음 생물학적 위험성 물질로 간주하여 폐기 처분함으 로써 간접적 접촉자의 감염 및 실험 결과물에 의한 치후 실험 결과의 오류 를 예방하여야 합니다.
- 3) 본 제품 및 검채를 다루는 동안 항상 마스크와 실형용 일회용 장갑 또는 비닐 장갑을 착용하여야 합니다.
- 4) 본 제품의 서로 다른 lot의 시약을 섞어서 사용하지 말아야 합니다.
- 5) 본 제품의 어떤 구성 시약일지라도 입으로 가져가지 말아야 합니다.
- 6) 본 제품 및 검체를 다루는 동안 흡연, 음식물 섭취 및 음료수 섭취를 하지 말아야 합니다.
- 7) 본 제품 및 검채를 다루는 동안 주변에 주사바늘이나 칼 등 사용자에게 상처를 입힐수 있는 기구를 놓지 말아야 하며, 이와 같은 기구를 사용하지 않음으로써 안전사고를 방지하여야 합니다.
- 8) 본 제품의 구성 시약 및 검채를 조심스럽게 다루어 용기 뚜껑들 개봉 시 분무현상이 일어나지 않게 하고, 마스크를 착용함으로써 시약 및 검채들이 입에 튀어 묻는 것을 방지하여야 합니다.



<그림 1-25> Insert of ASGV real time LAMP detection kit.



<그림 1-26> Development of ASGV eye detection kit.

오이비즈 (주)

ASGV Eye Detection Kit

Revision No.: Sp_ASGV_Eye_LAMP-0001 Issue Date: Oct. 16. 2021 User Manual For Research Use Only

Manufactured by Speegenebio Co.

rainlee67@naver.com Tel: +82-10-8621-2676 553 Sanseongdae ro Sujeong gu Seongnam si Gyeonggi do #608 Euljikwan Eulji University 13135 Republic of Korea

1. 제품설명

ASGV Eye Detection Kit는 LAMP (loop-mediated isothermal amplification) 기법을 어용하여 등은 조건에서 국내에서 유행하는 Apple stem grooving virus 유전자를 증 독할 수 있도록 구성된 제품입니다. LAMP는 strand displacement DNA synthesis 기 능을 가지는 *Bst* polymerase를 이용하여 6개의 프라이머에 의해 반응이 이루어집니 다. 먼저 내부 프라이머가 DNA 에 결합하여 신장되면서 strand displacement가 발생 하며 먼저 형성된 가닥은 떨어져 나오게 됩니다. 떨어져 나온 단일가닥의 5'-말단에 서부터 loop 구조가 형성되며 이는 3'-말단에서도 같은 과정이 반복되고 loop구조가 신장되게 됩니다. LAMP 를 수행하기 위해서는 증폭시킬 유전자의 6개의 위치를 인 식하도록 특별히 고안된 4개의 프라이머를 사용하게 됩니다 이는 일반 PCR이 2개의 위치를 인식하는 것과 비교했을 때, LAMP는 타켓 DNA에 대한 특이성이 매우 높아 짐을 의미합니다. 본 제품은 ASGV의 coat protein을 증폭한후 육안으로 결과를 판독 할 수 있도록 디자인한 제품입니다.

2. 제품 특성

- 1) 고특이성 검사: 일반 PCR법이 2개의 위치를 인식하는 것과 비교했을 때 LAMP 의 경우 6개의 유전자 위치를 인식하도록 프라이머를 설계하기 때문에 타켓 DNA에 높은 특이성을 가지고 있습니다.
- 2) 경제적 검사: 등은 증폭의 특징상 온도 변화에 따른 DNA의 손실 및 손상이 없 기 때문에 증폭효율이 매우 높으며 온도조절이 필요없기 때문에 상대적으로 반 응시간이 짧아집니다 (65℃, 40분).
- 3) 현장검사: 일정한 온도만 유지하면 되기 때문에 고가의 장비가 필요 없이 비교 적 간단한 장비만을 가지고 반응이 가능하며 경우에 따라 전기영동 없어 dye 염 색법으로 실험결과 도출이 가능하므로 실험실 내에서의 환경이 아니더라도 현장 에서 ASGV 유전자의 검출이 가능합니다.

3. 제품 구성

번호	명칭	뚜껑	수량 / 50 회분
1	2x Color LAMP Enzyme Mixture	ENZ	520 µe , 1개
2	ASGV-CP Primer Mixture	PRM	210 µe , 17¦
3	ASGV-CP Positive Control	POS	25 µe , 17¦
4	Molecular Grade Water (DW)	DW	300 µe , 17¶

4. 필요 구성물 (제공퇴지 않음)

실험용 파이펫 및 팁/ 살균용 70% 애탄올/ 실험용 일회용 장갑/ 교반기/ 8-STRIP용 원심분리기/ 등온액신증폭기/ 그외 일반적인 실험실 장비

5. ASGV RNA 분리

* 상용화된 키트를 이용하거나 실험자애게 익숙한 방법으로 ASGV RNA를 추출 하여 본 키트에 직용합니다.

6. LAMP 반응

1) ASGV 검출을 위한 LAMP 반응액은 아래표와 같이 준비합니다.

50 rxn

Reagent	Volume
2x Color LAMP Enzyme Mixture	10 µe
ASGV-CP Primer Mixture	4 με
RNA sample	1-2 µl
Molecular Grade Water (DW)	4-5 με
Total	20 µl

2) RNA sample은 1-2 µl 넣어줍니다.

- 3) 매 실험마다 양성대조군과 융성대조군 (증류수)를 함께 반응시켜 줍니다.
- 4) 등온핵산증폭기를 켜고 LAMP 프로그램을 실행시킵니다.
- 5) 등은핵산증폭기의 온도가 65℃에 도달하면 튜브를 넣고 40분 동안 반응 시킵니다.
- 6) 결과는 육안으로 관찰합니다.

7. LAMP 결과 분석

- 1) 음성대조군은 붉은색 혹은 핑크빛으로 보입니다.
- 2) 양성대조군은 노란색으로 보입니다.
- 3) 색의 구분이 불분명할 경우 재 반응합니다
- 4) 예상되는 양성시료의 색이 변하지 않을 경우, 60분까지 반용을 시킵니다.
- 5) 음성대조군이 노란색으로 변하면 재반응합니다.
- 6) 음성대조군이 재반응하여도 노란색으로 변하면 실험환경의 오염원을 제거 하는 작업이 필요합니다.
- 7) 양성태조군의 색이 핑크빛이면 재반응합니다.
- 8) 상기 기준이 부합하지 않을 경우, 실험자의 경험과 실험환경에 따라서 양성 판정기준을 따로 실정하셔도 됩니다.

<반응예>

1.00	(Rite)	Net	1000	- Alexa (
4	1		1	
11 A.	1.18	1.18	1	1
161 160	10 Di	74	30	11
ALC: ALC:				
1 III.			17	

8. 사용상의 주의 사항

- 1) 본 제품은 연구용입니다.
- 2) 감염 및 미지의 질병을 일으킬 수 있는 위험성을 내포하고 있는 검체를 취 급할 시에는 실험전에 실험 할 예정인 장소에 비닐 매트나 이에 상용하는 깔개를 깔아 놓은 다음 실험을 시작하여 실험 종결 후 폐기봉은 121℃에서 15분 동안 가열한 다음 생물학적 위험성 물질로 간주하여 폐기 처분함으 로써 간접적 접촉자의 감염 및 실험 결과물에 의한 차후 실험 결과의 오류 를 예방하여야 합니다.
- 3) 본 제품 및 검세를 다루는 동안 항상 마스크와 실험용 일회용 장갑 또는 비닐 장갑을 착용하여야 합니다.
- 4) 본 제품의 서로 다른 lot의 시약을 섞어서 사용하지 말아야 합니다.
- 5) 본 제품의 어떤 구성 시약일지라도 압으로 가져가지 말아야 합니다.
- 6) 본 제품 및 검채를 다루는 동안 흡연, 음식물 섭취 및 음료수 섭취를 하지 말아야 합니다.
- 7) 본 제품 및 검체를 다루는 동안 주변에 주사바늘이나 칼 등 사용자에게 상처를 입혈수 있는 기구를 놓지 말아야 하며, 이와 같은 기구를 사용하지 않음으로써 안전사고를 방지하여야 합니다.
- 8) 본 제품의 구성 시약 및 검체를 조심스럽게 다루어 용기 뚜껑들 개봉 시 분무현상이 일어나지 않게 하고, 마스크를 착용힘으로써 시약 및 검체들이 입에 튀어 묻는 것을 방지하여야 합니다.



<그림 1-27> Insert of ASGV eye detection kit.

2. Apple chlorotic leafspot virus (ACLSV) - RPA probe 진단제 개발



<그림 1-28> Symptoms of Apple chlorotic leafspot virus.

1) ASCLV (7 Korean isolates) 에 대한 유전자 분석 및 프라이머 프로브 디자인



	KY31057	KY31057	KY31057	KY31057	KY31057	LC47515	KX50684
Y310576,1 Apple	$>\!$	96.3%	95.7%	95.4%	81.3%	80.8%	79.3%
Y310575,1 Apple	96.3%	\geq	95.4%	95.2%	81.0%	80.5%	79.6%
Y310574.1 Apple	95.7%	95.4%	\geq	95.5%	81.3%	80.5%	79.3%
Y310577,1 Apple	95.4%	95.2%	95.5%	$>\!$	81.1%	80.8%	79.4%
Y310578,1 Apple	81.3%	81.0%	81.3%	81.1%	$>\!$	80.3%	79.5%
C475152.1 Apple	80.8%	80.5%	80.5%	80.8%	80.3%	$>\!\!\!\!>$	80.7%
X506849,1 Apple	79.3%	79,6%	79,3%	79,4%	79.5%	80.7%	$>\!\!<$

ACLSV – Homology distance

<그림 1-29> Phylogenic tree and homology distance of 7 ACLSV Korean isolate sequences.



<그림 1-30> Region of primer and probe set No.1 of ACLSV Korean isolate sequences.

1. ASCLV-3775F :

5'- ATGAATGACTTTATTGGCATAGATGAACAA -3'

- 2. ASCLV-3849P :
 - 5'- TTC ATG GAA AGA AAG GGA ATC ACA TAG AAG [FAM-dT] AA [THF] TC [BHQ1-dT] TGT TGC CAG CAT GGT -[3'-block]

3. ASCLV-4042R:

5'- TTCTAAATCTTGTTATTGCCACCATTATGT-3'

<그림 1-31> Candidate of primer and probe set No.1 of ACLSV Korean isolate genes.

1	2	3	4	DW	
Apple 1-1	Apple 1-2	Apple 2-1	Apple 2-2		
+	+	+	+	-	PCR
-	-	-	-	-	Exo RT- RPA

ACLSV_509 bp											
Apple_1-1	Apple_1-2	Apple_2-1	Apple_2-2	Pear_14-1	Pear_14-2	Pear_15-1	Pear_15-2	Apple_3-1	Apple_3-2	Apple_3-3	Apple_3-4
-	-				-	- 69	-		-		

Reaction	Volume
2x R.Buffer	12.5 ul
100 mM dNTP	0.8 ul
10 x	2.5 ul
20 x	1.25 ul
50 x	0.5 ul
RT	0.5 ul
ASCLV 3775F	0.8 ul
ASCLV 4042R	0.8 ul
ASCLV 3849P	0.1 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.75 ul
MgOAC	1.5 ul
	25 ul

<그림 1-32> Result of RT-PCR and Exo-RT-RPA with ACLSV Korean isolate primer probe set No.1.



<그림 1-33> Result of real time RT-PCR with primer set only from ACLSV Korean isolate primer probe set No.1.

- ACLSV full Korean isolates 7건에 대한 유전자를 분석한 결과, 한국 분리주임에도 불구하고, 4개가 한 그룹이 되었고 나머지 3개는 grouping이 전혀되지 않을 정도로 유전자가 많이 달랐다 (그림 1-29).
 - Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 한개의 프라이머와 프로브 세트
 가 생성되어 (빨간색 점선 박스), 이를 (Primer probe set No. 1; ASCLV-3775F, ASCLV-3849P, ASCLV-4042R)를 평가하였다 (그림 1-30, 31).
 - RPA Exo kit를 사용하여 4개의 ACLSV 양성시료를 Primer probe set No.1과의 반응성 여부 를 확인하였다 (그림 1-32).
 - Exo RT RPA 반응은 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시켰으나 전혀 반응이 없어 프로브에 문제가 있는 것으로 판단하여 프라이머 세트만으로 다음 실험을 수행하였다 (그림 1-32).
 - Probe를 제외하고 primer set만으로 real time RT-PCR을 9건의 양성시료와 3건의 음성시료
 로 반응시킨 결과, 2건의 양성시료에서 양성반응을 보였고, 한건의 음성시료에서 양성반응
 을 보였다 (그림1-33).
- 2) ASCLV2 (7 Korean isolates) full sequence에 대한 유전자 분석 및 프라이머 프로브 디자인



<그림 1-34> Region of primer and probe set No.2 of ACLSV full Korean isolate sequences.

1. ASCLV2-5,373F

5'-TATCCTGAATAAGTTGAGTTTAAAAGCGAAA -3'

- 2. ASCLV2- 5,525P :
 - 5'- TGG GAG GTT AAT GGA TGT GAT AGA CTC ATA [FAM-dT] T [THF] C[BHQ1-dT] TGG AAT TTT CAT TC G -[3'-block]

3. ASCLV2-5,651R :

5'- TTATTTCTTATGAAGAACCTTGTCAAAACCT -3'

<그림 1-35> Candidate of primer and probe set No.2 of ACLSV full Korean isolate genes.

			Eco48	- Real ti	ime RT-c	PCR – A	CLSV2			
1	2	3	4	5	6	7	8	ACLSV2	Reaction	Volume
Apple	Apple	Apple	Apple	Apple	Apple	Apple	배		2x TB	5 ul
1-1	1-2	2-1	2-2	3-1	3-3	3-4	14-1		Таq	0.6 ul
+	+	+	+	-	-	-	+	PCR	ACLSV2 5373F	0.4 ul
-	-	=	-	36.4	-	-	-	Ct	ACLSV2 5651R	0.4 ul
-	-	-	-	73.9	-	-	-	Tm	Rox dye	0.2 ul
9	10	11	12	DW	ACLSV2				RT	0.2 ul
배 14-2	배 15-1	배 15-2	Apple 3-2						RNA	1.0 ul
+	+	+	+	-	PCR				DW	2.2 ul
-	-	36.78	-	-	Ct					10 ul
-	-	76.6	-	-	Tm				42C	5 min
				0.16					95C	10 sec
				012 18 010					95C	5 sec
				0.08					60C	34 sec
				004					95C	15 sec
				000					55C	15 sec
					5 10	15 20 Cude	8 8	25 40	95C	15 sec

<그림 1-36> Result of real time RT-PCR with primer set only from ACLSV full Korean isolate primer probe set No.2.

- 한국분리주의 전체 유전자에 대하여 Primer 3 프로그램의 조건을 달리하여 primer를 디자 인 한 결과, 두 영역에서 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 그중 하나를 선택 (빨간색 점 선 박스), 이를 (Primer probe set No. 2; ASCLV2-5373F, ASCLV2-5525P, ASCLV2-5651R)를 평가하였다 (그림 1-34, 35).
- Probe를 제외하고 primer set만으로 real time RT-PCR을 9건의 양성시료와 3건의 음성시료
 로 반응시킨 결과, 1건의 양성시료에서 양성반응을 보였고, 한건의 음성시료에서 양성반응
 을 보였다 (그림1-36).
- 3) ASCLV3 (7 Korean isolates) full sequence에 대한 프라이머 프로브 디자인



<그림 1-37> Region of primer and probe set No.3 of ACLSV full Korean isolate sequences.

1. ACLSV3-4,026 F

5'-AATAACAAGATTTAGAAGAGGTTTCTGCTTT-3'

- 2. ACLSV3- 4,175 P
 - 5'-TTAATCTTATTCTGAGTGAAAAGGACATT<mark>ACCAAA</mark>-3'
 - 5'- ATT CAT CCT GGG ATC CTC TGT TAA TCT [FAM-dT] A [THF] TC [BHQ1-dT] G AGT GAA AAG GAC ATT -[3'-block]
- 3. ACLSV3-4,296 R
 - 5'- ATATCTCTTTCCAAGGTATATCATGCTCTTA -3'

<그림 1-38> Candidate of primer and probe set No.3 of ACLSV full Korean isolate genes.

Eco48 Real time RT-qPCR – ACLSV3									Reaction	Volume		
1	2	2	4	-	6	-7	•	ACIEVA		2x TB	5 ul	
Apple	Apple	Apple	4 Apple	Apple	Apple	Apple	아배	ACL3V3		Таq	0.6 ul	
1-1	1-2	2-1	2-2	3-1	3-3	3-4	14-1			ACLSV3 4026F	0.4 ul	
+	+	+	+	-	-		+	PCR		ACLSV3 4296R	0.4 ul	
-	36.64	29.31	-	-	-	- :	-	Ct		Rox dye	0.2 ul	
9	10	11	12	DW	W/O	ACLSV3				RT	0.2 ul	
배 14-2	배 15-1	배 15-2	Apple							RNA	1.0 ul	
14 2		13 2	52			DCD				DW	2.2 ul	
+	+	+	+	-	-	Ct					10 ul	
										42C	5 min	
0.08				1		AC	LSV_509 b	р		95C	10 sec	
0.06					11 12		14-2 15-1 15-2	3-1	37 - ²	95C	5 sec	
s	Æ	/		_	Apple Apple	Apple Apple Pear	Pear Pear Pear	Apple Apple	Apple	60C	34 sec 40 c	-ycles
***	/1//			-	— —			_		95C	15 sec	
							標信用			55C	15 sec	
	18. 19	20 Cuda 25	30 H							95C	15 sec	

<그림 1-39> Result of real time RT-PCR with primer set only from ACLSV full Korean isolate primer probe set No.3.

- 한국분리주의 전체 유전자에 대하여 Primer 3 프로그램의 조건을 달리하여 primer를 디자 인 한 결과, 두 영역에서 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 그중 하나를 선택 (빨간색 점 선 박스), 이를 (Primer probe set No. 3; ASCLV3-4026F, ASCLV3-4175P, ASCLV3-4296R)를 평가하였다 (그림 1-37, 38).
- Probe를 제외하고 primer set만으로 real time RT-PCR을 9건의 양성시료와 3건의 음성시료 로 반응시킨 결과, 2건의 양성시료에서 양성반응을 보였다 (그림1-39).

4) ASCLV4-CP (101 isolates) sequence에 대한 프라이머 프로브 디자인



<그림 1-40> Phylogenic tree of 101 ACLSV-CP isolate sequences.



<그림 1-41> Homology distance of 101 ACLSV-CP isolate sequences.



<그림 1-42> Region of primer and probe set No.4 of 101 ACLSV-CP isolate sequences.

- 1. ACLSV4-CP-179F 5'-TCTTATCAAGATCTTCAAGACTACATCTTCG-3'
- 2. ACLSV4-CP-304P
 - 5'-TTTTCACAAACCTCTTTTCTACCATGCCTGAAGTG -3'
 - 5'- TGA AGT ACA AAG GGG TTT TCA CAA ACC TCT [FAM-dT] T [THF] C [BHQ1-dT] ACC ATG CCT GAA GTG -[3'-block]
- 3. ACLSV4-CP-396R

5-TATAAACATATTCAGACCTTTGTTGAAGTCG-3'

<그림 1-43> Candidate of primer and probe set No.4 of ACLSV-CP isolate genes.



<그림 1-44> Result of real time RT-PCR with primer set only from 101 ACLSV-CP isolate primer probe set No.4.

- ACLSV-CP isolates 101건에 대한 유전자를 분석한 결과, 크게는 2개로 grouping이 되었다 (그림 1-40, 41).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 5개의 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 그중 하나를 임의로 선택 (빨간색 점선 박스), 이를 (Primer probe set No. 4; ASCLV4-CP-179F, ASCLV4-CP-304P, ASCLV4-CP-396R)를 평가하였다 (그림 1-42, 43).
- Probe를 제외하고 primer set만으로 real time RT-PCR을 9건의 양성시료와 3건의 음성시료 로 반응시킨 결과, 2건의 양성시료에서 양성반응을 보였다 (그림1-44).

5) ASCLV5-CP (101 isolates) sequence에 대한 프라이머 디자인

ACLSV5-CP **366** F: CGACTTCAACAAAGGTCTGAATATGTTTATA ACLSV5-CP **475** R: CATTTTCACTCTTTGCAAATTCAGTTTGTAA

<그림 1-45> Candidate of primer set No.5 of ACLSV-CP isolate genes.



<그림 1-46> Result of real time RT-PCR with 101 ACLSV-CP isolate primer set No.5.

- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 5개의 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 그중에 또 다른 하나를 임의로 선택, 이를 (Primer set No. 5; ASCLV5-CP-366F, ASCLV5-CP-475R)를 평가하였다 (그림 1-45).
- Real time RT-PCR을 4건의 양성시료와 반응시킨 결과, 1건의 양성시료에서 양성반응을 보였다 (그림1-46).

6) ASCLV6-CP (101 isolates) sequence에 대한 프라이머 디자인

ACLSV6-CP 178 F: ATCTTATCAAGATCTTCAAGACTACATCTTC ACLSV6-CP 436 R: GGTTCATATTAGTTATTACTTTTTGCTGAGC

<그림 1-47> Candidate of primer set No.6 of ACLSV-CP isolate genes.

									Reac	tion	volume	
1	2	3	4	5	6	7	8		2x TE	3	5 ul	
Apple	Apple	Apple	Apple	Apple	Apple	Apple	배		Таq		0.6 ul	
1-1	1-2	2-1	2-2	3-1	3-3	3-4	14-1	DCD	ACLS	V6-CP 178F	0.4 ul	
+	+	+	+	-	-	-	+	PCR Ct	ACLS	V6-CP 436R	0.4 ul	
82.3	82.3	-	-	-	-	-	_	Tm	Rox o	lye	0.2 ul	
0	10	11	12	DW	14/10				RT		0.2 ul	
9 HH	UH	UH	Apple	Dvv	VV/O				RNA		1.0 ul	
14-2	15-1	15-2	3-2						DW		2.2 ul	
+	+	+	+	-	~	PCR					10 ul	
-	-	-	-	-	-	Ct				-	io ui	
-	-	-	-	-	-	Tm				42C	5 min	
			tw -		٨					95C	10 sec	
87 34			144 EU		Λ			ACISV 509 hp		95C	5 sec	
н 9-			10				1-1	2 2 2 2 2 3 3	3-1 3-2 3-3	60C	34 sec 40	cycle
			120 I.				Apple_	Apple_ Apple_ Pear_1 Pear_1 Pear_1 Pear_1	Apple_ Apple_ Apple_ Apple_	95C	15 sec	
			10				Ĭ			55C	15 sec	
	т. а _{рл} л	3 3 4	1 1 K	a a sulta					les etc	95C	15 sec	

Eco48 Real time RT-qPCR - ACLSV6-CP

<그림 1-48> Result of real time RT-PCR with 101 ACLSV-CP isolate primer set No.6.

- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 5개의 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 그중에 또 다른 하나를 임의로 선택, 이를 (Primer set No. 6; ASCLV6-CP-178F, ASCLV6-CP-436R)를 평가하였다 (그림 1-47).
- Real time RT-PCR을 9건의 양성시료와 3건의 음성시료와 반응시킨 결과, 2건의 양성시료에 서만 양성반응을 보였다 (그림1-48).

7) ASCLV7-CP (101 isolates) sequence에 대한 프라이머 디자인

ACLSV7-CP 178 F: ATCTTATCAAGATCTTCAAGACTACATCTTC ACLSV7-CP 475 R: CATTTTCACTCTTTGCAAATTCAGTTTGTAA

<그림 1-49> Candidate of primer set No.7 of ACLSV-CP isolate genes.

			ECO4	8 real ti	me RI-d	qPCR – /	ACLSV/-	·CP	Reac	tion	Volume	
1	2	3	4	5	6	7	8		2x TE	3	5 ul	
Apple	Apple	Apple	Apple	Apple	Apple	Apple	배		Taq		0.6 ul	
1-1	1-2	2-1	2-2	3-1	3-3	3-4	14-1	DCD	ACLS	V7-CP 178F	0.4 ul	
+	+	+	+	-	-	-	+	PCR Ct	ACLS	V7-CP 475R	0.4 ul	
82	82.6	-	-	_	_	-	_	Tm	Rox o	dye	0.2 ul	
0	10	11	12	DW	W/0				RT		0.2 ul	
배	배	배	Apple	DVV	VV/O				RNA		1.0 ul	
14-2	15-1	15-2	3-2						DW		2.2 ul	
+	+	+	+	-	-	PCR					10 ul	
-	-	-	-	-	-	Ct				120	Emin	
-	-	-		-	-	Im				420	5 min	
		1			M					950	10 sec	
38 52			10		A			ACLSV_509 bp		95C	5 sec	10 cycle
			-		1		15	2-1 2-2 14-1 14-2 15-1 15-1	3.2	60C	34 sec	40 Cycle
10 12			C monoreau 2004				Apple_ Apple_	Apple, Apple, Pear_1 Pear_1 Pear_1 Pear_1	Apple Apple Apple	95C	15 sec	
" <u>I</u>				~					-	55C	15 sec	
			-				=		in the	950	15 sec	

1.11 40

<그림 1-50> Result of real time RT-PCR with 101 ACLSV-CP isolate primer set No.7.

- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 5개의 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 그중에 또 다른 하나를 임의로 선택, 이를 (Primer set No. 7; ASCLV7-CP-178F, ASCLV7-CP-475R)를 평가하였다 (그림 1-49).
- Real time RT-PCR을 9건의 양성시료와 3건의 음성시료와 반응시킨 결과, 2건의 양성시료에 서만 양성반응을 보였다 (그림1-50).

3. Broad bean wilt virus 2 (BBWV2) - RPA probe 진단제 개발





<그림 1-51> Homology distance of 33 BBWV2 isolate sequences.



<그림 1-52> Phylogenic tree of 33 BBWV2 isolate sequences.



<그림 1-53> Region of primer and probe set of 33 BBWV2 isolate sequences.

1. BBWV22-135F:

5'- GATTTAAAGCGCACCATATATTTTGAAACTT -3'

- 2. BBWV22-261P:
 - 5'- CGT CCT GAA CTT GTT GCA GTG TTA GAT AGA [FAM-dT] A [THF] T [BHQ1-dT] TTC AGA AAT CAT AAG-[3'-block]
- 3. BBWV22-422R:

5'-TATGCAAATTCGATCCTCAATATGTAGTAAC-3'

<그림 1-54> Candidate of primer probe set of 33 BBWV2 isolate genes.

- BBWV2 isolates 33건에 대한 유전자를 분석한 결과, 5개의 그룹으로 나뉘었다 (그림 1-51, 52).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 5 '쪽으로 여러개의 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 그중에서 하나의 프라이머 프로브 세트 (빨간색 점선 박스)를 선정 하여 인공합성하였다. 이 프라이머와 프로브 (Primer probe set; BBWV22-135F, BBWV22-261P, BBWV22-422R)의 특성을 평가하였다 (그림 1-53, 54).
- RPA Exo kit를 사용하여 5가지의 고추관련 바이러스들 (CMV, BBWV, PMMoV, PepMoV, TWSV) 과 교차반응을 조사한 결과, BBWV2에만 잘 반응하였다 (그림 1-55).
- Exo RT RPA 반응은 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시켰고 음성대조군인 증류수

와는 반응이 없었다 (그림 1-55).



<그림 1-55> RPA Exo-RT reaction of primer probe set of BBWV2 with several viruses.

Reagent	Volume
2xR.B	10 ul
100mM dNTP	0.7 ul
10x	2.0 ul
20x	1.0 ul
50x	0.4 ul
RT	0.4 ul
BBWV22-135F	0.7 ul
BBWV22-422R	0.7 ul
BBWV22-261P 1pM	1.5 ul
MgOAC	1.6
RNA	1.0 ul
TOTAL	20 ul

No	Bacteria	result
1	Brevibacterium casei	Negative
2	Micrococcus luteus	Negative
3	Streptococcus pyogenes	Negative
4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
5	Serratia marcescens	Negative
6	Enterobacter aerogenes	Negative
7	Klebsiella oxytoca	Negative
8	Staphylococcus warneri	Negative
9	Proteus mirabilis	Negative
10	Citrobacter freundii	Negative
11	Enterococcus faecalis	Negative
12	Streptococcus agalactiae	Negative
13	Staphylococcus epidemidis	Negative
14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
15	Propionibacterium acnes	Negative
16	Dermabacter homins	Negative
17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
18	Distilled water	Negative
Positive	BBWV2 - mRNA transcript	Positive

Brevibacterium casei













DW

+ 745 + 800

+ 141 + 101

Serratia marcescens • NM • ROT

-			
-			

Staphylococcus epidemidis

00		
-		
84		
908		

Enterobacter aerogenes + rist + 800 -44 .X0 .40 100 Enterobacter cloacae

ssp cloacae Tube 2: Tabe 2

• 14H • Rot

-

.....

Propionibacterium acnes







+ control of BBWV • FAM • ROX



W/O • 100 • 100 -

+ control of BBWV

Klebsiella oxytoca	Stap	hylococcus w	ameri	Proteus mirabilis		Citrobacter freundii	
		Naci tate	* 40 * 40		+ fax 500 + 500 - 600 - 600 - 600 - 600 - 700 - 70	Test part	- • * fait • ROX
Enterococcus faecalis	Strep	tococcus aga.	lactiae	+ control of BBWV		DW	 ▼141 ◆ 52

<그림 1-56> RPA Exo-RT reaction of primer probe set of BBWV2 with several bacteria.

- 17건의 박테리아에 대한 유전자와 반응에서는 BBWV2 primer와 probe 세트가 반응을 하지 않 아 100%의 특이도를 보였다 (그림1-56).
- 이상의 결과로 RT-RPA BBWV2 detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-57, 58).



<그림 1-57> BBWV2 ER Detection kit.

LCM Science Co., Ltd

LCM-BBWV2-ER-50

Broad Bean Wilt Virus 2 (BBWV2) ER-Detection Kit

Revision No.: LCM-BBWV2-ER-0001 Issue Date: Aug 13, 2021 User Manual For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.yuglobal.wavework.kr, nova3546@lcmscience.co.kr

161-10 Baekto-ri Hyangnam-eup Hwaseong-si Gyeonggido South Korea Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 speegene@naver.com

1. General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based rescence monitoring.

2. Storage conditions

The kit should be kept -20 °C (Full activity is guaranteed for 6 months).

3. Application

The Broad bean wilt virus 2 (BBWV2) ER-Detection kit contains specially designed probe and primer set for amplification of segment RNA2 gene to detect the BBWV2 viral RNA from specimens.

4. Product Description

4. Product Description
Broad bean wilt virus (BBWV) is the type species of the genus Fabavirus in the family Convoiridae. It is transmitted by aphids, mostly Aphis gosspiri and Myzus persicae, with infection rate of 60 – 90% in a nonpersistent manner and has a wide host range. By serological and molecular studies, BBWV isolates are classified into two groups, Broad bean wilt virus 1 (BBWV1) and Broad bean wilt virus 2 (BBWV2). Although they show the similar genome structures and functions, the nucleotide (nt) sequence identity between them was limited (39% – 67%). The genome is composed of two single stranded positive-sense RNA molecules, RNA-1 and RNA-2, that are encapsidated separately into icosahedral virios. Although BBWV1 has not been detected yet, disease incidences caused by BBWV2 have been reported in Korea. BBWV2 RNA-1 and RNA-2 are about 6 kb and 4 kb nucleotides in length, respectively, contain a single open reading frame (ORF), and thus translated into a single polyprotein precursor from which functional proteins are produced by proteolytic (leavage. RNA-1 encodes five proteins containing contactor protesse (Co-pro), NTP-binding motify (NTBM), genome-linked viral protein (VPg), protease (Pro) and RNA-dependent RNA polymerase (RdRP) while RNA2 canceds three proteins containing movement protein (Mp), large coat protein (LCP) and small coat protein (SCP). Up to date, the complete nucleotide sequences of eight BBWV2 isolates fom erroprited. BBWV2 a naturally inportant horticultural and ornamental crops, and has a worldwide distribution. In Korea, it has been reported that BBWV2 and thest ructive presectively contained the reported that BBWV2 is nature by perpension protein specific and mixed infection with *Lucumber mosaic virus* (CNW) and other viruse.

The Broad bean wilt virus 2 (BBWV2) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use system for the detection of the Broad bean wilt virus 2 by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx Ltd). The master contains enzymes and reagents including specific probe and primer sets which is specially designed to amplify the segment RNA2 gene for the unique amplification of the Broad bean wilt virus 2 RNA the segment RNA within 15-20 min.

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent		Qty / 50 rxns
1	BBWV2 Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl
2	BBWV2 Probe	PRO	1 vial, 80 µl
3	BBWV2 Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl
5	BBWV2 Positive control	POS	1 vial, 50 µl
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml

6. Required Materials and Devices

Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner /CFX96 real time PCR/ Biological cabinet / Vortex mixer / Micropipets (0.5 – 1000 µl) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 µl) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Microcentrifuge / Biohazard waste container

7. Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

· Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits.

7.2. RPA reaction

No	Reagent	1 rxn	8 rxn
1	BBWV2 Enzyme Master Mix	14.0 µl	112 µl
2	BBWV2 Probe	1.5 μl	12.0 µl
3	BBWV2 Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 μl	12.8 µl
5	RNA	1.0 µl	Χ μΙ
Total		20.0 µl	160.0 μl

50 rxn

* Use the reagents which are stored at -20 $^\circ$ C after spin down briefly when those are melted before use. 'Be careful of contamination when you use the positive control for

amplification.

1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents according 2) Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down.

- Aliquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.
 Aldquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.
 * It is highly recommended that the mixture for negative control should be made separately to avoid cross contamination
- 5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the bubble

6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min.

7) Set the program as below table.

Step	No. of Cycle	lemperature	Duration	
1	40	37-40 ℃	30 sec	

8) Plate setup

- Set the fluorophores with FAM. Type the sample names in the each tube.
- * Unknown: clinical sample
- * Negative control
- * Positive control

8. Reading the Result



<Example of BBWV2 RT-RPA reaction at T8 UV scanner>

Case	Positive control	Negative control	Seg RNA2	Interpretation (Ct value)
1	+	-	+	BBWV2 Positive
2	+	-	-	BBWV2 Negative
3	+	+	+/-	
4	-	- +		Invalid result / retest
5	-	-	+/-	

9. Warnings and Precaution

1) For research use only

- Carefully read this instruction before starting the procedure.
 Clinical samples should be regarded as potentially infectious materials
- and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood.4) Do not use the kit after its expiration date written on box.
- 5) Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may cause wrong test result.
- 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the tubes before use.7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.
- 8) Use always sterile pipette tips with filters.9) Wear separate coats and gloves in each area.
- 10) Collected test samples in sterile tubes.
- 11) Test samples should be extracted immediately or frozen at -20 °C to -80 °C.



<그림 1-58> Insert of BBWV2 ER Detection kit.

■ BBWV2 nfo detection kit - 공동연구기관 - 강원대 결과

1. nfoBBWV22-135F:

5'- GATTTAAAGCGCACCATATATTTTGAAACTT -3'

- 2. nfoBBWV22-261P:
 - 5'- [FAM] CGT CCT GAA CTT GTT GCA GTG TTA GAT AGA A dSpacer TT TTC AGA AAT CAT AAG-Spacer C3-3'
- 3. nfoBBWV22-422R:

5'-[Biotin]TATGCAAATTCGATCCTCAATATGTAGTAAC-3'

<그림 1-59> RPA nfo primer probe set of BBWV2.

BBWV2 nfo kit test



Primer free R buffer	29.5 ul
BBWV22-135F	2.1 ul
BBWV22-422R	2.1 ul
BBWV22-261P	0.3 ul
RT	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	11.5 ul
MgOAc	2.5 ul
Total	50 ul

<그림 1-60> RPA nfo-RT reaction of primer probe set of BBWV2 with BBWV2.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT BBWV2 primer & probe set를 응용하여 PCRD을 이용한 육 안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe를 합성하였다 (그림 1-59).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분-20분간 반응시킨 후 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.

○ 그림 1-60과 같이 nfo primer probe는 BBWV2 바이러스를 잘 검출하였다.

○ 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.

■ BBWV2 end point detection kit - 위탁연구기관 - 전남대 결과



<그림 1-61> RPA end point reaction with primer set of BBWV2 according to the time.

Volume

10

0.7

2

1

1

0.5

0.5

1.0

15

1.8

20



10 ⁶	10 ⁵	10 ⁴	10 ³	10 ²	10 ¹	10 ⁰	DW
792	814	592	534	462	422	412	398
796	817	595	535	463	423	413	399

<그림 1-62> Limitation of detection of RPA end point reaction with primer set of BBWV2.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT BBWV2 primer & probe set를 응용하여 syber green I을 이용한 end point detection kit를 제작하였다.
- RPA basic kit를 이용하여 nfo kit에 사용한 primer set로 master mix 만들고 각각의 핵산 샘플을 1 ul 넣고 39℃에서 반응시켰다.
- 시간별로 RPA반응을 관찰한 결과, 10분후부터 양성반응을 보이기 시작하였다 (그림 1-61).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul까지 단계적 희 석한 후 39℃에서 20분간 반응시키고 사이버그린으로 발색을 한 후 HARU-2000으로 FAM값을 측정하였다. 그 결과 10² copies/ul까지 검출이 되었다 (그림 1-62).
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.

4. Cucumber mosaic virus (CMV) - RPA probe 진단제 개발



	M2146	AF127	L15336,1	AF198	EF202	LC487	GU002	EF216	EF216	D2878	U2021	AY429	AF013	D4949	KP033	D1640	D1249	NC_00	AJ5178	AB004	L36251,1	KR535	JX0142	KC527	KJ4000	EU723	DQ399	KU558
M21464,1	\geq	99.5%	97,8%	98,0%	98,2%	97,5%	95,9%	71,9%	71.8%	72,0%	69,9%	71,2%	70,5%	71,5%	71,6%	71,7%	71,7%	71,8%	71,8%	71,7%	71,3%	72,1%	72,0%	72,0%	70,5%	71,1%	71,0%	64,7%
AF127976.1	99.5%	\geq	98.0%	98.1%	98.4%	97.4%	95.8%	71.8%	71.7%	71.8%	69,8%	70.9%	70.4%	71.3%	71.5%	71.5%	71.4%	71.5%	71.6%	71.5%	71.0%	71.8%	71.8%	71.9%	70.5%	70.9%	70.8%	64.5%
L15336,1	97.8%	98.0%	\geq	98.2%	98.2%	97.2%	95.7%	71.8%	71.8%	71.9%	69.8%	71.1%	70.6%	71.5%	71.6%	71.5%	71.5%	71.4%	71.5%	71.4%	71.2%	71.8%	71.8%	71.9%	70,5%	71.0%	70,9%	64.4%
AF198103,1	98.0%	98,1%	98,2%	$>\!$	98,1%	97.0%	95,7%	71,8%	71.8%	71,7%	69,9%	71.1%	70,6%	71.4%	71,5%	71,2%	71.1%	71,2%	71,2%	71,2%	70,9%	71.6%	71.6%	71,8%	70.4%	70,7%	70,7%	64,2%
EF202597.1	98.2%	98.4%	98.2%	98.1%	\geq	97.1%	95.8%	72.2%	72.0%	72.1%	70.0%	71.2%	70.7%	71.8%	71,9%	71.7%	71.5%	71.6%	71.7%	71.7%	71.3%	71.9%	72.0%	72.2%	70.8%	71.3%	71.4%	64.5%
LC487909,1	97,5%	97.4%	97,2%	97,0%	97,1%	\geq	97,4%	72,3%	72,3%	72,1%	70,0%	71,6%	70,9%	72,0%	71,9%	72,0%	71,9%	72,0%	72,0%	71,9%	71,7%	72,4%	72,4%	72,3%	70,7%	71,2%	71,2%	64,2%
GU002300,1	95.9%	95,8%	95.7%	95,7%	95,8%	97.4%	$>\!$	71.5%	71.6%	71.4%	69.2%	70.8%	70.0%	71.1%	71.0%	71.3%	71.3%	71.3%	71.3%	71.2%	70,9%	71.5%	71.6%	71.6%	70.1%	70,5%	70,5%	63,7%
EF216867.1	71.9%	71.8%	71.8%	71.8%	72.2%	72.3%	71.5%	\geq	98.8%	96.5%	92.4%	91.8%	91.2%	91.2%	92.4%		90.4%	90.2%	90.4%	90.2%	68,7%	89.6%	90.3%	90.4%	88,5%	85.6%	86.5%	68.8%
EF216865,1	71,8%	71,7%	71,8%	71,8%	72,0%	72,3%	71,6%	98,8%	\geq	96,6%	92,6%	91.8%	91,5%	91,3%	92,3%	90.6%	90,8%	90,7%	90,9%	90,9%	89,2%	90,3%	90,8%	90,7%	88,8%	85,9%	86,6%	68,5%
D28780.1	72.0%	71.8%	71.9%	71.7%	72.1%	72.1%	71.4%	96.5%	96.6%	\geq	92.9%	92.4%	91.5%	91.1%	92.6%		90.4%	90.3%	90.5%	90.1%	69.0%	90.3%	90.5%	90.2%	86.9%	85,9%	86.4%	68.9%
U20219,1	69,9%	69,8%	69,8%	69,9%	70.0%	70.0%	69,2%	92,4%	92.6%	92,9%	\geq	90,2%	89,5%	69,7%	91,3%	88,4%	88,2%	88,2%	88,3%	88,5%	87.1%	88,4%	88.2%	68,3%	87,4%	84,8%	85.9%	68,5%
AY429432.1	71.2%	70,9%	71.1%	71.1%	71.2%	71.6%	70.8%	91.8%	91.8%	92,4%	90,2%	\geq	94.3%	94.2%	93,3%	90.2%	90,1%	90.0%	90,2%	90.4%	89,1%	90.4%	90.6%	90,4%	89,1%	85,9%	86.3%	68,9%
AF013291,1	70.5%	70.4%	70.6%	70.6%	70.7%	70.9%	70.0%	91.2%	91.5%	91.5%	89.5%	94.3%	$\geq \leq$	92.4%	92.2%	89.2%	88,9%	89.0%	89.2%	89.4%	88.0%	89.2%	89.5%	89.2%	88.0%	85.2%	86.0%	67.9%
D49496,1	71,5%	71,3%	71,5%	71,4%	71,8%	72,0%	71,1%	91,2%	91,3%		89,7%	94,2%	92,4%	\geq	92,6%	89,6%	89,7%	89,9%	90,1%	90.0%	88,7%	90,0%	90.0%	89,9%	89,4%	87,1%	87,8%	68,8%
KP033526.1	71.6%	71.5%	71.6%	71.5%	71.9%	71.9%	71.0%	92.4%	92.3%	92.6%	91.3%	93.3%	92.2%	92.6%	\geq	89.2%	89.2%	89,4%	89.6%	89.5%	88.4%	89,6%	89,5%	89.4%	88.1%	85.6%	86,8%	69.3%
D16405,1	71.7%	71.5%	71.5%	71.2%	71.7%	72.0%	71.3%	90,1%	90.6%	90,1%	88,4%	90.2%	89,2%	89.6%	89,2%	\geq	98,5%	97.6%	97.9%	97.2%	95.0%	96.5%	96.4%	90,8%	89,4%	86.4%	86.7%	68,7%
D12499.1	71.7%	71.4%	71.5%	71.1%	71.5%	71.9%	71.3%	90,4%	90,8%	90.4%	88,2%	90,1%	88,9%	89.7%	89,2%	98,5%	\geq	97.6%	97.8%	97.3%	95,5%	96,8%	96,8%	90,6%	89,1%	86,1%	86,3%	68,9%
NC_001440,1	71.8%	71.5%	71.4%	71.2%	71.6%	72.0%	71.3%	90.2%	90.7%	90.3%	88.2%	90.0%	89.0%	89.9%	89.4%	97.6%	97.6%	\geq	99.5%	96.7%	95.3%	96.7%	96.7%	91.0%	89.7%	86.4%	86.6%	69.0%
AJ517802,1	71,8%	71.6%	71,5%	71,2%	71.7%	72.0%	71,3%	90.4%	90,9%	90,5%	88,3%	90,2%	89,2%	90.1%	89,6%	97.9%	97,8%	99,5%	\geq	97.0%	95,3%	96.8%	96,9%	91,3%	89,8%	86,5%	86,7%	69,2%
AB004781.1	71.7%	71.5%	71.4%	71.2%	71.7%	71.9%	71.2%	90.2%	90.9%	90.1%	88,5%	90.4%	89.4%	90.0%	89.5%	97.2%	97.3%	96.7%	97.0%	\geq	94.6%	96.1%	96.4%	91.1%	89.5%	86.5%	86.5%	68.4%
L36251,1	71,3%	71,0%	71,2%	70,9%	71.3%	71,7%	70,9%	88,7%	89,2%	89.0%	87.1%	89,1%	88.0%	88,7%	88.4%	95.0%	95,5%	95.3%	95.3%	94,6%	\geq	97.3%	96.2%	89.6%	88,2%	85.3%	85.5%	67,6%
KR535607,1	72,1%	71,8%	71.8%	71,6%	71,9%	72,4%	71,5%	89,8%	90,3%	90,3%	88,4%	90,4%	89,2%	90,0%	89,6%	96,5%	96,8%	96,7%	96,8%	96,1%	97,3%	\geq	98,1%	90,7%	89,7%	86,3%	86,4%	69,2%
JX014248,1	72.0%	71.8%	71.8%	71.6%	72.0%	72.4%	71.6%	90.3%	90.8%	90.5%	88.2%	90.6%	89.5%	90.0%	89.5%	96.4%	96.8%	96.7%	96.9%	96.4%	96.2%	98.1%	$\geq \leq$	91.3%	89.6%	86.6%	86.8%	69.0%
KC527749,1	72,0%	71,9%	71.9%	71,8%	72,2%	72,3%	71,6%	90,4%	90,7%	90,2%	88,3%	90.4%	89,2%	89,9%	89,4%	90,8%	90,6%	91.0%	91.3%	91,1%	89,6%	90.7%	91.3%	\geq	88,9%	86,0%	86.3%	68,3%
KJ400004.1	70.5%	70.5%	70.5%	70.4%	70.8%	70.7%	70.1%	88.5%	88,8%	88,9%	87.4%	89,1%	88.0%	89,4%	86.1%	89,4%	89,1%	89,7%	89.8%	89,5%	88.2%	89.7%	89.6%	88,9%	\geq	86.0%	86.4%	67.8%
EU723569,1	71.1%	70.9%	71.0%	70.7%	71.3%	71.2%	70.5%	85.6%	85.9%	85,9%	84.8%	85.9%	.85.2%	87.1%	85.6%	86.4%	86.1%	86.4%	86,5%	86.5%	85,3%	86.3%	86.6%	86.0%	86.0%	$\geq \leq$	95.1%	67.6%
DQ399550,1	71.0%	70.8%	70,9%	70,7%	71.4%	71.2%	70,5%	86,5%	86.6%	86,4%	85,9%	86,3%	86,0%	87,8%	86.8%	86,7%	86,3%	86,6%	86,7%	86,5%	85,5%	86,4%	86,8%	96,3%	86.4%	95,1%	\sim	67.7%
KU558989,1	64.7%	64.5%	64.4%	64.2%	64.5%	64.2%	63.7%	68.8%	68.5%	68.9%	68.5%	68.9%	67.9%	68.8%	69.3%	68.7%	68,9%	69.0%	69.2%	68.4%	67.6%	69.2%	69.0%	68.3%	67.8%	67.6%	67.7%	>

<그림 1-63> Homology distance of CMV isolates.



<그림 1-64> Phylogenic tree of CMV isolates.

Consensus	3	250	500	750	1,000	1,250	1,500	1,750	2,000	2,350
consenses							1			
							/			
							1			
Identity	MAA	TY TO A	approximite	Part Part	HARA MA	R PER AN	(Will and setting the	a an	THE REAL PROPERTY OF THE PROPE	i-it wy yolf
1. M21464.1										
2. AF127976.1	0									
3. L15336.1										
4. AF198103.1 5. EE202507.1										
6 1 (487909 1										
7. GU002300.1										
8. EF216867.1										
9. EF216865.1					KIII AOHAKAA		ні пі		L I HOKING (
10. D28780.1					✐₽₽₽₽₽₽		ні п		HILLING HELLING	
11. U20219.1										
12. AY429432.1										
13. AFU13291.1										
15 KP033526 1										
16 D16405 1	DITTINUT!									
17. D12499.1	KEEDHEH E	1 10	n min			HIDENCH	HITT	1111		
18. NC_001440.1	HOLDHOH	1 1					ні птп	ПП		
19. AJ517802.1	HOCOHOH						н птп			
20. AB004781.1										
21. L36251.1										
22. KR535607.1		1 11								
23. JX014248.1										
24. KC527749.1										
26 FU723569 1										
27. DO399550.1						THE HEALTH HEALTH				
28. KU558989.1										

<그림 1-65> Candidate of primer probe sets of CMV isolates.

1. CMV-1,589 F:

5'-TCTTATTATGGTAAAAGGTTGTTATTACCTGATTC-3'

2. CMV-1,627 P :

5'-TGA TTC AGT CAC GGA ATA TGA TAA GAA GCT [FAM-dT] G [THF] T [BHQ1-dT] CGC GCA TTC AAA TTC- [3'-block]

3. CMV-1697R:

5'- TAGAATCAAATTTCGGCAAAGGATTAACTCGAATT-3'

<그림 1-66> RPA exo primer & probe set of CMV isolates.



<그림 1-67> RT-RPA reaction with exo primer & probe set of CMV isolates.




<그림 1-68> RPA Exo-RT reaction of primer probe set of CMV with several bacteria.



<그림 1-69> Limitation of Detection of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of CMV.

- CMV isolates 28건에 대한 유전자를 분석한 결과, 크게 4개의 그룹으로 나뉘었다 (그림 1-63, 64).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 3 '쪽으로 한그룹의 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 그중에서 하나의 프라이머 프로브 세트를 선정하여 인공합성하였 다. 이 프라이머와 프로브 (Primer probe set; CMV-1589F, CMV-1627P, CMV-1697R)의 특성을 평가하였다 (그림 1-65, 66).
- RPA Exo kit를 사용하여 5가지의 고추관련 바이러스들 (CMV, BBWV, PMMoV, PepMoV, TWSV) 과 교차반응을 조사한 결과, CMV에만 잘 반응하였다 (그림 1-67).
- Exo RT RPA 반응은 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시켰고 음성대조군인 증류수 와는 반응이 없었다 (그림 1-67).
- 17건의 박테리아에 대한 유전자와 반응에서는 CMV primer와 probe 세트가 반응을 하지 않 아 100%의 특이도를 보였다 (그림1-68).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 20분간 반응시킨 결과, 1 copies까지 검출이 되었다 (그림 1-69).
- 이상의 결과로 RT-RPA CMV detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-70, 71).



<그림 1-70> CMV ER Detection kit.

LCM Science Co., Ltd

LCM-CMV-ER-50

Cucumber Mosaic Virus (CMV) ER-Detection Kit

Revision No.: LCM-CMV-ER-0001 Issue Date: Aug 13, 2021 User Manua For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.yuglobal.wavework.kr, nova3546@lcmscience.co.kr

161-10 Baekto-ri Hvangnam-eup Hwaseong-si Gveonggido South Korea

Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 speegene@naver.com

1. General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based iorescence monitoring

2. Storage conditions

The kit should be kept -20 °C (Full activity is guaranteed for 6 months).

3. Application

The Cucumber Mosaic Virus (CMV) ER-Detection kit contains specially designed probe and primer set for amplification of segment RNA3 gene to detect the CMV viral RNA from specimens.

4. Product Description

4. Product Description
Curumber mosaic virus (CMV) is a plant pathogenic virus [in the family Bromoviridae. This virus has a worldwide distribution and a very wide host range. In fact it has the reputation of having the widest host range of any known plant virus. It can be transmitted in seeds and by the parasitic weeds, Cuscuta sp. (dodder). This virus was first characterized in cucumbers (Cucumis sativus) showing mosaic symptoms in 1934, hence the name Cucumber mosaic. Since then, it has been found to infect a great variedy of other plants. These include other vegetables such as squash, melons, peppers, tomatos, beans, carrots, celery, lettuce, spinach, beets, many ornamentals and bedding plants, such as Narcissus, and various weeds. Its presence has been confirmed on every continent of the world, including Antarctica. CMV is non-persistently non-circulatively transmitted by more spiread, and can be found worldwide. CMV infects over 1200 plant species, including important crops and ornamental species. In its plant host, CMV can induce so field yield. CMV is a linear positive-sense, tripartite single-stranded RNA virus. Its genome size is 6.823 kh and it is divided among RNA (13357 bp), RNA2 (4305 bp), and RNA3 (2216 bp), and RNA3 (2216 bp), and RNA3 (2216 bp), and sy hair sha such as such as such as a such is a brief and is a strate transmitter and is a protein coat consisting of 32 copies of a single structural proteins land 2.a are responsible for the replication of the virus, protein 20 is the host-silencing suppressor. The RNA is surrounded by a protein coat consisting of 32 copies of a single structural proteins land.

The Cucumber Mosaic Virus (CMV) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use system for the detection of the Cucumber Mosaic Virus by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx Ltd). The master contains enzymes and reagents including specific probe and primer sets which is specially designed to amplify the segment RNA3 gene for the unique amplification of the Cucumber Mosaic Virus RNA the segment RNA within 15-20 min

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent	САР	Qty / 50 rxns
1	CMV Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl
2	CMV Probe	PRO	1 vial, 80 µl
3	CMV Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl
5	CMV Positive control	POS	1 vial, 50 µl
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml

6. Required Materials and Devices

Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner /CFX96 real time PCR/ Biological cabinet / Vortex mixer / Micropipets (0.5 – 1000 µl) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 µl) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Microcentrifuge / Biohazard waste container

7. Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

• Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits.

7.2. RPA reaction

No	Reagent	1 rxn	8 rxn
1	CMV Enzyme Master Mix	14.0 μl	112 µl
2	CMV Probe	1.5 μl	12.0 μl
3	CMV Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 μΙ	12.8 μl
5	RNA	1.0 µl	Χ μΙ
Total		20.0 µl	160.0 µl

50 rxn

Use the reagents which are stored at -20 °C after spin down briefly when those are melted before use.

- * Be careful of contamination when you use the positive control for
- amplification.

1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents

according to the table below. 2) Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down. 3) Aliquot 19 μ l of master mixture to each PCR tube.

- a) Add positive and negative control (DW) to each PCR tube.
 * It is highly recommended that the mixture for negative control should
- be made separately to avoid cross contamination. 5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the
- bubble.

6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min.7) Set the program as below table.

Step	No. of Cycle	Temperature	Duration
1	40	37-40℃	30 sec

8) Plate setup

- Set the fluorophores with FAM.
 Type the sample names in the each tube.
- * Unknown: clinical sample
- * Negative control
- * Positive control

8. Reading the Result



<Example of CMV RT-RPA reaction at T8 UV scanner>

Case	Positive control	Negative control	Seg RNA3	Interpretation (Ct value)
1	+	-	+	CMV Positive
2	+	-	-	CMV Negative
3	+	+	+/-	
4	-	+	+/-	Invalid result / retest
5		-	+/-	

9. Warnings and Precaution

- 1) For research use only.
- Carefully read this instruction before starting the procedure. 3) Clinical samples should be regarded as potentially infectious materials
- and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood. 4) Do not use the kit after its expiration date written on box.
- 5) Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may cause wrong test result.
- 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the
- tubes before use. 7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.
- (a) Use always sterile pipette tips with filters.
 (b) Wear separate coats and gloves in each area.
 (c) Collected test samples in sterile tubes.
- 11) Test samples should be extracted immediately or frozen at -20 °C to -80 °C.



<그림 1-71> Insert of CMV ER Detection kit.

- 1. CMVnfo-1,589 F: 5'-TCTTATTATGGTAAAAGGTTGTTATTACCTGATTC-3'
- 2. CMVnfo-1,627 P :
 - 5'- [FAM] TGA TTC AGT CAC GGA ATA TGA TAA GAA GCT G [THF] TT CGC GCA TTC AAA TTC- [3'-block]
- 2". CMVnfo2-1,627 P
 - 5'- [FAM] TGA TTC AGT CAC GGA ATA TGA TAA GAA GCT [FAM-dT] G [THF] TT CGC GCA TTC AAA TTC- [3'-block]
- 2". CMVnfo3-1,627 P
 - 5'- [FAM] TGA TTC AGT CAC GGA ATA TGA TAA GAA GCT G-dSpacer-TT CGC GCA TTC AAA TTC- Spacer C3-3'
- 3. CMVnfo-1697R:
 - 5'- [Biotin]TAGAATCAAATTTCGGCAAAGGATTAACTCGAATT-3'

<그림 1-72> RT-RPA nfo primer probe set of CMV.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT CMV primer & probe set를 응용하여 PCRD을 이용한 육안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe들을 합성하였다 (그림 1-72).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분-20분간 반응시킨 후 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 여러개의 프로브 후보중에 단 하나만이 미약하게나마 CMV를 검출할 수 있었던 것이 CMVnfo3-1,627 probe였다 (그림 1-73).
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.



<그림 1-73> RT-RPA nfo reaction with CMVnfo3-1,627p probe set of CMV.

5. Peper mottle virus (PepMoV) - RPA probe 진단제 개발



	EU586	EU586	DQ631	AB126	EU586	EU586	EU586	EU586	EU586	EU586	EU586	EU586	EU586	EU586	EU586	EU586	EU586	KX650	EU586	M9642	AF501
EU586136,1	$>\!$	99.9%	99,3%	98,9%	99.4%	99.2%	99.1%	99.0%	99.1%	99.0%	99.0%	99.0%	99.1%	99.0%	99.1%	99.0%	99.0%	98,8%	99.0%	94.7%	93.6%
EU586131,1	99.9%	$>\!$	99.3%	98.9%	99.3%	99.1%	99.0%	98.9%	99.0%	99.0%	98.9%	99.0%	99.1%	98.9%	99.0%	98,9%	98,9%	98.7%	99.0%	94.7%	93.5%
DQ631638.1	99.3%	99.3%	\geq	99.3%	99.4%	99.2%	99,1%	99.0%	99.1%	99.1%	99.0%	99.1%	99.2%	99.0%	99.2%	99.0%	99.0%	98,8%	99.1%	94.8%	93.6%
AB126033,1	98.9%	98.9%	99.3%	\geq	99.0%	98.8%	98.7%	98.7%	98.7%	98.7%	98.6%	98.7%	98.8%	98.6%	98.8%	98.6%	98.6%	98.4%	98.7%	94.7%	93.4%
EU586122,1	99.4%	99.3%	99.4%	99.0%	$>\!$	99.3%	99.2%	99.1%	99.2%	99,1%	99.0%	99,1%	99.2%	99,1%	99.2%	99,1%	99.1%	98.9%	99.1%	94.9%	93.7%
EU586130,1	99,2%	99.1%	99,2%	98,8%	99,3%	\geq	99.9%	99.2%	99.1%	99.0%	98,9%	99.0%	99,1%	99.0%	99.0%	98,9%	98,9%	98,7%	99.0%	94.8%	93,6%
EU586129,1	99.1%	99.0%	99.1%	98.7%	99.2%	99.9%	\geq	99.1%	99.0%	98.9%	98.8%	98.9%	99.0%	98,9%	98.9%	98,9%	98.8%	98.7%	98.9%	94,7%	93.6%
EU586133,1	99.0%	98.9%	99.0%	98.7%	99.1%	99.2%	99.1%	\geq	99.0%	98.9%	98.8%	98.9%	99.0%	98.9%	98,9%	98.9%	98.8%	98.6%	98.8%	94.6%	93.4%
EU586135.1	99.1%	99.0%	99.1%	98.7%	99.2%	99.1%	99.0%	99.0%	\geq	99.9%	99.1%	99.2%	99.4%	99.2%	99.1%	99.0%	99.0%	98.8%	99.0%	94.8%	93.6%
EU586134.1	99.0%	99.0%	99.1%	98.7%	99.1%	99.0%	98.9%	98.9%	99.9%	\geq	99.0%	99.1%	99.3%	99.1%	99.1%	98.9%	98.9%	98.7%	98.9%	94,7%	93.5%
EU586123,1	99.0%	98.9%	99.0%	98.6%	99.0%	98.9%	98.8%	98.8%	99.1%	99.0%	\geq	99.3%	99.2%	99.0%	98,9%	98.8%	98.7%	98.6%	98.8%	94.6%	93.4%
EU586121.1	99.0%	99.0%	99.1%	98.7%	99.1%	99.0%	98.9%	98.9%	99.2%	99.1%	99.3%	\geq	99.3%	99.1%	99.0%	98.8%	98.8%	98.7%	98.9%	94.7%	93.5%
EU586124,1	99.1%	99.1%	99.2%	98.8%	99.2%	99.1%	99.0%	99.0%	99.4%	99.3%	99.2%	99.3%	\geq	99.2%	99.2%	99.0%	99.0%	98.8%	99.0%	94.8%	93.6%
EU586127,1	99.0%	98.9%	99.0%	98.6%	99,1%	99.0%	98.9%	98,9%	99,2%	99.1%	99.0%	99.1%	99,2%	\geq	99.0%	99.0%	98.8%	98.6%	98,9%	94.6%	93.4%
EU586128,1	99.1%	99.0%	99.2%	98.8%	99.2%	99.0%	98.9%	98.9%	99.1%	99.1%	98.9%	99.0%	99.2%	99.0%	\geq	98,9%	98.9%	98.7%	99.0%	94.7%	93.6%
EU586132,1	99.0%	98.9%	99.0%	98.6%	99.1%	98.9%	98.9%	98.9%	99.0%	98.9%	98.8%	98.8%	99.0%	99.0%	98.9%	\geq	98.9%	98.6%	98.8%	94.7%	93.4%
EU586125,1	99.0%	98.9%	99.0%	98.6%	99.1%	98.9%	98.8%	98.8%	99.0%	98,9%	98.7%	98,8%	99.0%	98,8%	98.9%	98,9%	\geq	98.6%	98.9%	94.6%	93.4%
KX650857.1	98.8%	98.7%	98.8%	98.4%	98.9%	98.7%	98.7%	98.6%	98.8%	98.7%	98.6%	98.7%	98.8%	98.6%	98.7%	98.6%	98.6%	\geq	98.7%	94.5%	93.3%
EU586126,1	99.0%	99.0%	99.1%	98.7%	99,1%	99.0%	98.9%	98.8%	99.0%	98.9%	98.8%	98.9%	99.0%	98.9%	99.0%	98.8%	98.9%	98.7%	\geq	94.7%	93,5%
M96425.1	94.7%	94.7%	94.8%	94.7%	94.9%	94.8%	94.7%	94.6%	94.8%	94.7%	94.6%	94.7%	94.8%	94.6%	94.7%	94.7%	94.6%	94.5%	94.7%	$>\!$	93.9%
AF501591,1	93.6%	93.5%	93.6%	93.4%	93.7%	93.6%	93.6%	93,4%	93.6%	93,5%	93.4%	93,5%	93.6%	93.4%	93.6%	93.4%	93.4%	93.3%	93.5%	93,9%	$>\!\!<$

<그림 1-74> Homology distance of 21 PepMoV isolates.



<그림 1-75> Phylogenic tree of 21 PepMoV isolates.



<그림 1-76> Region of RPA exo primers and probes of 21 PepMoV isolates.

1. PepMoV-4197 F:

5'-ATTTAGAAGCTTAATTCATACATACCACACTAATT-3'

- 2. PepMoV-4,379 P :
 - 5'- ACA TGA TCC AAT ACG GAA ATA ACT TAT TAG [FAM-dT] G [THF] A [BHQ1-dT] GTA GCT AGT TAT AAT -[3'-block]
- 3. PepMoV-4,594 R:

5'- AACATCTATATCCAAAGTTACTCCATTTTCAATAA -3'

<그림 1-77> RPA exo primer and probe of 21 PepMoV isolates.



<그림 1-78> RT-RPA exo reaction with PepMoV primer and probe set.





<그림 1-79> RPA Exo-RT reaction of primer probe set of PepMoV with several bacteria.

No	Bacteria	result
1	Brevibacterium casei	Negative
2	Micrococcus luteus	Negative
3	Streptococcus pyogenes	Negative
4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
5	Serratia marcescens	Negative
6	Enterobacter aerogenes	Negative
7	Klebsiella oxytoca	Negative
8	Staphylococcus warneri	Negative
9	Proteus mirabilis	Negative
10	Citrobacter freundii	Negative
11	Enterococcus faecalis	Negative
12	Streptococcus agalactiae	Negative
13	Staphylococcus epidemidis	Negative
14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
15	Propionibacterium acnes	Negative
16	Dermabacter homins	Negative
17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
18	Distilled water	Negative
Positive control	PepMoV - mRNA transcript	Positive







<그림 1-81> PepMoV ER detection kit.

LCM Science Co., Ltd

LCM-PepMoV-ER-50

Pepper Mottle Virus (PepMoV) ER-Detection Kit

Revision No.: LCM-PepMoV-ER-0001 Issue Date: Aug 13, 2021 User Manua

For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.yuglobal.wavework.kr, nova3546@lcmscience.co.kr

161-10 Baekto-ri Hyangnam-eup Hwaseong-si Gyeonggido South Korea Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 speegene@naver.com

1. General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based rescence monitoring.

2. Storage conditions

The kit should be kept -20 °C (Full activity is guaranteed for 6 months).

3. Application

The Pepper Mottle Virus (PepMoV) ER-Detection kit contains specially designed probe and primer set for amplification of polyprotein precursor gene to detect the PepMoV viral RNA from specimens.

4. Product Description

4. Product Description
Pepper mottle virus (PepMoV) is a plant pathogenic virus in the genus Potyvirus and the virus family Potyviridae. Like other members of the Potyvirus genus, PepMV is a monopartite strand of positive-sense, single-stranded RNA surrounded by a capsid made for a single viral encoded protein. The virus is a filamentous particle that messures about 737 mm in length. Isolates of this virus has been completely sequenced and its RNA is 9640 nucleotides long. This virus is transmitted by several species of aphids in a nonpersitant manner and by mechanical inoculation. Pepper mottle was first recognized as a new strain for PVY infecting peppers in Arizona in 1069. In the early 1970s an "atypical" PVY isolate was also found in a survey of pepper fields in central Florida. Up until then, the two most important potyviruses infecting peppers in the US were Tobacco etch virus (TEV) and Potato virus Y (PVV). By 1975 it was clear that a third potyvirus, PepMoV (PeMV), was contributing to crop losses in pepper growing areas of the United States. This virus instrests may species of Solanaceae, including several species of Capsicum (i.e. C. annum, C. frutsecen), Datura spp., Javopersion esculentum, Physalis floriana, tobacco (Nicotiana spp.) and nightshade (Solanum sp.). It was its raction on C. frutescens (Tabasco pepper) that alerted researchers to the presence of a new virus in peppers. Symptoms of PepMoV on pepper include dark green view handing, mottle/mossib, puckerd or orinkled leaves, and an adverse yield significantly. Surveys have shown that PepMoV can often occur in mixed mice there wirus in pepper: PepMoV was to calculate the poty and/or PVY so a technique such as ELISA must be used to differentiate hese three virus in pepper. PepMoV makes two types of inclusions in mixed trips stained with the protein stain, OG, and the nucleic acid stain, AA, can be used to identify this virus in pepper. Mottle Virus (PepMoV) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use

The Pepper Mottle Virus (PepMoV) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use system for the detection of the Pepper Mottle Virus by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx Ltd). The master contains enzyme and processors its including specific probe and primer sets which is specially designed to ampli and reagents including specific probe and primer sets which is specially designed to ampli the polyprotein precursor gene for the unique amplification of Pepper Mottle Virus RNA within 15-20 min.

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent	CAP	Qty / 50 rxns
1	PepMoV Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl
2	PepMoV Probe	PRO	1 vial, 80 µl
3	PepMoV Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl
5	PepMoV Positive control	POS	1 vial, 50 µl
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml

6. Required Materials and Devices

Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner /CFX96 real time PCR/ Biological cabinet / Vortex mixer / Micropipets (0.5 – 1000 µl) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 µl) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Microcentrifuge / Biohazard waste container

7. Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

· Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits.

7.2. RPA reaction

No	Reagent	1 rxn	8 rxn
1	PepMoV Enzyme Master Mix	14.0 µl	112 µl
2	PepMoV Probe	1.5 µl	12.0 μl
3	PepMoV Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 µl	12.8 μl
5	RNA	1.0 µl	Χ μΙ
Total		20.0 µl	160.0 μl

50 rxn

* Use the reagents which are stored at -20 $^\circ C$ after spin down briefly when those are melted before use. * Be careful of contamination when you use the positive control for

amplification.

1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents

according to the table below.2) Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down.

- a) Aliquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.
 b) Aldiquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.
 c) Add positive and negative control (DW) to each PCR tube.
 c) It is highly recommended that the mixture for negative control should be made separately to avoid cross contamination.

5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the hubble

6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min. 7) Set the program as below table.

Step	No. of Cycle	Temperature	Duration
1	40	37-40℃	30 sec

- 8) Plate setup Set the fluorophores with FAM.
 - Type the sample names in the each tube. * Unknown: clinical sample
 - Negative control
 - * Positive control

8. Reading the Result



<Example of PepMoV RT-RPA reaction at T8 UV scanner>

Case	Positive control	Negative control	Polyprotein precursor	Interpretation (Ct value)
1	+	-	+	PepMoV Positive
2	+	-	-	PepMoV Negative
3	+	+	+/-	
4	-	+	+/-	Invalid result / retest
5	-	-	+/-	

9. Warnings and Precaution

1) For research use only.

- Carefully read this instruction before starting the procedure. 3) Clinical samples should be regarded as potentially infectious materials
- and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood. 4) Do not use the kit after its expiration date written on box.
- 5) Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may cause
- wrong test result. 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the
- tubes before use.7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.
- 8) Use always sterile pipette tips with filters.9) Wear separate coats and gloves in each area.
- 10) Collected test samples in sterile tubes.
- 11) Test samples should be extracted immediately or frozen at -20 °C to -80 °C.



<그림 1-82> Insert of PepMoV ER detection kit.

- PepMoV isolates 21건에 대한 유전자를 분석한 결과, 변이가 다른 바이러스 보다는 작은 것으로 보였다 (그림 1-74, 75).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 5 '쪽과 중간에서 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 그중에서 하나의 프라이머 프로브 세트를 선정하여 인공합성하였다. 이 프라이머와 프로브 (Primer probe set; PepMoV-4197F, PepMoV-4379P, PepMoV-4594R) 의 특성을 평가하였다 (그림 1-76, 77).
- RPA Exo kit를 사용하여 5가지의 고추관련 바이러스들 (CMV, BBWV, PMMoV, PepMoV, TWSV) 과 교차반응을 조사한 결과, PepMoV에만 잘 반응하였다 (그림 1-78).
- Exo RT RPA 반응은 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시켰고 음성대조군인 증류수 와는 반응이 없었다 (그림 1-78).
- 17건의 박테리아에 대한 유전자와 반응에서는 PepMoV primer와 probe 세트가 반응을 하지 않아 100%의 특이도를 보였다 (그림1-79).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 20분간 반응시킨 결과, 1 copies까지 검출이 되었다 (그림 1-80).
- 이상의 결과로 RT-RPA PepMoV detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-81, 82).
- PepMoV nfo detection kit 공동연구기관 강원대 결과
 - 1. PepMoVnfo-4197 F: 5'-ATTTAGAAGCTTAATTCATACATACCACACTAATT-3'
 - 2. PepMoVnfo-4,379 P :
 - 5'- [FAM] ACA TGA TCC AAT ACG GAA ATA ACT TAT TAG G [THF] A T GTA GCT AGT TAT AAT -[3'-block]
 - 3. PepMoVnfo-4,594 R:
 - 5'- [Biotin] AACATCTATATCCAAAGTTACTCCATTTTCAATAA -3'

<그림 1-82> RT-RPA nfo primer probe set of PepMoV.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT PepMoV primer & probe set를 응용하여 PCRD을 이용한 육 안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe들을 합성하였다 (그림 1-82).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분-20분간 반응시킨
 후 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.
- 10 ul 보다는 20 ul nfo 반응액을 PCRD에 올렸을 때, 밴드의 색이 더 강하게 나타났다 (그림 1-83).

○ 5가지의 고추관련바이러스중에서 PepMoV와만 반응을 하였다 (그림 1-84).
 ○ 검출한계는 1 copies/ul 까지 가능하였다 (그림 1-85).

15 min (10 ul)	20 min (10 ul)	20 min (20 ul)	buffer	
PepMov-1 PepMov-2 PepMov-Pio	PopMor-1 Pep Mov-2 PopMov-DW	Rep Mork-1 Rep Mor -2 Pep Mor -DW	PepMoVnfo- 4197 F	2.1 ul
			PepMoVnfo- 4,594 RR	2.1 ul
			PepMoVnfo- 4,379P	0.3 ul
	2 C 2 C	2 C 2 C	RT	1.0 ul
ססס	P P P		RNA	1.0 ul
			DW	11.5 ul
			MgOAc	2.5 ul
			Total	50 ul

Primer free R 29.5 ul





<그림 1-84> RT-RPA nfo reaction with PepMoV primer and probe set.



<그림 1-85> LoD of RT-RPA nfo reaction with PepMoV primer and probe set.

■ PepMoV end point detection kit - 위탁연구기관 - 전남대 결과

106	10 ⁵	10 ⁴	10 ³	10 ²	10 ¹	10º	DW	Reagent	Volume
1523	1388	1118	995	937	510	591	502	2x RB	10 ul
1509	1394	1125	1000	941	508	590	494	100mM dNTP	0.6 ul
								10x E. Mix	2.0 ul
		PePMo\	/ (End po	oint kit)				20x core Mix	1.0 ul
2	2000 T							PepMoVnfo-4197 F	1.0 ul
								PepMoVnfo-4594 R	1.0 ul
er 1	500-							RT	0.5 ul
valı								MgOAC	1.0 ul
AM								RNA	1.0 ul
11.	500		• • • • • • • •	- 🗖 -				DW	1.9 ul
								Total	20 ul
	0 — — — — — — — — — — — — — — — — — — —	10 ⁵ 10 ⁴ Serial di	10 ³ 10 ² Iution (coj	10 ¹ 10 ⁰ D pies/ul)	, W			39C, 15	min

<그림 1-86> LoD of RT-RPA end point detection kit.

- 사이버그린을 이용한 PepMoV end point detection kit의 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 20분간 반응시 킨 결과, 100 copies까지 검출이 되었다 (그림 1-86).
- 6. Peper mild mottle virus (PMMoV) RPA probe 진단제 개발



	NC_00	MW37	MW01	MT385	MN734	MN496	MN496	MK784	MH063	LC538	LC082	LC082	KX399	KX399	KU646	KU312	KR108	KR108	KP345	AY859	AB126
NC_003630,1	$>\!$	99.6%	97.3%	90.0%	99.6%	99.8%	99.3%	99.5%	99.5%	97.2%	94.4%	97.4%	99.5%	99.7%	99.6%	99.5%	99.7%	99.6%	99.6%	99.5%	97.4%
MW373851,1	99.6%	\geq	97.1%	90.1%	99.4%	99.6%	99.2%	99.4%	99.3%	97.0%	94.2%	97.2%	99.5%	99.6%	99.6%	99.4%	99.4%	99.4%	99.7%	99.4%	97.2%
MW012414.1	97.3%	97.1%	$>\!$	90.1%	97.2%	97.3%	96.8%	97.0%	97,1%	99.3%	94.6%	99.6%	97.1%	97.2%	97,1%	97.0%	97.1%	97.1%	97.2%	97.0%	99.5%
MT385868,1	90.0%	90.1%	90.1%	$>\!$	90.0%	90.1%	89.9%	90.0%	89.9%	90.1%	89.9%	90.3%	90.1%	90.1%	90.1%	90.0%	90.0%	90.0%	90.1%	90.0%	90.3%
MN734123,1	99.6%	99.4%	97.2%	90.0%	$>\!$	99.8%	99,2%	99.4%	99,3%	97.1%	94.4%	97.3%	99,3%	99,6%	99.4%	99.4%	99.5%	99.5%	99,5%	99,3%	97,3%
MN496154,1	99.8%	99.6%	97.3%	90,1%	99.8%	$>\!$	99,4%	99.6%	99.5%	97.2%	94.4%	97.5%	99,5%	99.7%	99.6%	99.5%	99.7%	99.7%	99.7%	99.5%	97,4%
MN496153,1	99.3%	99.2%	96,8%	89.9%	99.2%	99.4%	$>\!$	99.1%	99.1%	96.8%	94.1%	97.0%	99.1%	99.2%	99.2%	99.2%	99.2%	99.2%	99.2%	99.1%	97.0%
MK784568,1	99.5%	99.4%	97.0%	90.0%	99.4%	99.6%	99.1%	\geq	99.3%	96.9%	94.1%	97.2%	99.3%	99.4%	99.4%	99.3%	99.7%	99.8%	99.4%	99.3%	97.2%
MH063882,1	99.5%	99.3%	97.1%	89.9%	99.3%	99.5%	99.1%	99.3%	\geq	96.9%	94.2%	97.2%	99.2%	99.4%	99.3%	99.2%	99.4%	99.4%	99.4%	99.2%	97.2%
LC538100,1	97.2%	97.0%	99.3%	90.1%	97.1%	97.2%	96,8%	96.9%	96,9%	$>\!$	94.4%	99.5%	96.9%	97.1%	97.0%	96.9%	97.0%	97.0%	97.0%	96,9%	99.7%
LC082100.1	94.4%	94.2%	94.6%	89.9%	94,4%	94.4%	94.1%	94.1%	94.2%	94.4%	$>\!$	94.7%	94.2%	94.4%	94.2%	94.2%	94.2%	94.2%	94.2%	94.1%	94.6%
LC082099,1	97.4%	97.2%	99.6%	90.3%	97.3%	97.5%	97.0%	97.2%	97,2%	99.5%	94.7%	$\geq \leq$	97.2%	97.3%	97.3%	97.2%	97.3%	97.3%	97.3%	97.2%	99.8%
KX399390,1	99.5%	99.5%	97.1%	90.1%	99.3%	99.5%	99.1%	99.3%	99.2%	96,9%	94.2%	97.2%	\geq	99.5%	99,5%	99.2%	99.4%	99.3%	99.5%	99.4%	97,2%
KX399389,1	99.7%	99.6%	97.2%	90.1%	99.6%	99.7%	99.2%	99.4%	99.4%	97.1%	94.4%	97.3%	99.5%	\geq	99.6%	99.4%	99.5%	99.5%	99.7%	99.5%	97.3%
KU646837,1	99.6%	99.6%	97.1%	90.1%	99.4%	99.6%	99,2%	99.4%	99.3%	97.0%	94.2%	97,3%	99.5%	99.6%	\geq	99.3%	99.4%	99.4%	99.6%	99.6%	97.3%
KU312319,1	99.5%	99.4%	97.0%	90.0%	99.4%	99.5%	99.2%	99.3%	99.2%	96.9%	94.2%	97.2%	99.2%	99.4%	99.3%	$>\!$	99.4%	99.3%	99.4%	99.2%	97.2%
KR108207.1	99.7%	99.4%	97.1%	90.0%	99.5%	99.7%	99.2%	99.7%	99.4%	97.0%	94.2%	97.3%	99.4%	99.5%	99.4%	99.4%	\geq	99.8%	99.5%	99.3%	97.3%
KR108206.1	99.6%	99.4%	97.1%	90.0%	99.5%	99.7%	99.2%	99.8%	99.4%	97.0%	94.2%	97.3%	99.3%	99.5%	99.4%	99.3%	99.8%	\geq	99.5%	99.3%	97.2%
KP345899,1	99.6%	99.7%	97.2%	90.1%	99.5%	99.7%	99.2%	99.4%	99.4%	97.0%	94.2%	97.3%	99.5%	99.7%	99.6%	99.4%	99.5%	99.5%	\geq	99.5%	97.3%
AY859497,1	99.5%	99.4%	97.0%	90.0%	99.3%	99.5%	99.1%	99.3%	99.2%	96.9%	94.1%	97.2%	99.4%	99.5%	99.6%	99.2%	99.3%	99.3%	99.5%	\geq	97.2%
AB126003,1	97.4%	97.2%	99,5%	90.3%	97.3%	97.4%	97.0%	97.2%	97.2%	99.7%	94.6%	99.8%	97.2%	97.3%	97.3%	97.2%	97.3%	97.2%	97.3%	97.2%	$>\!$

<그림 1-87> Homology distance of 21 cases of PMMoV isolates.



<그림 1-88> Phylogenic tree of 21 cases of PMMoV isolates.



<그림 1-89> Region of RPA exo primer and probe set candidates of 21 cases of PMMoV isolates.

1. PMMoV- 5,415 F:

5'- TATAAAATTAGGCTTGAGAGAGAAAATTACTAGTG -3'

- 2. PMMoV 5,504 P:
 - 5'- TCG TTG ATG AGT TCA TCG AAT CAG TTC CAA [FAM-dT] G [THF] C [BHQ1-dT] GAC AGA TTA CGT AAA TTT -[3'-block]
- 3. PMMoV 5,584 R:

5'- TTCTCTTACCTACATACTTATTACTTCCTTTCTTA -3'

<그림 1-90> RPA exo primer and probe set of 21 cases of PMMoV isolates.



<그림 1-91> RT-RPA exo reaction with PMMoV primer and probe set.



<그림 1-92> RPA Exo-RT reaction of primer probe set of PMMoV with several bacteria.



<그림 1-93> Limitation of Detection of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of PMMoV.

- PMMoV isolates 21건에 대한 유전자를 분석한 결과, 분리주간 동질성이 90% 이상인 것으로 관찰되어 변이가 다른 바이러스 보다는 작은 것으로 보였다 (그림 1-87, 88).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 3 '쪽에서 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 그중에서 하나의 프라이머 프로브 세트를 선정하여 인공합성하였다. 이 프 라이머와 프로브 (Primer probe set; PMMoV-5415F, PMMoV-5504P, PMMoV-5584R)의 특성을 평 가하였다 (그림 1-90).
- RPA Exo kit를 사용하여 5가지의 고추관련 바이러스들 (CMV, BBWV, PMMoV, PepMoV, TWSV) 과 교차반응을 조사한 결과, PMMoV에만 잘 반응하였다 (그림 1-91).
- Exo RT RPA 반응은 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시켰고 음성대조군인 증류수 와는 반응이 없었다 (그림 1-91).
- 17건의 박테리아에 대한 유전자와 반응에서는 PMMoV primer와 probe 세트가 반응을 하지 않아 100%의 특이도를 보였다 (그림1-92).

○ 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 20분간 반응시킨 결과, 1 copies까지 검출이 되었다 (그림 1-93).

○ 이상의 결과로 RT-RPA PMMoV detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-94, 95).



<그림 1-96> PepMoV ER detection kit.

LCM Science Co., Ltd

LCM-PMMoV-ER-50

Pepper Mild Mottle Virus (PMMoV) ER-Detection Kit

Revision No.: LCM-PMMoV-ER-0001 Issue Date: Aug 13, 2021 User Manual For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.yuglobal.wavework.kr, nova3546@lcmscience.co.kr

161-10 Baekto-ri Hyangnam-eup Hwaseong-si Gyeonggido South Korea Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 speegene@naver.com

1. General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based rescence monitoring.

2. Storage conditions

The kit should be kept -20 °C (Full activity is guaranteed for 6 months).

3. Application

The Pepper Mild Mottle Virus (PMMoV) ER-Detection kit contains specially designed probe and primer set for amplification of movement protein gene to detect the PMMoV viral RNA from specimens.

4. Product Description

Pepper mild mottle virus (PMMoV) is a plant pathogenic virus that occurs worldwide on species of field grown bell, hot and ornamental pepper species. It is caused by members of the plant virus genus Tobamovirus- otherwise known as the tobacco mosaic virus family. spectes on neug genus Tobanovirus- otherwise known as the tobacco mosaic virus family. Tobamovirus genus Tobamovirus- otherwise known as the tobacco mosaic virus family. Tobamovirus are viruses that contain positive sense RNA genomes that infect plants. Symptoms of the disease vary depending on the cultivar. Typical symptoms include the chlorosis of leaves, stunting, and distorted and lampy fruiting structures. The virus is spread by mechanical transmission and infected seeds. Avoidance is the best means of controlling the disease because once a plant is infected it cannot be treated. Only seeds that have been tested and treated for the pathogen should be planted. Pepper mild mottle virus is the major viral pathogen of peppers (Capsicum spp.). This virus strain does not infect tomato, eggplant, or tobacco; however, other members of the genus Tobamovirus can infect these other hosts. PMMoV is one of at least 4 different species of Tobamovirus that infect peppers. The others include Tobacco mosaic virus (TMV), Tomato mosaic virus (TMV) and Tobacco mild green mosaic virus (TMCMV). Symptoms caused by this pathogen vary based on the specific host cultivar; however, a majority of the symptoms are very similar between the different hosts. Symptoms usually include various degrees of mottling, chlorosis, curling, dwarfing, and distortion of the fruit, leaves, and even whole plants. The symptoms on fruit include: a reduction in size, mottling and color changes, and an obvious symptoms on fruit include: a reduction in size, mottling and color changes, and an obvious distorted and lumpy appearance. Also, many times brown necrotic streaks or splotches can be seen on the leaves and fruit. The symptoms can easily be seen on new growth, and they are far more pronounced if the plant was infected when it was young rather than when it was older. This disease is harmful because of the mild foldar symptoms (chlorosis, necrosis, etc.) and due to this many times the pathogen goes unnoticed until the more evident symptoms on the fruit appear. The Paper Mild Mottle Virus (PMNoV) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use system for the detection of the Paper Mild Mottle Virus by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx Ltd). The master contains enzymes and reagents including specific probe and primer sets which is specially designed to amplify the movement protein gene for the unique amplification of Paper Mild Mottle Virus RNA within 15-20 min.

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent	CAP	Qty / 50 rxns
1	PMMoV Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl
2	PMMoV Probe	PRO	1 vial, 80 µl
3	PMMoV Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl
5	PMMoV Positive control	POS	1 vial, 50 µl
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml

6. Required Materials and Devices

Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner /CFX96 real time PCR/ Biological cabinet / Vortex mixer / Micropipets (0.5 – 1000 µl) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 µl) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Microcentrifuge / Biohazard waste container

7. Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

· Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits.

7.2. RPA reaction

No	Reagent	1 rxn	8 rxn
1	PMMoV Enzyme Master Mix	14.0 µl	112 µl
2	PMMoV Probe	1.5 µl	12.0 µl
3	PMMoV Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 µl	12.8 µl
5	RNA	1.0 µl	X µl
Total		20.0 µl	160.0 μl

50 rxn

* Use the reagents which are stored at -20 $^\circ C$ after spin down briefly when those are melted before use. * Be careful of contamination when you use the positive control for

amplification.

1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents

according to the table below.2) Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down.

- a) Aliquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.
 b) Aldiquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.
 c) Add positive and negative control (DW) to each PCR tube.
 c) It is highly recommended that the mixture for negative control should be made separately to avoid cross contamination. 5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the

hubble

6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min.

7) Set the program as below table.

Step	No. of Cycle	Temperature	Duration
1	40	37-40 ℃	30 sec

- 8) Plate setup Set the fluorophores with FAM.
 - Type the sample names in the each tube. * Unknown: clinical sample
 - Negative control
 - * Positive control

8. Reading the Result



<Example of PMMoV RT-RPA reaction at T8 UV scanner>

Case	Positive control	Negative control	Movement protein gene	Interpretation (Ct value)
1	+	-	+	PMMoV Positive
2	+	-	-	PMMoV Negative
3	+	+	+/-	
4	-	+	+/-	Invalid result / retest
5	-	-	+/-	

9. Warnings and Precaution

1) For research use only.

- Carefully read this instruction before starting the procedure. 3) Clinical samples should be regarded as potentially infectious materials
- and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood. 4) Do not use the kit after its expiration date written on box.
- 5) Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may cause
- wrong test result.
- 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the tubes before use.7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.
- 8) Use always sterile pipette tips with filters.9) Wear separate coats and gloves in each area.
- 10) Collected test samples in sterile tubes.
- 11) Test samples should be extracted immediately or frozen at -20 °C to -80 °C.



<그림 1-97> Insert of PMMoV ER detection kit.

■ PMMoV nfo detection kit - 공동연구기관 - 강원대 결과

1. PMMoVnfo- 5,415 F :

5'- TATAAAATTAGGCTTGAGAGAGAAAATTACTAGTG -3'

- 2. PMMoVnfo- 5,504 P :
 - 5'- [FAM] TCG TTG ATG AGT TCA TCG AAT CAG TTC CAA [FAM-dT] G [THF] C T GAC AGA TTA CGT AAA TTT -[3'-block]
- 3. PMMoVnfo 5,584 R: 5'- [Biotin] TTCTCTTACCTACATACTTATTACTTCCTTTCTTA -3'

<그림 1-98> RT-RPA nfo primer probe set of PMMoV.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT PMMoV primer & probe set를 응용하여 PCRD을 이용한 육 안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe들을 합성하였다 (그림 1-98).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분-20분간 반응시킨 후 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.
- nfo 반응 시간을 15분한 것과 20분 한 것 모두에서 육안 관찰이 확실한 반응이 관찰되었다.
 PCRD에 올린 후 20분까지도 음성 대조군인 증류수에서 반응이 없어 백그라운드도 없는 좋은 프라이머 프로브 세트인 것으로 판단되었다 (그림 1-99).
- 5가지의 고추관련바이러스중에서 PMMoV와만 반응을 하였다 (그림 1-100).
- 검출한계는 1 copies/ul 까지 가능하였다 (그림 1-101).

	20 min	(10 ul)	Primer free R	29.5 ul
15 min (10 ul)	Loading후 5분	Loading후 20분	buffer	
PRAMOU-1, PRAMOU-2, PRAMOU-DW 40 15' 40 15' 40 15'	Pagetov-1 20' 20' 20' 20' 20'	PERMUV-1 , REAMOV-D. PERMOV-DW. 40 20' 40' 20'	PMMoVnfo- 5,415 F	2.1 ul
			PMMoVnfo – 5,584 R	2.1 ul
12 Q 12 Q 12 Q	120	12 C	PMMoVnfo- 5,504 P	0.3 ul
			RT	1.0 ul
		CA CA CA	RNA	1.0 ul
	$\mathbf{\tilde{c}}$ $\mathbf{\tilde{c}}$ $\mathbf{\tilde{c}}$		DW	11.5 ul
			MgOAc	2.5 ul

<그림 1-99> RT-RPA nfo primer probe set of PMMoV.

50 ul

Total



<그림 1-100> RT-RPA nfo reaction with PMMoV primer and probe set.



<그림 1-101> LoD of RT-RPA nfo reaction with PMMoV primer and probe set.

■ PMMoV end point detection kit - 위탁연구기관 - 전남대 결과

PMI	MoV	Pepl	MoV	TS	٨V	DW	10 ⁸
1	2	1	2	1	2		
1088	994	390	360	321	363	340	583
1084	989	389	389	320	363	339	582

BBWV-Ca		BBW	V-Ph	CM	/-RS	DW	0.1 ng
1	2	1	2	1	2		
453	404	462	601	465	421	453	994
455	406	466	607	468	423	456	998

<그림 1-102> RT-RPA end point detection reaction with PMMoV primer set.

10)6	10 ⁵	10 ⁴	10 ³	10 ²	10 ¹	10	0	DW	
89	6	487	432	623	486	392	37	7	350	
83	8	452	52 410 587 454 369		40	1	367			
					Reagent		Volume			
						2x RB		10	ul	
		L	oD-PMMo	100mM dN	TP	0.6 ul				
1(⁰⁰⁰			<i>P</i> < 0.0001 r ² = 0.9883	10x E. Mix	2.0	2.0 ul			
8	воо –					20x core M	ix	1.0	ul	
alue	600-	_				PMMoVnfo F	1.0 ul			
Ň,	400-		╏╽╸╽╺ <u>┍</u> ╸	<u></u>		PMMoVnfo R		1.0	ul	
Ξ,	200					RT		0.5 ul		
4	2007					MgOAC		1.0	ul	
	0-1	10 ⁶ 10 ⁵ 10 ⁴	⁴ 10 ³ 10 ²	10 ¹ 10 ⁰	-	RNA	1.0	ul		
			Dilution			DW		1.9	ul	
						Total			20 ul	

<그림 1-103> LoD of PMMoV RT-RPA end point detection kit.

- 사이버그린을 이용한 PMMoV end point detection kit의 특이도를 알아본 결과 5개의 고추 관련 바이러스 중에서 PMMoV와만 잘 반응하였다 (그림 1-102).
- PMMoV end point detection kit의 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군 을 10⁶-10⁰ copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 20분간 반응시킨 결과, 100 copies까 지 검출이 되었다 (그림 1-103).

7. Tomato spotted wilt virus (TSWV) - RPA probe 진단제 개발



Tomato spotted wilt virus - Wikipe... en.wikipedia.org



Peppers Get Tomato Spotted Wilt ... nwdistrict.ifas.ufl.edu

Tomato Spotted Wilt Virus (TSWV)



Tomato resistance-breaking TSWV... tomatonews.com



Symptoms of Tomato spotted wilt ... researchgate.net



	KU976	JF9602	MF805	KM657	KM657	KM657	KC261	KC261	KC261	HM581	AB190	AB088	KT717	D1392	AF020	LC549	KP008	AF020	KU179	KT160	NC
KU976396,1	$>\!$	99,8%	99,3%	99.7%	99,5%	99,3%	97.7%	98.0%	97.9%	94,9%	95.6%	95.0%	92.9%	92,3%	93.0%	90.3%	90.7%	88.6%	90.1%	90.3%	88,3%
JF960235,1	99.8%	\geq	99.2%	99.6%	99.4%	99.3%	97.7%	97.9%	97.8%	94,8%	95.5%	94.9%	92.9%	92.3%	92.9%	90.2%	90.6%	88.6%	90.0%	90.3%	88.2%
MF805764,1	99.3%	99.2%	\geq	99,3%	99.1%	99.0%	97.4%	97.6%	97.5%	94,6%	95.3%	94.5%	92.6%	91.9%	92.6%	89.8%	90.2%	88.3%	89.7%	90.0%	88.0%
KM657116,1	99.7%	99,6%	99,3%	\geq	99.6%	99,4%	97.8%	98.0%	97.9%	94.9%	95.6%	94.9%	92.9%	92.3%	93.0%	90,2%	90,6%	88,6%	90,1%	90.3%	88,3%
KM657115,1	99,5%	99,4%	99,1%	99,6%	\geq	99,4%	97.7%	97,9%	97.8%	94,8%	95,5%	94,8%	92,9%	92,2%	92,9%	90,1%	90,5%	88,5%	90.0%	90,3%	88,2%
KM657114,1	99,3%	99.3%	99.0%	99.4%	99.4%	\geq	97.5%	97.7%	97.6%	94.8%	95,4%	94.7%	92,7%	92.2%	92.8%	90.0%	90.4%	88.4%	89,9%	90.1%	88,1%
KC261955,1	97.7%	97.7%	97.4%	97.8%	97.7%	97.5%	\geq	99.4%	98.3%	94.6%	95.2%	94.5%	92.7%	92.1%	92.7%	90.1%	90.4%	88.4%	90.0%	90.1%	87.9%
KC261952,1	98.0%	97.9%	97.6%	98.0%	97.9%	97.7%	99,4%	$>\!$	98,5%	94.7%	95.4%	94.6%	93.0%	92.4%	93.0%	90.2%	90.5%	88.6%	90.2%	90.3%	88.2%
KC261949.1	97.9%	97.8%	97.5%	97.9%	97.8%	97.6%	98,3%	98,5%	\bowtie	94,7%	95,3%	94.6%	92.7%	92.1%	92.8%	90.0%	90.4%	88,5%	90.0%	90.1%	88.0%
HM581942,1	94,9%	94,8%	94.6%	94.9%	94,8%	94,8%	94.6%	94,7%	94.7%	$>\!$	97.0%	94,5%	92.6%	92.2%	92.5%	89.8%	90.0%	88.4%	89.9%	90.2%	88.0%
AB190819,1	95.6%	95.5%	95,3%	95.6%	95,5%	95,4%	95,2%	95,4%	95,3%	97.0%	\geq	94.9%	93.2%	92.6%	92.8%	90.1%	90.5%	88.6%	90.2%	90.1%	88,4%
AB088385,1	95.0%	94.9%	94.5%	94.9%	94.8%	94.7%	94.5%	94.6%	94.6%	94.5%	94.9%	$>\!$	93.1%	93.1%	93.1%	90.9%	91.2%	89.2%	90,8%	90.6%	88,9%
KT717693,1	92,9%	92.9%	92.6%	92,9%	92.9%	92.7%	92.7%	93.0%	92.7%	92.6%	93,2%	93.1%	$>\!$	95.5%	94.8%	90.3%	90.7%	88.8%	90.5%	90,1%	88.5%
D13926.1	92,3%	92,3%	91,9%	92,3%	92,2%	92,2%	92,1%	92.4%	92,1%	92,2%	92,6%	93,1%	95,5%	$>\!$	95,8%	91.4%	91.7%	90.0%	91.5%	91.1%	89,1%
AF020660,1	93.0%	92.9%	92.6%	93.0%	92.9%	92.8%	92.7%	93.0%	92.8%	92.5%	92.8%	93.1%	94.8%	95.8%	$>\!$	91.1%	91.5%	88.6%	91.2%	91.2%	89.1%
LC549181,1	90.3%	90.2%	89.8%	90.2%	90.1%	90.0%	90.1%	90.2%	90.0%	89.8%	90.1%	90.9%	90.3%	91.4%	91.1%	$>\!$	98,5%	93.9%	94.7%	93.7%	93.5%
KP008134.1	90,7%	90.6%	90,2%	90.6%	90,5%	90,4%	90,4%	90,5%	90,4%	90.0%	90,5%	91.2%	90,7%	91,7%	91,5%	98,5%	\sim	94.2%	95,1%	94,1%	93,9%
AF020659,1	88.6%	88.6%	88,3%	88.6%	88,5%	88.4%	88.4%	88.6%	88,5%	88.4%	88.6%	89.2%	88.8%	90.0%	88.6%	93,9%	94.2%	$>\!$	92.2%	91.4%	91.1%
KU179515,1	90.1%	90.0%	89,7%	90.1%	90.0%	89.9%	90.0%	90.2%	90.0%	89.9%	90.2%	90.8%	90.5%	91.5%	91.2%	94.7%	95.1%	92.2%	$>\!$	96.0%	93.8%
KT160282,1	90.3%	90.3%	90.0%	90.3%	90.3%	90.1%	90.1%	90.3%	90.1%	90.2%	90,1%	90.6%	90,1%	91.1%	91.2%	93.7%	94.1%	91.4%	96.0%	$>\!\!\!<$	92.6%
NC	88.3%	88 2%	88.0%	88 3%	88.2%	88.1%	87.9%	88 2%	88.0%	88.0%	88.4%	88.9%	88.5%	89.1%	89.1%	93 5%	93.9%	91.1%	93.8%	92.6%	$>\!\!<$

<그림 1-104> Homology distance of 21 cases of TSWV isolates.



<그림 1-105> Phylogenic tree of 21 cases of TSWV isolates.

C	1	500	1,000	1,500	2,000	2,500 3	3,117
Consensus	//						
		i	11				
Identity							T
1. KU976396.1							н
2. JF960235.1			ТІІ				н
3. MF805764.1							Щ
4. KM65/116.1							H
5. KIVI657115.1							H
7 KC261955 1							
8 KC2619521							H
9. KC261949.1							N
10. HM581942.1							ГŪЙ
11. AB190819.1		TIII.					TDA
12. AB088385.1							ГП
13. KT717693.1							ТH
14. D13926.1				I II II KIDKOHK H			<u>.</u>
15. AF020660.1							ΞН
16. LC549181.1							
17. KP008134.1							
18. AFU20039.1							
20 KT160282 1							
21 NC							
211110							

<그림 1-106> Region of RPA exo primer and probe set candidates of 21 cases of TSWV isolates.

1. TSWV-906 F:

5'- AAACAAACAAAACATTTTATTTATCTATTGCTTGC -3'

- 2. TSWV-956 P :
 - 5'- ACC ATA ACA GTG TTG AGA CAG CTT TAA ACA [FAM-dT] T [THF] C [BHQ1-dT] GTT ATT TGC AAG CAT -[3'-block]
- 3. TSWV-1,057 R:
 - 5'- TAAATCAGAAAACATCATTGATAATTCAAAAGGAG -3'

<그림 1-107> RPA exo primer and probe set of 21 cases of TSWV isolates.



<그림 1-108> RT-RPA exo reaction with TSWV primer and probe set.



<그림 1-109> RPA Exo-RT reaction of primer probe set of TSWV with several bacteria.



<그림 1-110> Limitation of Detection of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of TSWV.

- TSWV isolates 21건에 대한 유전자를 분석한 결과, 크게 두 개의 그룹으로 나누어지고 있었 으나 분리주간에 크게는 10%이상의 변이가 관찰되었다 (그림 1-104, 105).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, 5 '쪽에서 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 그중에서 하나의 프라이머 프로브 세트를 선정하여 인공합성하였다. 이 프 라이머와 프로브 (Primer probe set; TSWV-906F, TSWV-956P, TSWV-1057R)의 특성을 평가하 였다 (그림 1-106, 107).
- RPA Exo kit를 사용하여 5가지의 고추관련 바이러스들 (CMV, BBWV, PMMoV, PepMoV, TWSV) 과 교차반응을 조사한 결과, TSWV에만 잘 반응하였다 (그림 1-108).
- Exo RT RPA 반응은 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시켰고 음성대조군인 증류수 와는 반응이 없었다 (그림 1-108).
- 17건의 박테리아에 대한 유전자와 반응에서는 TSWV primer와 probe 세트가 반응을 하지 않 아 100%의 특이도를 보였다 (그림1-109).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul 까지 단계적 희석한 후 39℃에서 20분간 반응시킨 결과, 100 copies까지 검출이 되었다 (그림 1-110).
- 이상의 결과로 RT-RPA TSWV detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-111, 112).



<그림 1-111> TSWV ER detection kit.

LCM Science Co., Ltd

LCM-TSWV-ER-50

Tomato Spotted Wilt Virus (TSWV) ER-Detection Kit

Revision No.: LCM-TSWV-ER-0001 Issue Date: Aug 13, 2021 User Manua For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.yuglobal.wavework.kr, nova3546@lcmscience.co.kr

161-10 Baekto-ri Hyangnam-eup Hwaseong-si Gyeonggido South Korea Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 speegene@naver.com

1. General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based rescence monitoring.

2. Storage conditions

The kit should be kept -20 °C (Full activity is guaranteed for 6 months).

3. Application

The Tomato Spotted Wilt Virus (TSWV) ER-Detection kit contains specially designed probe and primer set for amplification of segment S gene to detect the TSWV viral RNA from specimens.

4. Product Description

Tomato spotted wilt virus (TSWV) is an important disease of many different crops grown in temperate and subtropical regions of the world. TSWV is a unique virus in a virus class by itself. The host range for TSWV is one of the widest known for plant viruses. It infects over 1,000 species in 85 families, including both monocots and dicots. The virus has been Incus: Intensor I and Stamics, including both moneous hardwind with the second test of the second se are tny (approximately 1/16 of an inch) winged insects that feed on plants through sucking mouthparts. Thrips transmit the virus in a persistent propagative manner, which means that once the insect has picked up the virus, the virus replicates within the insect and the insect is able to transmit the virus for the remainder of its life. The virus is not passed on from adult to egg however, progeny that develop on infected plants will quickly pick up the virus and be effective spreaders of the disease.

The Tomato Spotted Will Virus (TSWV) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use system for the detection of TSWV by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx Ltd). The master contains enzymes and reagents including specific probe and primer sets which is specially designed to amplify the movement protein gene for the unique amplification of TSWV RNA within 15-20 min

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent	CAP	Qty / 50 rxns
1	TSWV Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl
2	TSWV Probe	PRO	1 vial, 80 µl
3	TSWV Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl
5	TSWV Positive control	POS	1 vial, 50 µl
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml

6. Required Materials and Devices

Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner /CFX96 real time PCR/ Biological cabinet / Vortex mixer / Micropipets (0.5 – 1000 µl) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 µl) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Microcentrifuge / Biohazard waste container

7. Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

· Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits.

7.2. RPA reaction

No	Reagent	1 rxn	8 rxn
1	TSWV Enzyme Master Mix	14.0 µl	112 µl
2	TSWV Probe	1.5 µl	12.0 µl
3	TSWV Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 µl	12.8 µl
5	RNA	1.0 µl	Χ μΙ
Total		20.0 µl	160.0 µl

50 rxn

Duration

30 sec

* Use the reagents which are stored at -20 $^\circ C$ after spin down briefly when those are melted before use. * Be careful of contamination when you use the positive control for

amplification.

1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents

according to the table below.2) Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down.

- a) Aliquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.
 b) Aldiquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.
 c) Add positive and negative control (DW) to each PCR tube.
 c) It is highly recommended that the mixture for negative control should be made separately to avoid cross contamination.

37-40°C

5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the hubble 6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min.

7) Set the program as below table.

Step No. of Cycle Temperature 40

8) Plate setup

1

- Set the fluorophores with FAM.
- Type the sample names in the each tube. * Unknown: clinical sample
 - Negative control
- * Positive control

8. Reading the Result



<Example of TSWV RT-RPA reaction at T8 UV scanner>

Case	Positive control	Negative control	Segment S gene	Interpretation (Ct value)	
1	+	-	+	TSWV Positive	
2	+	-	-	TSWV Negative	
3	+	+	+/-		
4	-	+	+/-	Invalid result / retest	
5	-	-	+/-		

9. Warnings and Precaution

1) For research use only.

Carefully read this instruction before starting the procedure. 3) Clinical samples should be regarded as potentially infectious materials

and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood. 4) Do not use the kit after its expiration date written on box.

5) Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may cause

wrong test result. 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the

- tubes before use.7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.

8) Use always sterile pipette tips with filters.9) Wear separate coats and gloves in each area.

10) Collected test samples in sterile tubes.

11) Test samples should be extracted immediately or frozen at -20 °C to -80 °C.



<그림 1-112> Insert of PMMoV ER detection kit.

■ TSWV nfo detection kit - 공동연구기관 - 강원대 결과

1. TSWVnfo-906 F:

5'- AAACAAACAAAACATTTTATTTATCTATTGCTTGC -3'

- 2. TSWVnfo-956 P :
 - 5'- [FAM] ACC ATA ACA GTG TTG AGA CAG CTT TAA ACA T [THF] C T GTT ATT TGC AAG CAT -[3'-block]
- 3. TSWVnfo-1,057 R:

5'- [Biotin] TAAATCAGAAAACATCATTGATAATTCAAAAGGAG -3'

<그림 1-113> RT-RPA nfo primer probe set of TSWV.



Primer free R buffer	29.5 ul
TSWVnfo-906F	2.1 ul
TSWVnfo-1057R	2.1 ul
TSWVnfo-956P	0.3 ul
RT	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	11.5 ul
MgOAc	2.5 ul
Total	50 ul

<그림 1-114> RT-RPA nfo reaction with TSWV primer and probe set.



<그림 1-115> TSWV RT-RPA nfo reaction with several related viruses.



<그림 1-116> LoD of RT-RPA nfo reaction with TSWV primer and probe set.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT TSWV primer & probe set를 응용하여 PCRD을 이용한 육안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe들을 합성하였다 (그림 1-113).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분-20분간 반응시킨 후 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.
- nfo 반응 시간을 15분한 것과 20분 한 것 모두에서 육안 관찰이 확실한 반응이 관찰되었다.
 PCRD에 올린 후 20분까지도 음성 대조군인 증류수에서 반응이 없어 백그라운드도 없는 좋은 프라이머 프로브 세트인 것으로 판단되었다 (그림 1-114).
- 5가지의 고추관련바이러스중에서 PMMoV와만 반응을 하였다 (그림 1-115).
- 검출한계는 10 copies/ul 까지 가능하였다 (그림 1-116).

■ 공동연구기관-강원대 연구결과

- 1. 진단 대상 식물바이러스 수집, 바이러스 핵산 분리 및 보관
- 고추 감염 식물바이러스 수집, 바이러스 핵산 분리 및 보관
- 주요 고추 감염 식물바이러스 (CMV, PepMoV, PMMoV, BBWV, TSWV)의 바이러스 핵산 분리 및 최 적검정을 위한 프라이머 테스트를 위해 바이러스별 두 가지 이상의 프라이머를 제작 (표 1)

표 1. 고추 감염 바이러스 대상 프라이머

RPA_CMV_R3_1787_F

RPA_TSWV_N_276_F RPA_TSWV_N_498_R

RPA_BBWV2_3353_F

RPA_BBWV2_3530_R

Primer	Sequence $(5' \rightarrow 3')$
PMMoV-6F	GTT GTG TCC GGG GAG TGG AAC C
PMMoV-6R	TGG GCC GCT ACC CGC GGT TC
PepMoV-CP_5	AGC AGC TCA AGA TCA GAC AC
PepMoV-CP_3	CAT ATT TCT GAC CCC AAG CAG
CMV-CP-5'	ATG GAC AAA TCT GAA TCA ACC AG
CMV-CP-3'	TCA GAC TGG GAG CAC TCC A
TSWV-CP-5	GCT GGA GCT AAG TAT AGC AGC
TSWV-CP-3	CAC AAG GCA AAG ACC TTG AG
BBWV(506)-5	GGT GAG CAG TTT GTC AGA AGT
BBWV(506)-3	CCA GAT AAT GCA TAT TCC ACC
Primer	Sequence $(5' \rightarrow 3')$
RPA_PMMoV_6038	B_F GAC GGT GGC CAT TAG GGC CAG TAT AAG TAA
RPA_PMMoV_6244	4_R
RPA_PepMoV_919	5_F TAC GTC AAC ACG TGC TCG CGA AGC CCA TAT
RPA_PepMoV_931	7_R TGG CGC TCT GTG TTT TCT CCT TGT GTT CCT
RPA_CMV_R3_160	8_F GAA ATT TGA TTC TAC CGT GTG GGT TAC AGT

CTG ATA TAG GTG ACA TGA GAA AGT ACG CCG

TAG CCA AGA CAA CAC TGA TCA TCT CAA AGC

AGA AGG CTT GAT AGC TTG ATC AGG GTC AGG TGG CTC KRA TGT CGA ATT TGC TGG CCA ACA

AGG TCA TGG AAC CCA TTT TAA TGG GAG GCT

- 프라이머별 바이러스 핵산 검정 결과가 일부 차이가 있음을 확인함 (그림 1)



<그림 1> 프라이머에 따른 고추 감염 바이러스 검정

- 이에 따라, 최적 바이러스 검정을 위한 각 증폭산물의 크기가 유의미하게 차이나는 최종 프 라이머 세트를 선발하여 이후 실험에 이용함 (표 2, 그림 2)

Ŧ	2.	최종	고추	감염	바이러스	대상	프라이머
---	----	----	----	----	------	----	------

Primer	Sequence (5' \rightarrow 3')
CMV-Fny-CP-5'	ATG GAC AAA TCT GAA TCA ACC AG
CMV-Fny-CP-3'	TCA GAC TGG GAG CAC TCC A
PepMoV-CP_5	AGC AGC TCA AGA TCA GAC AC
PepMoV-CP_3	CAT ATT TCT GAC CCC AAG CAG
TobamodF	TKG AYG GNG TBC CNG GNT GYG G
TobamodR	ACN GAV TBN ABC TGT AAT TGC TAT
BBWV(506)-5	GGT GAG CAG TTT GTC AGA AGT
BBWV(506)-3	CCA GAT AAT GCA TAT TCC ACC
RPA_TSWV_N_276_F	TAG CCA AGA CAA CAC TGA TCA TCT CAA AGC
RPA_TSWV_N_498_R	AGA AGG CTT GAT AGC TTG ATC AGG GTC AGG



<그림 2> 최종 프라이머를 활용한 고추 감염 바이러스 핵산 검정

2. In vitro RNA, 온실 수준 및 농가포장시료에 대한 진단검사 및 유용성 평가 ○ 고추 농가에서 바이러스 병징으로 보이는 시료를 채집함 (그림 3)



<그림 3> 고추 농가 포장 시료에서의 식물 바이러스 병징

- 고추 시료의 진단검사에 앞서 채집된 시료에 대한 품종 및 병징에 따른 분류를 실시한 결과 다양한 패턴의 병징 확인함 (표 3)

Cultivars	Symptoms				
1. 엄지아삭이고추	Necrotic ring spot, Yellowing				
2. 청양고추	Mosaic, Mottle				
3. 청양고추	Chlorotic spots				
4. 오이고추	Mosaic				
5. 가지고추	Mosaic				
6. 꽈리고추	Stem necrosis, Mosaic				
7. 비타민고추	Necrotic spots				
8. 파프리카	Mosaic, Mottle, Rugose				

표 3. 농가에서 채집한 고추 품종 및 병징

- RPA를 활용한 진단 시스템과 기존 바이러스 검정 시스템인 conventional RT-PCR과의 비교 를 위해 검정을 수행하였으며, hexamer로 이루어진 Random primer를 이용한 역전사 산물의 경우 PMMoV 및 TSWV가 확인되지 않았지만, 특이 프라이머를 이용한 역전사 반응시 감염이 확 인되어 conventional RT-PCR 활용시 특이 프라이머를 이용한 역전사 반응이 요구됨을 확인함 (표 4, 그림 4) - PepMoV의 경우 8가지 시료에서 바이러스가 검정되지 않음 (표 4, 그림 4)

- 또한 다수 시료에서 CMV, PMMoV, BBWV, TSWV의 감염과 해당 바이러스들의 복합 감염이 확 인되었으며, 특히 꽈리고추와 파프리카의 경우 CMV, BBWV, TSWV 세 종의 바이러스가 동시에 복합감염되는 형태를 보임 (표 4, 그림 4)

- 이러한 감염 형태가 병징 분류와 일치하지 않는 특성이 있어 육안으로는 바이러스 진단이 어려우며 현장 진단시스템 구축이 요구됨 (표 3, 표 4, 그림 4)

표 4 농가에서 채집한 고추 시료의 바이러스 검정

Virue	Pepper cultivars							
virus —	1	2	3	4	5	6	7	8
CMV	Х	0	0	0	0	0	0	0
PepMoV	Х	Х	Х	Х	Х	Х	Х	Х
PMMoV	Х	Х	Х	Х	Ο	Х	Х	Х
BBWV	Х	Х	Х	Ο	Х	Ο	Ο	Ο
TSWV	Х	Х	Х	Х	Х	Ο	Х	Ο







<그림 4> 농가에서 채집한 고추 시료의 conventional RT-PCR 검정

3. 기존 진단법(real time PCR, conventional PCR, 항체진단법 등)과 RPA real-time detection kit와 민감도와 특이도 비교

○ 고추에 감염된 바이러스의 효율적인 진단을 위한 민감도 테스트

- 고추 바이러스 감염 식물로부터 total RNA를 추출하여 nanodrop 기기를 이용해 RNA 농도 측정 및 50ng/ul로 표준화 하였으며, 이를 10⁻⁵ 단계까지 희석하여 conventional RT-PCR 및 RPA 시스 템을 이용해 민감도를 측정함 (그림 5)
Total RNA를 약 50ng/ul으로 표준화하여 진행



<그림 5> RNA 희석에 따른 고추 감염 바이러스 검출 한계 분석

- conventional PCR에서는 CMV와 BBWV는 10⁻⁵ 까지, PepMoV와 TSWV는 10⁻⁴까지의 높은 검출 한계가 확인되었으나, PMMoV의 경우 10⁻² 까지 검정되어 낮은 검출 한계를 나타내었음 (그림 5)
 - RPA real-time detection kit의 민감도 테스트
 - 현장에서의 효율적인 진단을 위한 RNA 추출에 따른 특이도 테스트
 - 다양한 RNA 추출 기법을 이용하여 바이러스를 검정함

- 바이러스 시료는 고추 감염 바이러스가 감염된 식물로부터 leaf disc를 두 장으로 표준화 하 여 수행하였으며, 이를 각각 단순 접종 버퍼와 실험실 환경에서의 total RNA 추출 및 RNA 추출 키트를 활용한 방법을 활용해 5단계로 RNA 추출 방법을 나누었음 (그림 6)



<그림 6> 특이도 분석을 위한 RNA 추출 방법

- 모든 고추 감염 바이러스는 total RNA 추출 및 RNA 추출 키트를 활용한 conventional RT-PCR 에서 핵산이 검정되었으나, 단순 RNA extraction 버퍼 또는 PCI 정제 기법에서는 검정되지 않음

(표 5, 그림 7)

- CMV의 경우 모든 RNA 추출 방법에서 바이러스의 존재를 확인할 수 있었으며, PepMoV의 경우 단순 접종 버퍼를 이용해 마쇄하였을 때, 바이러스가 검정됨 (표 5, 그림 7)

표 5. RNA 추출 방법에 따른 고추 감염 바이러스 검정

	RNA extraction materials									
Virus	Phosphate buffer	RNA extraction buffer	PCI supernatant	PCI+EtOH precipitation	RNA extraction kit					
CMV	0	0	0	0	0					
PepMoV	0	Х	Х	Ο	0					
PMMoV	Х	Х	Х	Ο	0					
BBWV	Х	Х	Х	Ο	Ο					
TSWV	Х	Х	Х	0	0					



PB EB PCI TNA TNA-kit

PB, phosphate buffer; EB, RNA extraction buffer; PCI, PCI supernatant; TNA, Total RNA extraction using phenol and EtOH precipitation; TNA-kit; Total RNA extraction using plant RNA extraction kit

<그림 7> RNA 추출 방법에 따른 고추 감염 바이러스의 conventional RT-PCR 검정

■ 위탁연구기관-전남대 연구결과

- 1. 과수(사과, 배 등)바이러스 감염 식물로부터 진단을 위한 효율적인 핵산 추출 버퍼 확립
 국내 유통되고 있는 핵산 추출 kit 비교 분석
 - 바이러스 감염된 배, 사과, 복숭아에서 효율적인 진단을 위해 과수에서 최적의 핵산 추출 키트
 를 찾고자 시중에 판매되고 있는 6개의 total RNA 추출 키트를 비교함.
 - 비교한 키트 종류는 GeneAll, iNtRON, In VIRUS tech, MACHEREY-NAGEL, QIAGEN, Takara 사에서 판매되고 있는 RNA 추출 키트를 사용함. 추출 과정은 제조사에서 제공되는 설명서에 따라 수행함.
 - 배, 사과, 복숭아에서 각 각의 키트를 비교한 결과, 농도와 Quality, 비용 측면에서 최종적으로
 In VIRUS tech가 선택되었고 이 후 모든 실험에서 사용함.

,	Pear samples				4	hpp	le sa	amp	oles			Peach samples								
М	GeneAll	intron	In VIRUS tech	MACHEREY-NAGEL	QIAGEN	Takara	м	GeneAll	intron	In VIRUS tech	MACHEREY-NAGEL	QIAGEN	Takara	м	GeneAll	intron	In VIRUS tech	MACHEREY-NAGEL	QIAGEN	Takara
	111	11	II		11	I		1111		-		1111	I					-		-
	42.4 ng/ul	148.0 ng/ul	86.4 ng/ul	0.8 ng/ul	44.8 ng/ul	133.6 ng/ul		68.0 ng/ul	310.4 ng/ul	226.4 ng/ul	29.6 ng/ul	157.6 ng/ul	50.4 ng/ul		322.4 ng/ul	564.8 ng/ul	473.6 ng/ul	188.0 ng/ul	522.4 ng/ul	334.4 ng/ul
	<그림 1> 핵산 추출 키트 비교																			

○ Filter paper를 활용한 현장 핵산 추출 방법 확립

- Whatman No.1 Filter paper를 이용하여 5분 만에 식물 시료에서 핵산을 쉽게 얻을 수 있는 방 법을 확립하였고, 이를 통해 얻는 Filter paper-핵산을 사용하여 일반적인 RT-PCR과 현장진 단용 기술인 RT-RPA, RT-RPA-LFS에 적용함(자세한 방법은 별첨 1를 참고).
- 바이러스 감염된 사과 시료에서 핵산을 추출하고 RT-PCR를 수행한 결과, Multiplex RT-PCR임에도 ASPV, ASGV가 복합 감염된 것으로 확인됨(그림 2).
- 복숭아 시료에서 핵산을 추출하고 PLMVd를 RT-RPA 방법으로 검출한 결과, Positive sample에 서만 증폭됨(그림 3).
- TSWV가 감염된 고추시료에서 핵산을 추출하고 현장진단 용 RT-RPA-LFS를 사용한 결과, Positive sample에서만 증폭됨(그림 4).
- Whatman No.1 Filter paper 기술을 통해 현장에서 5분 만에 빠르고, 특별한 장비 없이 쉽게 핵산을 확보하는 기술을 확립하였고, RT-PCR과 RT-RPA, 현장진단 용 RT-RPA-LFS에서 적용이 가능하여 현장 진단에 유용하게 활용될 수 있음.



Filter paper를 활용한 현장 핵산 추출 및 식물바이러스 검출 실험 수행함. Whatman No.1 Filter paper를 이용하여 농업 현장에서 5분만에 식물 시료 핵산 추출 및 RT-RPA-LFS를 사용하여 바이 러스 진단함 (그림 5).



<그림 5> 추출버퍼를 활용한 RPA 이용 식물바이러스 현장 검출

2. 과수(사과, 배 등) 주요 바이러스 국내외 분리주 염기서열 확보 및 분석

 아주요 바이러스를 진단하기 위한 프라이머를 제작하기 위해 국내외 염기서열 확보
 배와 사과에서 문제가 되는 ASGV, ACLSV의 현장 진단 용 프라이머 및 프로브를 제작하기 위해 NCBI genbank에서 국내외 분리주를 90-100개 확보하였고, bioedit sequence alignment editor program를 사용하여 sequence alignment하여 보존된 영역을 확인함(그림 6,7).



3. 과수(사과, 배 등) 주요 바이러스 시료 확보

○ 과수 주요 바이러스를 진단하기 위한 바이러스 감염 시료 확보

- 배와 사과 시료에서 total RNA를 추출하고, ASGV, ACLSV 진단 프라이머를 사용하여 RT-PCR를 수행함.
- ASGV-714 bp 진단 프라이머와 ACLSV-509 bp 진단 프라이머를 통해 ASGV의 경우 26개의 감염시 료와 8개의 비감염 시료를 확보하였고(그림 8), ACLSV의 경우 9개의 감염시료와 3개의 비감 염 시료를 확보함(그림 9).



ASGV 714 bp



<그림 8> ASGV 감염 시료 확보



<그림 9> ACLSV 감염 시료 확보

- 4. 과수(사과, 배 등)바이러스 신속진단을 위한 RT-RPA 조건 확립
- 엘씨엠싸이언스회사에서 제작한 Primer로 확인하기 위해 받음.

5프 1 도 프 르 트	바이머 브 이름	염기서열 5'-3'	증폭 크기(bp)
	3775F	ATGAATGACTTTATTGGCATAGATGAACAA	
ACLSV	4042R	TTCTAAATCTTGTTATTGCCACCATTATGT	286
	3849P	AAGAAAGGGAATCACATAGAAGTAATTCTTGTTG	

표 1. ACLSV에 대한 exo RPA 프라이머 및 프로브 서열

- ACLSV 특이적 프라이머 및 프로브세트를 사용하여 exo RPA를 통해 증폭여부를 실험함. exo RT-RPA 반응은 Twist Exo kit (TwistDX) 제품을 사용하여 제품의 protocol을 따라 수행되었
 음. Incubation 조건은 39 ℃에서 30 초간 40 cycle로 진행하였음(그림 10).
- ☞ ACLSV 감염이 확인된 사과 시료와 NTC를 조건으로 exo RPA를 수행한 이후, 전기영동을 통해 gel을 확인해본 결과, P.C에서는 증폭산물로 보이는 Band가 확인되었지만, NTC조건 에선 확인되지 않음(그림 11).





<그림 11> ACLSV exo RPA product 전기영동

- 사과시료에서 ACLSV-509 bp 진단 프라이머를 통해 ACLSV 감염시료를 추가로 확보함(그 림 12).
- ACLSV 감염이 확인된 6개 시료(Apple 3-22, Apple 1-5, Apple 2-46, Apple 2-47, Apple 2-51, Apple 2-52)를 추가로 포함하여 exo RPA를 진행하였음. Incubation 조건은 39 ℃ 에서 1 분간 20 cycle로 진행하였음(그림 13).
- ☞ 감염시료에서 증폭이 확인되지 않음. NTC조건에서 비특이적인 증폭이 확인됨.



Table 2. ASGV에 대한 exo RPA 프라이머 및 프로브 서열

프프	라이머 브 이름	염기서열 5'-3'	증폭 크기(bp)		
	258F	CCAATATCCAAAATGATAGAAAATCATCTTTTGTA			
ASGV1	465R	CACCATACCTATATTTATCTTTCCCATCAATTATG	208		
	351P	GAAAATAAAGTTAATAGTTTTCTCAAGATGCATTC			
	264F	TCCAAAATGATAGAAAATCATCTTTTGTACATATG			
ASGV2	387R	TATTCCAAGTCTTCTATCTTCCTTTAAGTCAGTT	124		
	299P	CTGAATGCATCTTGAGAAAACTATTAACTTTATTT			

	5610F	TCTCAGCTAGAATTGAAAGATTTGGAAAAA	
ASGV3	6007R	GACAAGTCGATTCTCCAAATTTTTGTTTTT	398
	5825P	ATTTGGTAATATTGCTGTTTTCGGGTCATCTGATA	

- ASGV가 단독감염된 배시료와 ASGV, ACLSV가 복합감염된 사과시료를 3가지의 ASGV 특이적 프라이머 및 프로브세트를 사용하여 각각 exo RPA를 통해 증폭여부를 실험함.
 Incubation 조건은 39 ℃에서 1 분간 20 cycle로 진행하였음.
 - ☞ 3 개의 프라이머로 실험을 진행한 각각의 감염시료와 NTC조건 모두에서 증폭이 확인되 지 않음(그림 14, 그림 15, 그림 16).



ASGV 프라이머 중 정상적인 증폭곡선이 아닌 프라이머3을 제외한 ASGV 프라이머1과 프라이머2, ACLSV 프라이머를 ASGV와 ACLSV가 복합감염된 사과시료를 사용하여 exo RPA를 진행함. Incubation 조건은 39 ℃에서 30 초간 40 cycle로 진행하였음.
 ☞ 모든 조건의 시료에서 증폭이 확인되지 않음 (그림 17, 18, 19).



 - 이전의 실험들과 달리 시약조성에서 프로브 농도에 차이를 주어 시료를 비교하기 위해 ACLSV 감염시료와 ACLSV 프라이머 및 프로브를 사용하여 exo RPA를 수행함. Incubation 조건은 39 ℃에서 30 초간 40 cycle로 진행하였음. ☞ 제대로된 증폭이 확인되지 않음. NTC조건에서도 비 특이적인 증폭이 확인됨(그림 20).



[별첨 1]

▶ Filter paper를 통한 핵산 추출 방법

: "Nucleic acid purification from plants, animals and microbes in under 30 seconds" 논문의 protocol 대로 수행함.

* Extraction buffer: 800 mM guanidine hydrochloride, 50 mM Tris [pH 8], 0.5% Triton X100, 1% Tween-20

* wash buffer: 10 mM Tris [pH 8.0], 0.1% Tween-20

1. Whatman No.1 filter paper를 가로 세로 3mm로 잘라준다.

1. 액체질소로 갈아준 식물 조직 5-10 mg를 1.5 ml tube에 옮겨준다.

- 50 ul의 extraction buffer를 식물 조직이 있는 1.5 ml tube에 분주한 후, plastic pestle로 30초 동안 갈아준다.
- 1. 추출 버퍼에 갈아준 식물 조직에 filter paper disc를 넣고 상온에서 1분간 반응한다.
- 1. 새로운 tube에 200 ul의 wash buffer를 분주한다. (2번 반복이므로 2개를 준비)
- 1. 1분이 지난 filter paper disc를 tip를 사용하여 200 ul의 wash buffe에 옮기고 1분간 반응 한다. (2번 반복)
- 1. 2번의 wash 과정이 끝나면 filter paper disc를 현장 진단용 실험에 template 으로 사용하면 된다.

1. Ribgrass mosaic virus (RMV) - RPA probe 진단제 개발

■ 주관연구기관- ㈜ 엘씨엠싸이언스 연구결과

- Ribgrass 모자이크 바이러스(RMV)는 Tobamovirus의 한 종류입니다. 막대 모양의 입자를 가 진 RNA 함유 바이러스입니다. 그것은 많은 야생 식물 종에서 찾을 수 있습니다. 이 바이러스는 그 자체로 심각한 전염병을 일으키지는 않지만, 담배에서 괴사 바이러스 질병의 선동 병원체 역할을 했습니다 (https://en.wikipedia.org/wiki/Ribgrass_mosaic_virus).

		Pe	rcentag	ge	
	A	G	С	Т	U
Ribgrass mosaic virus	29.3	25.8	18.0	0.0	27.

Ribgrass mosaic virus.





<그림 1-1> GC content, Symptom, model of RMV.



<그림 1-2> Distribution of RMV in the world.

	AF185272.1	AM040971.1	AM040972.1	AM040975.1	AM040974.1	AM040964.1	AM040963.1	AM040961.1	AM040958.1	AM040959.1	AM040965.1	AM040960.1	U69271.1	AM040957.1	AM040970.1	AM040969.1	AM040966.1	HQ389330.1	AM040967.1
AF185272.1	$>\!$	98.9%	98.1%	98.5%	98.5%	98.5%	98.3%	85.0%	85.0%	84.4%	86.7%	86.3%	84.4%	83.5%	83.5%	84.0%	83.8%	83.3%	85.2%
AM040971.1	98.9%	$>\!\!<$	98.7%	99.2%	99.2%	99.2%	98.9%	84.8%	84.8%	84.2%	86.5%	86.1%	83.8%	82.9%	82.9%	83.3%	83.1%	83.1%	84.6%
AM040972.1	98.1%	98.7%	\geq	99.6%	99.6%	99.6%	99.4%	84.0%	84.0%	84.2%	85.7%	85.2%	83.3%	82.9%	82.9%	83.3%	83.1%	83.1%	84.2%
AM040975.1	98.5%	99.2%	99.6%	$>\!\!<$	100%	100%	99.8%	84.0%	84.0%	84.2%	85.7%	85.2%	83.3%	82.9%	82.9%	83.3%	83.1%	83.1%	84.6%
AM040974.1	98.5%	99.2%	99.6%	100%	\geq	100%	99.8%	84.0%	84.0%	84.2%	85.7%	85.2%	83.3%	82.9%	82.9%	83.3%	83.1%	83.1%	84.6%
AM040964.1	98.5%	99.2%	99.6%	100%	100%	$>\!$	99.8%	84.0%	84.0%	84.2%	85.7%	85.2%	83.3%	82.9%	82.9%	83.3%	83.1%	83.1%	84.6%
AM040963.1	98.3%	98.9%	99.4%	99.8%	99.8%	99.8%	$>\!$	84,0%	84.0%	84.2%	85.7%	85.2%	83.3%	82.9%	82.9%	83.3%	83.1%	83.1%	84.6%
AM040961.1	85.0%	84.8%	84.0%	84.0%	84.0%	84.0%	84.0%	$>\!\!<$	100%	99.4%	95.4%		89.0%	88.6%	88.4%	88.8%	89.2%	88.4%	89.0%
AM040958.1	85.0%	84,8%	84.0%	84.0%	84.0%	84.0%	84,0%	100%	$>\!$	99.4%	95.4%	94.5%	89.0%	88.6%	88,4%	88.8%	89.2%	88.4%	89.0%
AM040959.1	84.4%	84.2%	84.2%	84.2%	84.2%	84.2%	84.2%	99.4%	99.4%	$>\!\!\!<$		93.9%	88,4%	88.0%	87.8%	88.2%	88.6%	87.8%	88.4%
AM040965.1	86.7%	86.5%	85.7%	85.7%	85.7%	85.7%	85.7%	95.4%	95.4%	94.7%	\geq	99.2%	89.9%	89.0%	87.3%	87.8%	88.8%	88.8%	89.7%
AM040960.1	86.3%	86.1%	85.2%	85.2%	85.2%	85.2%	85.2%	94.5%	94.5%	93.9%	99.2%	$>\!$	89.0%	88.2%	86.5%	86.9%	88.4%	88.0%	88.8%
U69271.1	84,4%	83.8%	83.3%	83.3%	83.3%	83.3%	83,3%	89.0%	89.0%	88.4%	89.9%	89.0%	$>\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!$	98.7%	92.6%	93.2%	92.8%	93.2%	93.9%
AM040957.1	83.5%	82.9%	82.9%	82.9%	82.9%	82.9%	82.9%	88.6%	88.6%	88.0%	89.0%	88.2%	98.7%	\geq	93.5%		93.7%		94.7%
AM040970.1	83.5%	82.9%	82.9%	82.9%	82.9%	82.9%	82.9%	88.4%	88.4%	87.8%	87.3%	86.5%	92.6%	93.5%	$>\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!$	99.4%	94.5%		95.4%
AM040969.1	84.0%	83.3%	83.3%	83.3%	83.3%	83.3%	83.3%	88.8%	88.8%	88.2%	87.8%	86.9%	93.2%		99.4%	\geq		94.5%	95.8%
AM040966.1	83.8%	83.1%	83.1%	83.1%	83.1%	83.1%	83.1%	89,2%	89.2%	88.6%	88.8%	88.4%	92.8%	93.7%			$>\!$	93.9%	96.0%
HQ389330.1	83.3%	83.1%	83.1%	83.1%	83.1%	83.1%	83.1%	88.4%	88.4%	87.8%	88.8%	88.0%	93.2%				93.9%	$>\!$	96.8%
AM040967.1	85.2%	84.6%	84.2%	84.6%	84.6%	84.6%	84.6%	89.0%	89.0%	88.4%	89.7%	88.8%	93.9%	94.7%	95.4%	95.8%	96.0%	96.8%	$>\!$

1) RMV2-CP에 대한 유전자 분석 및 프라이머 프로브 디자인

<그림 1-3> Comparison the homology of RMV-CP genes.



<그림 1-4> Phylogenic tree of RMV-CP genes.



<그림 1-5> Region of primer and probe of RMV-CP genes.

1. RMV2-CP-134F:

5'-TTAGAXXXXAATTCTCAAACTTXXXXXGTGCGATT -3'

- 2. RMV2-CP-205P:
 - 5'- CAG XXX GAA XXX ACA XXX GGG TAC CGG GTG [FAM-dT] A [THF] G [BHQ1-dT] TAA XXX GGC XXX TAT -3' Spacer C
- 3. RMV2-CP-284R:
 - 5'- XXXATCCTATXXXTAGTATCAXXXXXCTTCATAAG -3'

<그림 1-6> Candidate of primer and probe set of RMV-CP genes.



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2.0 ul
20x B	1.0 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
RMV2-CP-134F	0.7 ul
RMV2-CP-284R	0.7 ul
RMV2-CP-205P 1pM	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul



<그림 1-7> Reaction composition of RPA and specificity of RMV2-CP primer and probe. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, DW; Distilled water (negative control).





<그림 1-8> Specificity of RMV2-CP primer and probe against the several genome of bacteria.

ATACTGTTAGACAGCAATTCTCAAACTTGTTGAGTGCGATTGT GACGXXXXXCAGCGGTTCCCAGAAACAGGGTXXXXXGTGT ATGTTAATTCGGCAGTTATAAAGCCGTTGTACGAGGCTCTTAT GAAGTCCTXXXXXAGAAATAGGATCATTGAGAC

<그림 1-9> Synthetic target gene of RMV2-CP primer set.



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2.0 ul
20x B	1.0 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
RMV2-CP-134F	0.7 ul
RMV2-CP-284R	0.7 ul
RMV2-CP-205P 1pM	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul



<그림 1-10> Sensitivity of RMV2-CP primer and probe (concentration).



<그림 1-11> Sensitivity of RMV2-CP primer and probe (copies/ul).

- RMV-CP 유전자 22건에 대한 유전자를 분석한 결과 3개의 sub type으로 나뉘었다 (그림 1-3, 4).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, coat protein gene의 중간부분
 에 여러개의 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 그중에서 하나의 프라이머 프로브 세트
 를 선정하여 인공합성하였다. 이 프라이머와 프로브 (Primer probe set; RMV2-CP-134F, RMV2-CP-284R, RMV2-CP-205P)의 특성을 평가하였다 (그림 1-5, 6).
- RPA Exo kit를 사용하여 7가지의 작물 관련 바이러스들 (SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus)과 교차반응을 조사한 결과, RMV에만 잘 반응하였다 (그림 1-7).
- 실험실 환경 혹은 실험자로부터 검출될 가능성이 높은 17종의 박테리아의 유전자와의 반
 응성을 확인해 본 결과, 단 한 개의 박테리아와도 반응하지 않았다 (그림 1-8).

- RMV2-CP primer probe set의 민감도를 측정하기 위하여 목표유전자를 인공합성하여 사용 하였다 (그림 1-9).
- 목표유전자를 10 ng부터 0.01 pg까지 10배 희석하여 Exo RT RPA 반응을 39℃에서 20분간
 T-8 UV Scanner에서 반응시킨 결과, 0.1 pg 까지 반응을 하였다 (그림 1-10).
- 목표유전자를 10⁶ 부터 10⁰ 까지 10배 희석하여 Exo RT RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8
 UV Scanner에서 반응시킨 결과, 100 copies/ul 까지 반응을 하였다 (그림 1-11).
- 이상의 결과로 RT-RPA RMV detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-12).
- 키트안에 제품 사용 설명서 첨부하였다 (그림 1-13).
- RMV ER-Detection Kit 완제품을 주관연구기관인 ㈜엘씨엠싸이언스의 홈페이지에 게재하 여 판매를 개시하였다 (2022. 09, 그림 1-14).



<그림 1-12> RMV ER Detection kit.

LCM Science Co., Ltd

LCM-RMV-ER-50

Ribgrass mosaic virus (RMV) ER-Detection Kit

Revision No.: LCM-RMV-ER-0001 Issue Date: Jul 24, 2022 User Manual For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.yuglobal.wayework.kr, nova3546@lcmscience.co.kr

161-10 Backto-ri Hyangnam-eup Hwaseong-si Gyeonggido South Korea.

Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 speegene@gmail.com

1. General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based fluorescence monitoring.

2. Storage conditions

The kit should be kept -20°C (Full activity is guaranteed for 6 months).

3. Application

The Ribgrass mosaic virus (RMV) ER-Detection kit contains specially designed e and primer set for amplification of segment RMV-CP gene to detect the RMV viral RNA from specimens.

4. Product Description

Ribgrass mosaic virus (RNV) is a species of Tobamovirus. It is an RNA-containing virus with rod-shape particles. It can be found in many wild plant species. This virus does not itself produce serious epidemic diseases, but it served as the inciting pathogen of a necrotic virus disease in burly tobacco.



< Distribution map of RMV >

The Ribgrass mosaic virus (RMV) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use system The torgans most with (CAT) Interfection and comman spectra reary-most system for the detection of the Rippras mosaic virus by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx Ltd). The master contains enzymes and reagents including specific probe and primer yets which is specially designed to amplifi the RMV-CP gene for the unique amplification of Ribgrass mosaic virus RNA within 15-20 min.

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent	CAP	Qty / 50 rxns		
1	RMV Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl		
2	RMV Probe	PRO 1 vial, 80 µl			
3	RMV Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl		
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl		
5	RMV Positive control	POS	1 vial, 50 µl		
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml		

6. Required Materials and Devices

Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner /CFX96 real time PCR/ ogical cabinet / Vortex mixer / Micropipets (0.5 – 1000 μl) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 µl) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Microcentrifuge / Biohazard waste container

7. Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

 Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits.

7.2. RPA reaction

	Reagent		8 mm
1	RMV Enzyme Master Mix	14.0 µl	112 µl
2	RMV Probe	1.5 µl	12.0 µl
3	RMV Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 µl	12.8 µl
5	RNA	1.0 µl	Χ μί
Total		20.0 µl	160.0 µl

50 rxn

* Use the reagents which are stored at -20°C after spin down briefly when ose are melted before use.

- * Be careful of contamination when you use the positive control for amplification.
- 1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents according to the table below.
- 2) Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down.
- 3) Aliquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.
- 4) Add positive and negative control (DW) to each PCR tube. * It is highly recommended that the mixture for negative control should
- be made separately to avoid cross contamination. 5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the bubble
- 6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min.
- 7) Set the program as below table.

Step.	No. of Cycle	Temperature	Duration
1	40	37-40°C	30 sec

- 8) Plate setup
 - Set the fluorophores with FAM.
 - Type the sample names in the each tube.
 - * Unknown: clinical sample * Negative control
 - * Positive control

8. Reading the Result



<Example of RMV RT-RPA reaction at T8 UV scanner>

Case	Positive control	Negative control	RMV RNA	Interpretation (Ct value)					
1	+		+	RMV Positive					
2	+	9	-	RMV Negative					
3	+	+	+/-						
4		+	+/-	Invalid result / retest					
5	5 -		+/-						

9. Warnings and Precaution

1) For research use only.

- 2) Carefully read this instruction before starting the procedure.
- 3) Clinical samples should be regarded as potentially infectious materials and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood.
- 4) Do not use the kit after its expiration date written on box. 5) Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may cause
- wrong test result. 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the
- tubes before use.
- 7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.
- 8) Use always sterile pipette tips with filters.
 9) Wear separate coats and gloves in each area.
- Collected test samples in sterile tubes.
 Test samples should be extracted immediately or frozen at -20°C to -80°C.



<그림 1-13> Insert of RMV ER Detection kit.



<그림 1-14> Contents of RMV ER Detection kit in LCM science homepage (www.lcmscience.co.kr). ■ RMV nfo detection kit - 공동연구기관 - 강원대 결과

- 1. RMV2-CP-134F: 5'-TTAGAXXXXAATTCTCAAACTTXXXXXGTGCGATT -3'
- 2. RMV2-CPnfo-205P: 5'- [FAM] CAG XXX TTC XXX GAA ACA XXX TAC CGG GTG T A [THF] G T TAA XXX GGC XXX TAT -3' Spacer C
- 3. RMV2-CPnfo-284R: 5'- [Biotin] ATGAXXXXATTTCTAXXXXCAAAGGACXXXXAAG -3'



<그림 1-15> RPA nfo primer probe set of RMV.

reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
RMV2-CPnfo-134F	0.7 ul
RMV2-CPnfo-284R	0.7 ul
RMV2-CPnfo-205P	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul

<그림 1-16> Reaction composition of RPA-LFD reaction and specificity of RMV2-CP primer and probe. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, DW; Distilled water (negative control).



<그림 1-17> Sensitivity of RMV2-CPnfo primer and probe (concentration).



<그림 1-18> Sensitivity of RMV2-CPnfo primer and probe (copies/ul).

										No	Bacteria	result
										1	Brevibacterium casei	Negative
										2	Micrococcus luteus	Negative
	B									3	Streptococcus pyogenes	Negative
reagent	volume	1	2	3	4	5	6	DW		4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
2x R Buffer	10 ul	0	•	(\bullet)	•	•	•			5	Serratia marcescens	Negative
100 mM dNTP	0.7 ц		1			-	-			6	Enterobacter aerogenes	Negative
	0.7 41	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C		7	Klebsiella oxytoca	Negative
10x B	2 ul	PC	PC	PC	PC	PC	PC	PC		8	Staphylococcus warneri	Negative
20x B	1 ul	R	집	R	[김]	곱	<u> </u>	집	-	9	Proteus mirabilis	Negative
50x B	0.4 ul	7	8	9	10	11	12	+	DW	10	Citrobacter freundii	Negative
PT	0.4 ul	•	(\circ)	(\circ)	(\bullet)	(\bullet)	(\bullet)	$ \bullet $		11	Enterococcus faecalis	Negative
	0.4 01			Ш.	T.	11		T.	ш.	12	Streptococcus agalactiae	Negative
RMV2-CPnto-134F	0.7 ul	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	120	2 C	13	Staphylococcus epidemidis	Negative
RMV2-CPnfo-284R	0.7 ul	PCRI	PCRI	PCRI	PCRE	PCRI	PCRI	PCRI	PCRE	14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
RMV2-CPnfo-205P	0.3 ul	13	<mark>14</mark>	15	16	17	+	DW	0	15	Propionibacterium acnes	Negative
MgOAc	1.6 ul	(()	•	•	•		•		16	Dermabacter homins	Negative
RNA	1.0 ul							-		17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
DW	1.2 ul	20	P C	20	°C T	20	2 C	20		18	Distilled water	Negative
Total	20 ul	CRD	CRD	CRD	CRD	CRD	PCRD	PCRD		Positive control	RMV2-CP - mRNA transcript	Positive

<그림 1-19> Specificity of RMV2-CP primer and probe against the several genome of bacteria.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT RMV2-CP primer & probe set를 응용하여 PCRD nucleic acid detector를 이용한 육안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe를 합성하였다 (그림 1-15).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분-20분간 반응시킨 후 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 그림 1-16과 같이 nfo primer probe는 RMV 바이러스만을 잘 검출하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.
- 목표유전자를 10 ng부터 0.01 pg까지 10배 희석하여 Exo RT nfo RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시키고 나서 10 ul 반응액을 PCRD nucleic acid detector에 넣고 extraction buffer를 흘려보내면서 결과를 관찰하였다. 그 결과 0.01 pg 까지 반응을 하였 다 (그림 1-17).
- 목표유전자를 10⁶ 부터 10⁰ 까지 10배 희석하여 Exo RT nfo RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8
 UV Scanner에서 반응시키고 나서 10 ul 반응액을 PCRD nucleic acid detector에 넣고 extraction buffer를 흘려보내면서 결과를 관찰하였다. 그 결과 10 copies/ul 까지 반응 을 하였다 (그림 1-18).
- 실험실 환경 혹은 실험자로부터 검출될 가능성이 높은 17종의 박테리아의 유전자와의 반응
 성을 확인해 본 결과, 단 한 개의 박테리아와도 반응하지 않았다 (그림 1-19).

■ RMV end point detection kit - 위탁연구기관 - 전남대 결과



<그림 1-20> RPA end point reaction with primer set of RMV according to the time.



Reagent	Volume
2x RB	10 ul
100mM dNTP	0.6 ul
10x E. Mix	2.0 ul
20x core Mix	1.0 ul
RMV2-CPnfo-134F	1.0 ul
RMV2-CPnfo-284R	1.0 ul
RT	0.5 ul
MgOAC	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.9 ul
Total	20 ul

Volume

10 ul

0.6 ul

2.0 ul

1.0 ul

1.0 ul

1.0 ul

0.5 ul

1.0 ul

1.0 ul

1.9 ul

20 ul

<그림 1-21> Limitation of detection of RPA end point reaction with primer set of RMV.



- <그림 1-22> Reaction composition of RPA end point reaction and specificity of RMV2-CP primer. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, DW; Distilled water (negative control).
- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT RMV primer & probe set를 응용하여 syber green I을 이 용한 end point detection kit를 제작하였다.
- RPA basic kit를 이용하여 nfo kit에 사용한 primer set로 master mix 만들고 각각의 핵산 샘플을 1 ul 넣고 39℃에서 반응시켰다.
- 시간별로 RPA반응을 관찰한 결과, 10분후 부터 양성반응을 보이기 시작하였다 (그림 1-20).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul까지 단계적 희석한 후 39℃에서 10분간 반응시키고 사이버그린으로 발색을 한 후 HARU-2000으로 FAM값 을 측정하였다. 그 결과 10⁵ copies/ul까지 검출이 되었다 (그림 1-21).
- 그림 1-22와 같이 nfo primer probe는 RMV 바이러스만을 잘 검출하였다.

○ 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.

2. Turnip mosaic virus (TuMV) - RPA probe 진단제 개발

■ 주관연구기관-엘씨엠싸이언스 ㈜ 연구결과

- 순무 모자이크 바이러스(TuMV)는 십자화과 식물 등에 질병을 일으키는 포티바이러스과의 포티바이러스입니다. 이 바이러스는 일반적으로 40~50종의 진딧물에 의해 지속적이지 않은 방 식으로 퍼집니다. 감염된 식물, 특히 자연 숙주는 백화성 국소 병변, 모자이크, 반점, 주름 또 는 주름과 같은 증상을 보입니다. TuMV는 포지티브 센스 단일 가닥 RNA 바이러스로, 평균 길이 가 720nm인 필라멘트 모양의 유연한 나선형 캡시드로 구성되어 있습니다. TuMV 게놈은 선형 및 단일 입자(단일 입자)입니다. 바이러스의 열 불활성화점(TIP)은 62℃이고 시험관 내 수명 (LIV)은 3~4일입니다 (https://en.wikipedia.org/wiki/Turnip_mosaic_virus).



<그림 1-23> Genetic map, Symptom, model of TuMV.

1) TuMV에 대한 유전자 분석 및 프라이머 프로브 디자인

	KM0941	MH4697	KF59512	MH4697	MH4697.	KJ93609	. KX67472	KX57948	KX57947_	KY11127	KY11127	KY11126	KX67473	KX67473	LC41350	LC41350.	KX61093	MH7351_	.KX67473	. MG2001	MG2001.	KX67472	MW017	AY13447	AF53005.	AF16956	LC41351	LC41350.	MH4697.	. KY19021	.KX61093
KM094174.2	$>\!\!\!<$	84.1%	83.9%	83.8%	83.9%	84.2%	85.1%	86.1%	85,5%	85.7%	85.8%	85.8%	85.7%	85.8%	85.8%	85.7%	85.8%	85.8%	85.8%	85.8%	85.8%	88.5%	84.6%	84.7%	84.7%	85.0%	84.5%	84.0%	81.1%	81.4%	81.9%
MH469725.1	84.1%	\geq	96.5%	96.4%	96.5%	86.5%	86.4%	84.2%	84.2%	84.3%	84.3%	84.2%	84.2%	84.2%	84.3%	84.3%	84.3%	84.3%	84.3%	84.3%	84.3%	85.6%	88.2%	87.9%	88.4%	89.0%	86.5%	87.1%	80.9%	80.9%	82.7%
KF595121.1	83.9%	96.5%	\geq	99.4%	99.6%	86.4%	86.3%	84.0%	83.9%	84.2%	84.2%	84.1%	84.0%	84.0%	84.2%	84.1%	84.1%	84.2%	84.1%	84.1%	84.1%	85.6%	87.7%	87.9%	88.2%	88.9%	86.6%	87.0%	80.9%	81.0%	82.8%
MH469727.1	83.8%	96.4%	99.4%	$>\!$	99.6%	86.4%	86.3%	84.1%	84.0%	84.2%	84.2%	84.0%	84.0%	84.0%	84.1%	84.1%	84.1%	84.1%	84.1%	84.1%	84.1%	85.6%	87.9%	87.9%	88.2%	88.9%	86.4%	86.9%	81.0%	81.0%	82.7%
MH469726.1	83.9%	96.5%	99.6%	99.6%	$>\!$	86.5%	86.4%	84.1%	84.0%	84.1%	84.1%	84.0%	83.9%	84.0%	84.1%	84.1%	84.1%	84.1%	84.1%	84.1%	84.1%	85.7%	88.0%	88.0%	88.2%	89.0%	86.6%	87.0%	81.0%	81.1%	82.8%
KJ936091.1	84.2%	86.5%	86.4%	86.4%	86.5%	$>\!$	86.7%	83.3%	83.4%	83.6%	83.6%	83.6%	83.5%	83.5%	83.6%	83.5%	83.6%	83.7%	83.6%	83.7%	83.7%	86.8%	90.0%	89.9%	89.9%	91.1%	88.0%	89.0%	82.8%	84.2%	85.2%
KX674728.1	85.1%	86.4%	86.3%	86.3%	86.4%	86.7%	$>\!$	87.9%	87.7%	87.8%	87.9%	88.0%	87.8%	87.8%	88.0%	87,9%	88.1%	88.0%	88.0%	88.0%	88.0%	88.7%	87.7%	87.9%	87.9%	88.1%	91.2%	88.8%	81.0%	81.0%	82.6%
KX579486.1	86.1%	84.2%	84.0%	84.1%	84.1%	83.3%	87.9%	$>\!\!<$	97.4%	97.2%	97.2%	97.3%	97.3%	97.3%	97.4%	97.3%	97.6%	97.4%	97.5%	97.5%	97.5%	89.4%	83.8%	83.9%	83.7%	84.0%	91.8%	86.3%	81.9%	81.1%	81.7%
KX579479.1	85.5%	84.2%	83.9%	84.0%	84.0%	83.4%	87.7%	97.4%	\geq	98.5%	98.5%	98.6%	98.6%	98.6%	98.6%	98.5%	98.8%	98.7%	98.8%	98.8%	98.8%	89.8%	83.8%	84.1%	83.8%	84.1%	91.9%	86,4%	81.5%	80.9%	81.3%
KY111274.1	85.7%	84.3%	84.2%	84.2%	84.1%	83.6%	87.8%	97.2%	98.5%	\geq	99.9%	98.8%	98.8%	98.9%	98.9%	98.8%	98.9%	98.9%	99.0%	99.0%	99.0%	90.1%	84.0%	84.4%	84.0%	84.4%	92.2%	86.8%	81.6%	81.2%	81.5%
KY111271.1	85.8%	84.3%	84.2%	84.2%	84.1%	83.6%	87.9%	97.2%	98.5%	99.9%	\geq	98.9%	98.9%	98.9%	98.9%	98.8%	99.0%	98.9%	99.0%	99.0%	99.0%	90.1%	84.0%	84.4%	84.0%	84.4%	92.2%	86,8%	81.6%	81.2%	81.6%
KY111268.1	85.8%	84.2%	84.1%	84.0%	84.0%	83.6%	88.0%	97.3%	98.6%	98.8%	98.9%	\geq	98.9%	99.0%	99.0%	99.0%	99.1%	99.1%	99.1%	99.1%	99.1%	90.2%	83.9%	84.3%	84.0%	84.3%	92.3%	86.8%	81.7%	81.2%	81.6%
KX674734.2	85.7%	84.2%	84.0%	84.0%	83.9%	83.5%	87.8%	97.3%	98.6%	98.8%	98.9%	98.9%	$>\!$	99.9%	99.0%	98,9%	99.0%	99.0%	99.1%	99.1%	99.1%	90.1%	83.8%	84.2%	83.9%	84.2%	92.2%	86.7%	81.6%	81.1%	81.5%
KX674733.1	85.8%	84.2%	84.0%	84.0%	84.0%	83.5%	87.8%	97.3%	98.6%	98.9%	98.9%	99.0%	99.9%	$>\!$	99.0%	98.9%	99.1%	99.1%	99.2%	99.2%	99.2%	90.1%	83.8%	84.2%	83.9%	84.3%	92.2%	86.7%	81.7%	81.2%	81.5%
LC413508.1	85.8%	84.3%	84.2%	84.1%	84.1%	83.6%	88.0%	97.4%	98.6%	98.9%	98.9%	99.0%	99.0%	99.0%	$>\!$	99.8%	99.2%	99.1%	99.2%	99.2%	99.2%	90.1%	84.0%	84.3%	84.0%	84.3%	92.7%	87.1%	81.7%	81.2%	81.6%
LC413507.1	85.7%	84.3%	84.1%	84.1%	84.1%	83.5%	87.9%	97.3%	98.5%	98.8%	98.8%	99.0%	98.9%	98.9%	99.8%	\geq	99.1%	99.0%	99.1%	99.1%	99.1%	90.0%	84.0%	84.3%	84.0%	84.3%	92.7%	87.0%	81.7%	81.1%	81.6%
KX610932.1	85.8%	84.3%	84.1%	84.1%	84.1%	83.6%	88.1%	97.6%	98.8%	98.9%	99.0%	99.1%	99.0%	99,1%	99.2%	99,1%	$>\!$	99.1%	99.2%	99.2%	99.2%	90.0%	84.1%	84.3%	84.0%	84.3%	92.4%	86,8%	81.7%	81.2%	81.7%
MH735114.1	85.8%	84.3%	84.2%	84.1%	84.1%	83.7%	88.0%	97.4%	98.7%	98.9%	98.9%	99.1%	99.0%	99.1%	99.1%	99.0%	99.1%	$>\!$	99.2%	99.2%	99.2%	90.2%	84.0%	84.3%	84.0%	84.3%	92.3%	86.9%	81.8%	81.2%	81.6%
KX674730.1	85.8%	84.3%	84.1%	84.1%	84.1%	83.6%	88.0%	97.5%	98.8%	99.0%	99.0%	99.1%	99.1%	99.2%	99.2%	99.1%	99.2%	99.2%	\geq	99.3%	99.3%	90.2%	84.0%	84.3%	84.0%	84.3%	92.3%	86.9%	81.7%	81.2%	81.6%
MG200170.1	85.8%	84.3%	84.1%	84.1%	84.1%	83.7%	88.0%	97.5%	98.8%	99.0%	99.0%	99.1%	99.1%	99.2%	99.2%	99.1%	99.2%	99.2%	99.3%	\geq	99.9%	90.2%	84.0%	84.3%	84.0%	84.4%	92.4%	86.9%	81.7%	81.2%	81.7%
MG200169.1	85.8%	84.3%	84.1%	84.1%	84.1%	83.7%	88.0%	97.5%	98.8%	99.0%	99.0%	99.1%	99.1%	99.2%	99.2%	99.1%	99.2%	99.2%	99.3%	99.9%	\geq	90.2%	84.0%	84.3%	84.1%	84.4%	92.4%	86.9%	81.7%	81.3%	81.7%
KX674726.1	88.5%	85.6%	85.6%	85.6%	85.7%	86.8%	88.7%	89.4%	89.8%	90.1%	90.1%	90.2%	90.1%	90.1%	90.1%	90.0%	90.0%	90.2%	90.2%	90.2%	90.2%	$>\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!$	87.5%	87.5%	87.3%	87.9%	91.9%	90.3%	81.3%	81.0%	82.1%
MW017473.1	84.6%	88.2%	87.7%	87.9%	88.0%	90.0%	87.7%	83.8%	83.8%	84.0%	84.0%	83.9%	83.8%	83.8%	84.0%	84.0%	84.1%	84.0%	84.0%	84.0%	84.0%	87.5%	> <	94.3%	94,2%	95.3%	89.2%	92.7%	80.8%	80.8%	82.6%
AY134473.2	84.7%	87.9%	87.9%	87.9%	88.0%	89.9%	87.9%	83.9%	84.1%	84.4%	84.4%	84.3%	84.2%	84.2%	84.3%	84.3%	84.3%	84.3%	84.3%	84.3%	84.3%	87.5%		\geq	94.9%	95.5%	89.4%	92.3%	80.9%	81.1%	82.7%
AF530055.2	84.7%	88,4%	88.2%	88,2%	88.2%	89.9%	87.9%	83.7%	83.8%	84.0%	84.0%	84.0%	83.9%	83.9%	84.0%	84.0%	84.0%	84.0%	84.0%	84.0%	84.1%	87.3%		94.9%	\geq	95.9%	88.9%	91.9%	80.8%	81.3%	82.7%
AF169561.2	85.0%	89.0%	88.9%	88.9%	89.0%	91.1%	88.1%	84.0%	84.1%	84.4%	84.4%	84.3%	84.2%	84.3%	84.3%	84.3%	84.3%	84.3%	84.3%	84.4%	84.4%	87.9%		95.5%	95.9%	\geq	89.4%	92.9%	80.8%	81.0%	83.1%
LC413510.1	84.5%	86.5%	86.6%	86.4%	86.6%	88.0%	91.2%	91.8%	91.9%	92.2%	92.2%	92.3%	92.2%	92.2%	92.7%	92.7%	92.4%	92.3%	92.3N	92.4%	92.4%	91.9%	89.2%	89.4%	88.9%	89.4%	$>\!$	93.5%	81.3%	80.7%	82.8%
LC413509.1	84.0%	87.1%	87.0%	86.9%	87.0%	89.0%	88.8%	86.3%	86.4%	86.8%	86.8%	86.8%	86.7%	86.7%	87.1%	87.0%	86.8%	86.9%	86.9%	86.9%	86.9%	90.3%	92.7%	92.3%	91.9%	92.9%		$>\!\!\!\!>\!\!\!\!>$	80.7%	80.4%	82.4%
MH469724.1	81.1%	80.9%	80.9%	81.0%	81.0%	82.8%	81.0%	81.9%	81.5%	81.6%	81.6%	81.7%	81.6%	81.7%	81.7%	81.7%	81.7%	81.8%	81.7%	81.7%	81.7%	81.3%	80.8%	80.9%	80.8%	80.8%	81.3%	80.7%	$>\!$	83.8%	83.7%
KY190216.1	81.4%	80.9%	81.0%	81.0%	81.1%	84.2%	81.0%	81.1%	80.9%	81.2%	81.2%	81.2%	81.1%	81.2%	81.2%	81.1%	81.2%	81.2%	81.2%	81.2%	81.3%	81.0%	80.8%	81.1%	81.3%	81.0%	80.7%	80.4%	83.8%	$>\!$	86.7%
KX610931.1	81.9%	82.7%	82.8%	82.7%	82.8%	85.2%	82.6%	81.7%	81.3%	81.5%	81.6%	81.6%	81.5%	81.5%	81.6%	81.6%	81.7%	81.6%	81.6%	81.7%	81.7%	82.1%	82.6%	82.7%	82.7%	83.1%	82.8%	82.4%	83.7%	86.7%	$>\!\!<$

<그림 1-24> Comparison the homology of TuMV genes.



<그림 1-25> Phylogenic tree of TuMV genes.

	1	1,000	2,000	3,000	4,000	5,000	6,000	7,000	8,000	9,000	9,859
				1.14							
										4	(IN)
Consensus						antiny a to to					-
Identity		~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~									
1. KM094174.2	1.1.1.1		1 1								
2. MH469725.1			11					11 1			
3. KF595121.1					1						
4. MH469727.1	11 11			1							
5. MH469726.1											
6. KJ936091.1											
7. KX674728.1											
8. KX579486.1											
9. KX5/94/9.1											
10. KY111274.1											
11. KY1112/1.1											
12. KY111268.1											
13. KX674734.2											
14. KX6/4/33.1											
15. LC413508.1	0.04.0										
16. LC413507.1	1.5										
17. KX610932.1											
18. MH735114.1											
19. KX674730.1		1 1111									
20. MG200170.1	L										
21. MG200169.1											
22. KX6/4/26.1											
23. MW017473.1				1 10							
24. AY134473.2	<u> </u>				10						
25. AF530055.2	1 11										
26. AF169561.2											
27. LC413510.1											
28. LC413509.1											
29. IVIH409724.1		10.0									
30. KY190216.1					· · ·						
31. KX610931.1					1 11			1 11			

<그림 1-26> Region of primer and probe of TuMV genes.

1. TuMV2-9,622 F:

5'- ATGAXXXXGTATGCTAXXXXXXTATAAGTAGTTAA -3'

- 2. TuMV2- 9,670 P:
 - 5'- TTA XXX GTT AGT XXX CTC GCT XXX GGG AAA [FAM-dT] A [THF] G [BHQ1-dT] AAG XXX GTT AAA XXX -3' Spacer C
- 3. TuMV2- 9,770 R:

5'- AATAXXXXXTCGGCGAAAAXXXXXAAGTAACAA -3'

<그림 1-27> Candidate of primer and probe set of TuMV genes.



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
TuMV2-9,622 F	0.7 ul
TuMV2- 9,770 R	0.7 ul
TuMV2- 9,670 P(0.5 pM)	0.2 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.3 ul
Total	20 ul

Time (Second)



<그림 1-28> Reaction composition of RPA and specificity of TuMV primer and probe. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, DW; Distilled water (negative control).

reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
TuMV2-9,622 F	0.7 ul
TuMV2- 9,770 R	0.7 ul
TuMV2- 9,670 P (0.5 pM)	0.2 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.3 ul
Total	20 ul

No	Bacteria	result
1	Brevibacterium casei	Negative
2	Micrococcus luteus	Negative
3	Streptococcus pyogenes	Negative
4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
5	Serratia marcescens	Negative
6	Enterobacter aerogenes	Negative
7	Klebsiella oxytoca	Negative
8	Staphylococcus warneri	Negative
9	Proteus mirabilis	Negative
10	Citrobacter freundii	Negative
11	Enterococcus faecalis	Negative
12	Streptococcus agalactiae	Negative
13	Staphylococcus epidemidis	Negative
14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
15	Propionibacterium acnes	Negative
16	Dermabacter homins	Negative
17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
18	Distilled water	Negative
Positive control	TuMV - mRNA transcript	Positive





<그림 1-29> Specificity of TuMV primer and probe against the several genome of bacteria.

GTTATGAAGTXXXXXXCTAGTAGACTATAAGXXXXTAAGTTTA CTCGTTAGTATTCTCGCTTATGGGAAATATGTXXXXTTGTTAAA GCAGCCAGXXXXXXXXXCGTCATGTGTGTTGTTGTTACTTTC TATATTTTCGCCGAACATTXXXXG

<그림 1-30> Synthetic target gene of TuMV primer set.



	a contraction of the
reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
TuMV2-9,622 F	0.7 ul
TuMV2- 9,770 R	0.7 ul
TuMV2- 9,670 P 0.5 pM	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul



<그림 1-31> Sensitivity of TuMV primer and probe (concentration).



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
TuMV2-9,622 F	0.7 ul
TuMV2- 9,770 R	0.7 ul
TuMV2- 9,670 P 0.5 pM	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul





<그림 1-32> Sensitivity of TuMV primer and probe (copies/ul).

- TuMV 유전자 31건에 대한 유전자를 분석한 결과 3개의 sub type으로 나뉘었다 (그림 1-24, 25).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, TuMV gene의 중간부분과 말단부 위에서 여러개의 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 말단부위에서 하나의 프라이머 프로 브 세트 (빨간 점선 박스)를 선정하여 인공합성하였다. 이 프라이머와 프로브 (Primer probe set; TuMV-9622F, TuMV2-9670P, TuMV-9770R)의 특성을 평가하였다 (그림 1-26, 27).
- RPA Exo kit를 사용하여 6가지의 작물 관련 바이러스들 (SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus)과 교차반응을 조사한 결과, TuMV에만 잘 반응하였다 (그림 1-28).
- 실험실 환경 혹은 실험자로부터 검출될 가능성이 높은 17종의 박테리아의 유전자와의 반

응성을 확인해 본 결과, 단 한 개의 박테리아와도 반응하지 않았다 (그림 1-29).

- TuMV primer probe set의 민감도를 측정하기 위하여 목표유전자를 인공합성하여 사용하였 다 (그림 1-30).
- 목표유전자를 10 ng부터 0.01 pg까지 10배 희석하여 Exo RT RPA 반응을 39℃에서 20분간
 T-8 UV Scanner에서 반응시킨 결과, 0.01 pg까지 반응을 하였다 (그림 1-31).
- 목표유전자를 10⁶ 부터 10⁰ 까지 10배 희석하여 Exo RT RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8
 UV Scanner에서 반응시킨 결과, 10 copies/ul 까지 반응을 하였다 (그림 1-32).
- 이상의 결과로 RT-RPA TuMV detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-33).
- 키트안에 제품 사용 설명서 첨부하였다 (그림 1-34).
- TuMV ER-Detection Kit 완제품을 주관연구기관인 ㈜엘씨엠싸이언스의 홈페이지에 게재하 여 판매를 개시하였다 (2022. 09, 그림 1-35).



<그림 1-33> TuMV ER Detection kit.

LCM Science Co., Ltd

LCM-TuMV-ER-50

Turnip mosaic virus (TuMV) ER-Detection Kit

Revision No : LCM-TuMV-ER-0001 Issue Date: Jul 24, 2022 User Manual For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.yuglobal.wavework.kr, nova3546@lemscience.co.kr

161-10 Baekto-ri Hyangnam-eup Hwaseong-si Gyeonggido South Korea. Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 speegene@gmail.com

1 General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based fluorescence monitoring.

2. Storage conditions

The kit should be kept -20°C (Full activity is guaranteed for 6 months).

3. Application

The Turnin mosaic virus (TuMV) ER-Detection kit contains specially designed probe and primer set for amplification of TuMV gene to detect the TuMV viral **RNA** from specimens.

4. Product Description

Turnip mosaic virus (TuMV) is a **Potyvirus** of the family **Potyviridae** that causes disea in cruciferous plants, among others. The virus is usually spread by 40-50 species of aphids in a non-persistent manner. Infected plants, especially the natural hosts, show symptoms such as chlorotic local lesions, mosaic, mottling, puckering or rugosity. TuMV is a positive-sense single stranded RNA virus, consisting of a non-enveloped, helical cansid that is filamentous and flexuous, with an average length of 720 nm. The TuMV genome is linear and monopartite (single particle). The virus has a thermal inactivation point (TIP) of 62 °C, and longevity in vitro (LIV) of 3-4 days.

The Turnip mosaic virus (TuMV) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use system for the detection of the Turnip mosaic virus by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx Ltd). The master contains enzymes and reagents including specific probe and primer sets which is specially designed to amplify the TuMV gene for the unique amplification of Turnip mosaic virus RNA within 15-20 min.

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent	CAP	Qty / 50 rxns
1	TuMV Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl
2	TuMV Probe	PRO	1 vial, 80 µl
3	TuMV Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl
5	TuMV Positive control	POS	1 vial, 50 µl
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml

6. Required Materials and Devices

Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner /CFX96 real time PCR/ Biological cabinet / Vortex mixer / Micropipets (0.5 – 1000 μl) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 μl) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Microcentrifuge / Biohazard waste container

7. Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

 Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits.

7.2. RPA reaction

No	Reagent	1 rxn	8 rxn 112 µl	
1	TuMV Enzyme Master Mix	14.0 µl		
2	TuMV Probe	1.5 µl	12.0 µl	
3	TuMV Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl	
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 µl	12.8 µl	
5 RNA		1.0 µl	X µl	
Total	-	20.0 µl	160.0 µ	

50 rxn

* Use the reagents which are stored at -20°C after spin down briefly when

- those are melted before use. Be careful of contamination when you use the positive control for amplification.
- 1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents according to the table below.
- Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down.
 Aliquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.
- 4) Add positive and negative control (DW) to each PCR tube.
- * It is highly recommended that the mixture for negative control should be made separately to avoid cross contamination
- 5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the bubble.
- 6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min.

7) Set the program as below table.

Step	No. of Cycle	Temperature	Duration
1	40	37-40°C	30 sec

- 8) Plate setup
 - Set the fluorophores with FAM. Type the sample names in the each tube.
 - Unknown: clinical sample

 - * Negative control * Positive control

8. Reading the Result



<Example of TuMV RT-RPA reaction at T8 UV scanner>

Case	Positive control	Negative control	TuMV RNA	Interpretation (Ct value)	
1	+		+	TuMV Positive	
2	+			TuMV Negative	
3	+	+	+/-	Invalid result / retest	
4		+	+/-		
5		× .	+/-		

9. Warnings and Precaution

1) For research use only

- 2) Carefully read this instruction before starting the procedure.
- 3) Clinical samples should be regarded as potentially infectious materials and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood.
 4) Do not use the kit after its expiration date written on box.
- Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may cause wrong test result.
- 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the tubes before use.
- 7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.

- 8) Use always sterile pipette tips with filters.
 9) Wear separate coats and gloves in each area.
 10) Collected test samples in sterile tubes.
 11) Test samples should be extracted immediately or frozen at -20°C to -80°C.



<그림 1-34> Insert of TuMV ER Detection kit.



<그림 1-35> Contents of TuMV ER Detection kit in LCM science homepage (www.lcmscience.co.kr).
■ TuMV nfo detection kit - 공동연구기관 - 강원대 결과

- 1. TuMV2nfo-9,622 F: 5'- ATG XXX TTG TAT XXX AGT AGA XXX TAA GTA XXX AA -3'
- 2. TuMV2nfo- 9,670 P: 5'- [FAM] TTA XXX GTT XXX ATT CTC GCT TAT XXX AAA TA [THF] GT AAG TTT GTT XXX GCA – C3 Spacer
- 3. TuMV2nfo- 9,770 R: 5'- [Biotin] AAT XXX ATG TTC GGC XXX AAT ATA GAA XXX AAC AA -3'

<그림 1-36> RPA nfo primer probe set of TuMV.



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
TuMV2nfo-9662F	0.8 ul
TuMV2nfo-9770R	0.8 ul
TuMV2nfo2-9670P	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.0 ul
Total	20 ul

<그림 1-37> Reaction composition of RPA-LFD reaction and specificity of TuMV primer and probe. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, DW; Distilled water (negative control).

10 ng	1 ng	0.1 ng	0.01 ng	1 pg	0.1 pg	0.01 pg	DW
• 12 c PCRD	• 12 c PCRD	12 c PCRD	• 12 C PCRD	• 12 C PCRD	• 12 C PCRD		12 C PCRD
+	+	+	+	1-	-	-	-

Primer free R buffer	29.5 ul
TuMV2nfo-9662F	2.1 ul
TuMV2nfo-9770R	2.1 ul
TuMV2nfo2-9670P	0.5 ul
RT	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	11.3 ul
MgOAc	2.5 ul
Total	50 ul

<그림 1-38> Sensitivity of TuMVnfo primer and probe (concentration).



<그림 1-39> Sensitivity of TuMVnfo primer and probe (copies/ul).

		_							No	Bacteria	result
reagent	volume	1	2	3	4	5	6 DW		1	Brevibacterium casei	Negative
2x R Buffer	10 ul	0	0	0					2	Micrococcus luteus	Negative
100 mM dNTP	0.7 ul	-	-						3	Streptococcus pyogenes	Negative
10v B	2 11	12 C	12 C		4	Streptococcus mitis/oralis	Negative				
TOX D	2 01	PCF	PC	PC	PC	PC	PC		5	Serratia marcescens	Negative
20x B	1 ul	20	R	8	8	R	R R		6	Enterobacter aerogenes	Negative
50x B	0.4 ul	7	8	9 -	10 1	11 1	12 + [DW	7	Klebsiella oxytoca	Negative
RT	0.4 ul							6	8	Staphylococcus warneri	Negative
TuNAV/2nfa OCC2E	0.0.11		C		21	9			9	Proteus mirabilis	Negative
101V1V2110-9002F	0.6 UI	120	120	120	120	12 0	120	120	10	Citrobacter freundii	Negative
TuMV2nfo-9770R	0.8 ul	PC	PO	PC	PO	PC	T PC	PC	11	Enterococcus faecalis	Negative
TuMV2nfo2-9670P	0.3 ul	RD	RD	CRD	RD	RD	RD	RD	12	Streptococcus agalactiae	Negative
MgOAc	1.6 ul	13	14	15	16	17	+ +	DW	13	Staphylococcus epidemidis	Negative
RNA	1.0 ul						66	6	14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
DW	1.0 ul		12	1º	C	C			15	Propionibacterium acnes	Negative
Total	20 11		120	12 0	12 C	12 C	120	12 0	16	Dermabacter homins	Negative
Iotal	20 ui	PCRE			17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative				
									18	Distilled water	Negative
									Positive control	TuMV - mRNA transcript	Positive

<그림 1-40> Specificity of TuMV primer and probe against the several genome of bacteria.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT TuMV primer & probe set를 응용하여 PCRD nucleic acid detector를 이용한 육안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe를 합성하였다 (그림 1-36).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분-20분간 반응시킨 후 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 그림 1-37과 같이 nfo primer probe는 TuMV 바이러스만을 잘 검출하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.
- 목표유전자를 10 ng부터 0.01 pg까지 10배 희석하여 Exo RT nfo RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시키고 나서 10 ul 반응액을 PCRD nucleic acid detector에 넣고 extraction buffer를 흘려보내면서 결과를 관찰하였다. 그 결과 0.01 ng 까지 반응을 하였 다 (그림 1-38).
- 목표유전자를 10⁸ 부터 10⁰ 까지 10배 희석하여 Exo RT nfo RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8
 UV Scanner에서 반응시키고 나서 10 ul 반응액을 PCRD nucleic acid detector에 넣고 extraction buffer를 흘려보내면서 결과를 관찰하였다. 그 결과 10,000 copies/ul 까지 반응을 하였다 (그림 1-39).
- 실험실 환경 혹은 실험자로부터 검출될 가능성이 높은 17종의 박테리아의 유전자와의 반응
 성을 확인해 본 결과, 단 한 개의 박테리아와도 반응하지 않았다 (그림 1-40).

■ TuMV end point detection kit - 위탁연구기관 - 전남대 결과



Reagent	Volume
2x RB	10 ul
100mM dNTP	0.6 ul
10x E. Mix	2.0 ul
20x core Mix	1.0 ul
TuMV2nfo-9662F	0.7 ul
TuMV2nfo-9770R	0.7 ul
RT	0.5 ul
MgOAC	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.5 ul
Total	20 ul

<그림 1-41> RPA end point reaction with primer set of TuMV according to the time.



<그림 1-42> Limitation of detection of RPA end point reaction with primer set of TuMV.



VIIUSSYMMV
(7/15/22)G6/3/22)(4/15/22)SYMMV
(7/15/22)(9/13/22)(5/25/22)DW2.5 ulFAM487650455431432531419486478639452432431529407477<<tr>CIEI 1-43> Reaction composition of RPA end point reaction and specificity of TuMV primer.SMV; Soybean mosaic virus, TuMV; Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV;Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber

Volume

10 ul

0.6 ul

2.0 ul

1.0 ul

0.7 ul

0.7 ul

0.5 ul

1.0 ul

1.0 ul

- mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, DW; Distilled water (negative control).
- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT TuMV primer & probe set를 응용하여 syber green I을 이용한 end point detection kit를 제작하였다.
- RPA basic kit를 이용하여 nfo kit에 사용한 primer set로 master mix 만들고 각각의 핵산 샘플을 1 ul 넣고 39℃에서 반응시켰다.
- 시간별로 RPA반응을 관찰한 결과, 5분후 부터 양성반응을 보이기 시작하였다 (그림 1-41).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁸-10⁰ copies/ul까지 단계적 희석한 후 39℃에서 13분간 반응시키고 사이버그린으로 발색을 한 후 HARU-2000으로 FAM값 을 측정하였다. 그 결과 10⁵ copies/ul까지 검출이 되었다 (그림 1-42).
- 그림 1-43와 같이 nfo primer probe는 TuMV 바이러스만을 잘 검출하였다.

○ 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.

3. Turnip yellow mosaic virus (TYMV) - RPA probe 진단제 개발

- 주관연구기관-엘씨엠싸이언스 ㈜ 연구결과
- 순무 황색 모자이크 바이러스(TYMV)는 Tymoviridae 계통의 등척성 Tymovirus입니다. 숙주 범위 는 양배추, 콜리플라워 및 브로콜리를 포함하는 서부 유럽의 브라시카 속의 식물에 거의 전적 으로 국한됩니다. 감염은 식물 조직의 정맥 청소 및 탈피를 나타내는 밝은 노란색 모자이크 질 병을 유발합니다. 수액뿐만 아니라 많은 곤충 매개체에 의해 전염됩니다. 이들 중 가장 눈에 띄는 것은 벼룩 딱정벌레의 필로트레타(Phyllotreta) 및 실리오데스(Psylliodes) 속이지만, 파에돈 달팽이관(Phaedon cochleariae)과 그 유충도 이 바이러스를 퍼뜨리는 데 도움이 되는 것으로 알려져 있습니다. 유충은 번데기 단계에 도달하면 질병을 전염시키는 능력을 상실하여 기계적 감염 과정을 암시합니다 (<u>https://en.wikipedia.org/wiki/Turnip_yellow_mosaic_virus</u>).



<u><그림 1-44> Genetic map. symptom. model of TYMV.</u>

	KP995420.1	KP995419.1	KP995414.1	KP995418.1	KP995416.1	KP995417.1	KP995415.1	X16378.1	X07441.1	NC_004063.1	J04373.1	AF035403.1	KJ690173.1	KP883302.1	KP883301.1
KP995420.1	$>\!$	99.7%	99.7%	98.8%	98.8%	98.9%	99.0%	93.5%	93.5%	93.5%	92.7%	92.7%	92.2%	92.3%	92.4%
KP995419.1	99.7%	$>\!$	99.7%	98.8%	98.8%	98.9%	99.0%	93.5%	93.5%	93.5%	92.7%	92.7%	92.2%	92.2%	92.4%
KP995414.1	99.7%	99.7%	$>\!$	98.9%	98.9%	99.0%	99,1%	93.6%	93.5%	93.5%	92.8%	92.8%	92.2%	92.3%	92.4%
KP995418.1	98.8%	98.8%	98.9%	$>\!$	98.9%	99.0%	99.1%	93.6%	93.6%	93.6%	92.9%	93.0%	92.3%	92.3%	92.4%
KP995416.1	98.8%	98.8%	98.9%	98.9%	$>\!$	99.8%	99.8%	93.6%	93.5%	93.5%	92.9%	92.9%	92.3%	92.2%	92.3%
KP995417.1	98.9%	98.9%	99.0%	99.0%	99.8%	\geq	99.9%	93.7%	93.6%	93.6%	92.9%	92.9%	92.3%	92.3%	92.4%
KP995415.1	99.0%	99.0%	99,1%	99,1%	99.8%	99.9%	$>\!$	93.7%	93.6%	93.6%	93.0%	93.0%	92.3%	92.3%	92.5%
X16378.1	93.5%	93.5%	93.6%	93.6%	93.6%	93.7%	93.7%	$>\!$	99.4%	99.4%	94.8%	94.7%	94.1%	94.2%	94.3%
X07441.1	93.5%	93.5%	93.5%	93,6%	93.5%	93,6%	93.6%	99.4%	\geq	99.9%	94.6%	94.6%	94.1%	94.1%	94.2%
NC_004063.1	93.5%	93.5%	93.5%	93.6%	93.5%	93.6%	93.6%	99.4%	99.9%	$>\!$	94.6%	94.6%	94.1%	94.1%	94.2%
J04373.1	92.7%	92.7%	92.8%	92.9%	92.9%	92.9%	93.0%	94.8%	94.6%	94.6%	$\geq\!$	98.3%	94.7%	94.6%	94.7%
AF035403.1	92.7%	92.7%	92.8%	93.0%	92.9%	92.9%	93.0%	94.7%	94.6%	94.6%	98.3%	\geq	94.6%	94.6%	94.7%
KJ690173.1	92.2%	92.2%	92.2%	92.3%	92.3%	92.3%	92.3%	94.1%	94.1%	94.1%	94.7%	94.6%	$>\!$	95.9%	96.0%
KP883302.1	92.3%	92.2%	92.3%	92.3%	92.2%	92.3%	92.3%	94.2%	94.1%	94.1%	94.6%	94.6%	95.9%	$>\!$	99.8%
KP883301.1	92.4%	92.4%	92.4%	92.4%	92.3%	92.4%	92.5%	94.3%	94.2%	94.2%	94.7%	94.7%	96.0%	99.8%	$>\!$

<그림 1-45> Homology distance of TYMV isolates.



<그림 1-46> Phylogenic tree of TYMV genes.

	1.000	1,500	2,000	2,500	3,000	3,500	4,000	4,500	5,000	5,1
Consensus Identity										
1. KP995420.1										
2. KP995419.1 3. KD005/1// 1										
4. KP995418.1			IUUU							
5. KP995416.1										1 1
6. KP995417.1										
7. KP995415.1		THE FILL								
8. X16378.1									TT TATAL	
9. X07441.1										
10. NC_004063.1										
11. J04373.1										
12. AF035403.1										
13. KJ690173.1										
14. KP883302.1										
15. KP883301.1										

<그림 1-47> Candidate primer and probe sets of TYMV.

- 1. TYMV- 2,856 F:
 - 5'- CAAXXXXTAGTTTCAAXXXXAAGAATGGATT-3'
- 2. TYMV- 3,056 P:
 - 5'- ATC XXX TCC AAC XXX TCC TCA XXX CCA AAC [FAM-dT] T [THF] T [BHQ1-dT] AAA XXX TTT CGG GTC - Spacer C
- 3. TYMV- 3,237 R:

5'-CATTTTXXXXXATCTCATCGATXXXXXGAATTCT -3'

<그림 1-48> RPA exo primer & probe set of TYMV isolates.



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
TYMV-2856F	0.7 ul
TYMV-3237R	0.7 ul
TYMV-3056P (1pM)	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul



<그림 1-49> Reaction composition of RPA and specificity of TYMV primer and probe. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, TYMV; Turnip yellow mosaic virus.

reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
TYMV-2856F	0.7 ul
TYMV-3237R	0.7 ul
TYMV-3056P (1pM)	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul

No	Bacteria	result
1	Brevibacterium casei	Negative
2	Micrococcus luteus	Negative
3	Streptococcus pyogenes	Negative
4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
5	Serratia marcescens	Negative
6	Enterobacter aerogenes	Negative
7	Klebsiella oxytoca	Negative
8	Staphylococcus warneri	Negative
9	Proteus mirabilis	Negative
10	Citrobacter freundii	Negative
11	Enterococcus faecalis	Negative
12	Streptococcus agalactiae	Negative
13	Staphylococcus epidemidis	Negative
14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
15	Propionibacterium acnes	Negative
16	Dermabacter homins	Negative
17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
18	Distilled water	Negative
Positive control	TYMV - mRNA transcript	Positive





<그림 1-50> RPA Exo-RT reaction of primer probe set of TYMV with several bacteria.

ATGCCAAGAACTTAGTTTCAAACATGAAGAATGGATTCGAC GGCGXXXXTCCCTCCTCGACGTCTCCACTGGCCAACGAAC CGGACCCACCCCXXXXXXGATCATCCAGATAGACCACTAC CTCGACACCAACCCCGGCAAAACCACTCCTGTGGTGCATTTT GCTGGCTTCGCTGGCTGTGGAAAGACATATCCGATCCAACA GCTCCTCAAAACCAAACTTTXXXXXXXTTTCGGGTCTCTTG CCCTACCACAGAACTCAGAACCGAATGGAAGACAGCGATG GAACXXXXXXTCCCAGTCATGGCGCTTTAACACTTGGGA GTCTTCCATTCTCAAGTCATCCAGAATTCTGGTCATCGATGAG ATCTACAXXXXXXCA

<그림 1-51> Synthetic target gene of TYMV primer set.



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
TYMV-2856F	0.7 ul
TYMV-3237R	0.7 ul
TYMV-3056P (1pM)	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul



<그림 1-52> Limitation of Detection of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of TYMV (Concentration).



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
TYMV-2856F	0.7 ul
TYMV-3237R	0.7 ul
TYMV-3056P (1pM)	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
DNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul



<그림 1-53> Limitation of Detection of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of TYMV (copies/ul).

- TYMV 유전자 15건에 대한 유전자를 분석한 결과 2개의 subtype으로 나뉘었다 (그림 1-45, 46).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, TYMV gene의 중간부분에서 여러 개의 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 이중에서 하나의 프라이머 프로브 세트를 선정하 여 인공합성하였다. 이 프라이머와 프로브 (Primer probe set; TYMV-2856F, TYMV-3056P, TYMV-3237R)의 특성을 평가하였다 (그림 1-47, 48).
- RPA Exo kit를 사용하여 8가지의 작물 관련 바이러스들 (SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, TYMV; Turnip yellow mosaic virus)과 교차반응을 조사한 결과, TYMV에만 잘 반응하였다 (그림 1-49).
- 실험실 환경 혹은 실험자로부터 검출될 가능성이 높은 17종의 박테리아의 유전자와의 반
 응성을 확인해 본 결과, 단 한 개의 박테리아와도 반응하지 않았다 (그림 1-50).
- TYMV primer probe set의 민감도를 측정하기 위하여 목표유전자를 인공합성하여 사용하였 다 (그림 1-51).
- 목표유전자를 10 ng부터 0.01 pg까지 10배 희석하여 Exo RT RPA 반응을 39℃에서 20분간

T-8 UV Scanner에서 반응시킨 결과, 1 pg까지 반응을 하였다 (그림 1-52).

○ 목표유전자를 10⁶ 부터 10⁰ 까지 10배 희석하여 Exo RT RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8
 UV Scanner에서 반응시킨 결과, 10,000 copies/ul 까지 반응을 하였다 (그림 1-53).

○ 이상의 결과로 RT-RPA TYMV detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-54).

○ 키트안에 제품 사용 설명서 첨부하였다 (그림 1-55).

○ TYMV ER-Detection Kit 완제품을 주관연구기관인 ㈜엘씨엠싸이언스의 홈페이지에 게재하 여 판매를 개시하였다 (2022. 09, 그림 1-56).



<그림 1-54> TYMV ER Detection kit.

LCM Science Co., Ltd

LCM-TYMV-ER-50

Turnip yellow mosaic virus (TYMV) ER-Detection Kit

50 rxn

Revision No.: LCM-TYMV-ER-0001 Issue Date: Jul 24, 2022 User Manual For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.yuglobal.wavework.kr, nova3546@lcmscience.co.kr 161-10 Backto-ri Hyangnam-eup Hwaseong-si Gyeonggido South Korea.

Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 speegene@gmail.co

1. General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based fluorescence monitoring.

2. Storage conditions

The kit should be kept -20°C (Full activity is guaranteed for 6 months).

3. Application

The Turnip yellow mosaic virus (TYMV) ER-Detection kit contains specially designed probe and primer set for amplification of TYMV gene to detect the TYMV viral RNA from specimens.

4. Product Description

Turnip yellow mosaic virus (TYMV) is an isometric Tymovirus of the family Tymoviridae. Its host range is confined almost entirely to plants in the genus Brassica in western Europe, which includes cabbages, cauliflower and broccoli. Infection causes bright yellow mosaic disease showing vein clearing and molting of plant tissues. It is transmitted by sap as well as a host of insect vectors.

The most prominent of these are in the Phyllotreta and Psylliades genera of flea beetles, although Phaedon cochlearine and its larva have also been known to help spread this virus. The larva lose their ability to transmit the disease once they reach the pupal stage, suggesting a mechanical infection process.

The Turnip yellow mosaic virus (TYMV) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use system for the detection of the Turnip yellow mosaic virus by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx 1.td). The master contains enzymes and reagents including specific probe and primer sets which is specially designed to amplify the TYMV gene for the unique amplification of Turnip yellow mosaic virus RNA within 15-20 min.

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent	CAP	Qty / 50 rxns	
1	TYMV Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl	
2	TYMV Probe	PRO 1 vial, 80 j		
3	TYMV Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl	
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl	
5	TYMV Positive control	POS	1 vial, 50 µl	
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml	

6. Required Materials and Devices

Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner /CFX96 real time PCR/ Biological cabinet / Vortex mixer / Micropipets (0.5 – 1000 µl) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 µl) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Microcentrifuge / Biohazard waste container

7. Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

· Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits.

7.2. RPA reaction

No	Reagent	1 rxn	8 mm	
1	TYMV Enzyme Master Mix	14.0 µl	112 µl	
2	TYMV Probe	1.5 µl	12.0 µl	
3	TYMV Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl	
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 µl	12.8 µl	
5	RNA	1.0 µl	X µl	
Total		20.0 µl	160.0 µl	

* Use the reagents which are stored at -20°C after spin down briefly when those are melted before use.

* Be careful of contamination when you use the positive control for amplification.

- 1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents according Prease make the reaction interformation on ite, sink well the regents according to the table below.
 Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down.
 Aliquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.
 Add positive and negative control (DW) to each PCR tube.

- * It is highly recommended that the mixture for negative control should be made separately to avoid cross contamination.
 5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the

bubble

6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min.

7) Set the program as below table.

Step	No. of Cycle	Temperature	Duration	
1	40	37-40°C	30 sec	

8) Plate setun

Set the fluorophores with FAM.

- Type the sample names in the each tube.
- Unknown: clinical sample Negative control
- * Positive control

8. Reading the Result





<Example of TVMV RT-RPA reaction at T8 UV scanner?

Case	Positive control	Negative control	TYMV RNA	Interpretation (Ct value)		
1	+		+	TYMV Positive		
2	+	852	5	TYMV Negative		
3	+	+	+/-			
4		+	+/-	Invalid result / retest		
5	5 -	+/-				

9. Warnings and Precaution

1) For research use only.

2) Carefully read this instruction before starting the procedure.

- 3) Clinical samples should be regarded as potentially infectious materials and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood.
- Do not use the kit after its expiration date written on box.
 Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may can
- wrong test result.
- 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the tubes before use.
- 7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.
- 8) Use always sterile pipette tips with filters.
 9) Wear separate coats and gloves in each area.
- Collected test samples in sterile tubes.
 Test samples should be extracted immediately or frozen at -20°C to -80°C.



<그림 1-55> Insert of TYMV ER Detection kit.



<그림 1-56> Contents of TYMV ER Detection kit in LCM science homepage (www.lcmscience.co.kr). ■ TYMV nfo detection kit - 공동연구기관 - 강원대 결과

- 1. TYMVnfo- 2,856 F: 5'- CAAXXXTTAGTTTCAAXXXTGAAGAATXXXATT-3'
- 2. TYMVnfo- 3,056 P:
 - 5'- [FAM] ATC XXX TCC XXX AGC TCC XXX AAA CCA XXX TT [THF] TT AAA GAC XXX CGG GTC – C3 Spacer
- 3. TYMVnfo- 3,237 R: 5'- [Biotin] CATTXXXTAGATCTCXXXGATGACCXXXXATTCT -3'

<그림 1-57> RT-RPA nfo primer probe set of TYMV.



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
TYMV-2856F	0.7 ul
TYMVnfo-3237R	0.7 ul
TYMVnfo-3056P (10 pM)	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
DNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul

<그림 1-58> Reaction composition of RPA-LFD reaction and specificity of TYMVnfo primer and probe. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, TYMV; Turnip Yellow Mosaic virus.

reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
TYMV-2856F	0.7 ul
TYMVnfo-3237R	0.7 ul
TYMVnfo-3056P (10 pM)	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
DNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul

<그림 1-59> Sensitivity of TYMVnfo primer and probe (concentration).

.

PCRD

12 C

12 C

PCRD

12 C

-

PCRD

10 ⁵	104	10 ³	10 ²	10 ¹	10 ⁰	DW
•	•	•	•	•	•	•
12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C
PCRD	PCRD	PCRD	PCRD	PCRD	PCRD	PCRD
+	+	+	+	-	-	-

10 ng 1 ng 0.1 ng 0.01 ng 1 pg 0.1 pg 0.01 pg DW

.

PCRD

12 C

12 C

PCRD

+

12 C

PCRD

+

12 C

PCRD

+

12 C

PCRD

+

reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
TYMV-2856F	0.7 ul
TYMVnfo-3237R	0.7 ul
TYMVnfo-3056P (10 pM)	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
DNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul

<그림 1-60> Sensitivity of TYMVnfo primer and probe (copies/ul).

										No	Bacteria	result
										1	Brevibacterium casei	Negative
reagent	volume	1	2	3	4	5	6	+	-	2	Micrococcus luteus	Negative
2x R Buffer	10 ul									3	Streptococcus pyogenes	Negative
100 mM dNTP	0.7	-	•			0	0		0	4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
	0.7 01	12	12	12	12	12	12	12	12	5	Serratia marcescens	Negative
10x B	2 ul	D D	P	P P	P	P	P	P	P	6	Enterobacter aerogenes	Negative
20x B	1 ul	CRD	CRD	CRD	CRD	CRD	CRD	CRD	CRD	7	Klebsiella oxytoca	Negative
50x B	0.4 ul	7	8	9	10	11	12	+	-	8	Staphylococcus warneri	Negative
DT	0.4.01				122					9	Proteus mirabilis	Negative
NI	0.4 ui			•	•			\mathbf{O}	•	10	Citrobacter freundii	Negative
TYMV-2856F	0.7 ul		1.	1.	Π.	Π_	1.	1-	Π.	11	Enterococcus faecalis	Negative
TYMVnfo-	0.7 ul	2 C	2 C	2 C	2 C	2 C	20	2 C	20	12	Streptococcus agalactiae	Negative
3237R		PCR	PCR	PCR	PCR	PCR	PCR	PCR	PCR	13	Staphylococcus epidemidis	Negative
TYMVnfo- 3056P (10 pM)	0.3 ul	13	14	15	16	17	+	+	-	14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
MgOAc	1.6 ul									15	Propionibacterium acnes	Negative
DNA	10 1	0*	•	•	•	(\bullet)	(\circ)	(\circ)		16	Dermabacter homins	Negative
DNA	1.0 ul		1				П	Π.	T	17	Stenotrophomonas	Negative
DW	1.2 ul	N C	2 C	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	10	maitophilia	
Total	20 ul	PC	PC	PC	PC	PO	PC	PO	PO	18	Distilled water	Negative
		RD	RD	RD	RD	RD	RD	RD	RD	Positive control	TYMV DNA	Positive

<그림 1-61> Specificity of TYMVnfo primer and probe against the several genome of bacteria.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT TYMV primer & probe set를 응용하여 PCRD nucleic acid detector를 이용한 육안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe를 합성하였다 (그림 1-57).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분-20분간 반응시킨 후 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 그림 1-58과 같이 nfo primer probe는 TuMV 바이러스만을 잘 검출하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.
- 목표유전자를 10 ng부터 0.01 pg까지 10배 희석하여 Exo RT nfo RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시키고 나서 10 ul 반응액을 PCRD nucleic acid detector에 넣고 extraction buffer를 흘려보내면서 결과를 관찰하였다. 그 결과 0.01 pg 까지 반응을 하였 다 (그림 1-59).
- 목표유전자를 10⁵ 부터 10⁰ 까지 10배 희석하여 Exo RT nfo RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8
 UV Scanner에서 반응시키고 나서 10 ul 반응액을 PCRD nucleic acid detector에 넣고 extraction buffer를 흘려보내면서 결과를 관찰하였다. 그 결과 100 copies/ul 까지 반응 을 하였다 (그림 1-60).
- 실험실 환경 혹은 실험자로부터 검출될 가능성이 높은 17종의 박테리아의 유전자와의 반응
 성을 확인해 본 결과, 단 한 개의 박테리아와도 반응하지 않았다 (그림 1-61).

■ TYMV end point detection kit - 위탁연구기관 - 전남대 결과

5 n	nin 10 n	nin 15 m	in 20 m	in				
+	- +	- +	- +	Ξ	Т	YMV-Time	Course	
	е р		R+ 0	EAM value	200 300 500 0 5(+) 5(-)	P < 0.0001 $r^2 = 0.9985$ r^2		
Time	5	min	10	min	15	min	20	min
	+	-	+	-	+	-		-
EANA	69	49	468	117	610	198	844	282
Alvi	64	42	451	115	641	206	801	269

Reagent	Volume
2x RB	10 ul
100mM dNTP	0.6 ul
10x E. Mix	2.0 ul
20x core Mix	1.0 ul
TYMVnfo 2856 F	0.7 ul
TYMVnfo 3237 R	0.7 ul
RT	0.5 ul
MgOAC	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.5 ul
Total	20 ul

Time .	5 r	nın	10	min	15	min	20 min		
	+	-	+	-	+	-		-	
FAM	69	49	468	117	610	198	844	282	
	64	42	451	115	641	206	801	269	

<그림 1-62> RPA end point reaction with primer set of TYMV according to the time.

106	10 ⁵	104	10 ³	10²	10 ¹	10º	DW						Reagent	Volume
	-	-		and the	Sec. 1	-	-			TYN	IV-LoD	0001	2x RB	10 ul
	ALL P		11						500	-	$R^2 = 0$).99999	100mM dNTP	0.6 ul
10		1mg	i.d.	W	7	10	Çiv	e	400 -				10x E. Mix	2.0 ul
		U LO			-	U		l valu	300 -	llor	٦_		20x core Mix	1.0 ul
C		Ê	Ê	ġ.	ġ	ġ	Ê	FAM	200-				TYMVnfo 2856 F	0.7 ul
Te	E			V			De.		100-				TYMVnfo 3237 R	0.7 ul
1			1	V	V	V	V		0 10 ⁶	10 ⁵ 10 ⁴ 10	³ 10 ² 10 ¹	10 ⁰ DW	RT	0.5 ul
										coj	pies/ul		MgOAC	1.0 ul
	106		4.05		10	1	10	,	102	101	100	DIA	RNA	1.0 ul
* .	10°		109		10	•	10	, ,	102	10	100		DW	2.5 ul
Л	469		449		284	ł	272	ł	233	225	198	216	Total	20 ul
	471		451		286	5	277	7	233	226	199	217		

<그림 1-63> Limitation of detection of RPA end point reaction with primer set of TYMV.



- <그림 1-64> Reaction composition of RPA end point reaction and specificity of TYMV primer. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, TYMV; Turnip yellow mosaic virus, DW; Distilled water (negative control).
- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT TYMV primer & probe set를 응용하여 syber green |을 이용한 end point detection kit를 제작하였다.
- RPA basic kit를 이용하여 nfo kit에 사용한 primer set로 master mix 만들고 각각의 핵산 샘플을 1 ul 넣고 39℃에서 반응시켰다.
- 시간별로 RPA반응을 관찰한 결과, 10분후 부터 양성반응을 보이기 시작하였다 (그림 1-62).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul까지 단계적 희석한 후 39℃에서 15분간 반응시키고 사이버그린으로 발색을 한 후 HARU-2000으로 FAM값 을 측정하였다. 그 결과 10³ copies/ul까지 검출이 되었다 (그림 1-63).
- 그림 1-64와 같이 종간 특이도를 분석한 결과, nfo primer probe는 TYMV 바이러스만을 잘 검출하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다 (그림 1-64).

4. Bean common mosaic virus (BCMV) - RPA probe 진단제 개발

■ 주관연구기관-엘씨엠싸이언스 ㈜ 연구결과

BCMV 숙주 범위는 제한되어 있지만 자연적으로 감염된 식물에는 일반 콩, Phaseoulus vulgaris L. var. aborigineus, Rhynchosia minima (L.) DC 및 일부 야생 열대 Phaseolus spp. 증상으로 는 삼엽충 잎에 밝은 녹색과 짙은 녹색 모자이크 패턴이 있습니다. 다른 증상으로는 주름, 물 집, 뒤틀림, 아래쪽으로 말리거나 구르는 것, 경미하거나 심한 녹색 바탕에 녹색 모자이크 반 점이 있습니다. 정확한 노란색 점 또는 괴사성 국소 병변은 종종 식물 성장 감소를 초래할 수 있습니다. 어린 나이에 감염된 식물은 발육부진되고 변형될 수 있습니다. 이 바이러스는 특히 감염된 종자에서 생산 지역과 계절 사이에 퍼집니다. 가장 중요한 매개체는 진딧물이지만 꽃가 루와 기계적 전달도 있습니다 (https://en.wikipedia.org/wiki/Bean_yellow_mosaic_virus).





Α Vpg Pro NIB HcPro P3 Coat 6K1 6K2 в HcPro (434-900aa) P3 (901-1247aa) CI (1299-1993aa) NIA-Vpg (1986-2176aa) NIB (2420-2935aa) Coat (2936-3222aa) (1-433aa) 2471 (R/K) 2522 (Y/H) 2938 (T/P) 31 (I/L) 34 (D/E 1322 (N/S) 1348 (I/V) 2096 (D/N) 2097 (N/D) 685 (S/N 945 UN 2966 (P/O) 1370 (S/N 1673 (V/I) 714 (E/N) 966 (G/S) 2972 (A/V) 2160 (H/R) 1026 (L/F) 115 (K/N) 1182 (C/Y) 1915 (I/F) 2914 (A/V) NIA-Pro (2177-2419aa) 1961 (V/M 158 (V/A) 1192 (R/I) 2232 (N/T) 159 (M/I) 208 (S/N) 256 (A/V) 302(L/F) 326(V/A) 386 (C/Y) 433 (K/E)



<그림 1-65> Genetic map, symptom, model of BCMV.

	MF4988	MH0248	. MF4988	NC_003	KC83250.	KJ50809	MH7958	MW019	MW019.	. KC83250.	KM0766	KP90337.	LC58240	MH0248.	MH0248.	. MF4988	MF4988	MH0248	KF11486	EU7611	MH0248	MH0248
MF498887.1	$>\!$	97.5%	96.9%	85.6%	86.0%	80.5%	81.4%	83.7%	83.7%	82.5%	80.3%	81.3%	81.0%	81.2%	80.9%	81.9%	81.6%	81.4%	81.1%	81.1%	81.0%	81.1%
MH024843.1	97.5%	\geq	97.9%	85.4%	85.6%	80.1%	81.1%	83.5%	83.5%	82.2%	80.0%	80.9%	80.8%	81.0%	80.6%	81.4%	81.2%	80.9%	80.7%	80.7%	80.6%	80.7%
MF498889.1	96.9%	97.9%	\geq	86.3%	86.2%	80.3%	81.5%	83.6%	83.6%	82.5%	80.1%	81.2%	81.0%	81.0%	80.8%	81.5%	81.5%	81.2%	80.9%	81.0%	80.9%	81.0%
NC_003397.1	85.6%	85.4%	86.3%	$>\!$	93.2%	81.4%	84.4%	82.8%	82.9%	85.6%	81.3%	82.0%	81.9%	82.2%	82.2%	82.4%	82.7%	82.8%	82.6%	82.7%	82.7%	82.7%
KC832501.1	86.0%	85.6%	86,2%	93.2%	\geq	81.6%	84.1%	83.1%	83.1%	85.0%	81.6%	82.8%	82.1%	82.5%	82.6%	83.0%	83.0%	83.2%	83.1%	83.0%	83.0%	82.9%
KJ508092.1	80.5%	80.1%	80.3%	81.4%	81.6%	$>\!$	85.2%	82.4%	82.5%	83.2%	83.6%	84.6%	84.0%	84.3%	84.4%	84.9%	84.8%	84.6%	84.5%	84.3%	84.3%	84.2%
MH795801.1	81.4%	81.1%	81.5%	84.4%	84.1%	85.2%	$>\!$	83.1%	83.1%	85.3%	84.0%	85.6%	84.7%	85.0%	85.2%	85.3%	85.5%	85.3%	85.2%	85.1%	85.2%	85.2%
MW019505.1	83.7%	83.5%	83.6%	82.8%	83.1%	82.4%	83.1%	$>\!$	99.9%	84.7%	83.8%	85.1%	84.6%	85.3%	85.1%	87.0%	87.1%	87.2%	87.7%	87.3%	87.3%	87.4%
MW019501.1	83.7%	83.5%	83.6%	82.9%	83.1%	82.5%	83.1%	99.9%	$>\!$	84.7%	83.8%	85.2%	84.6%	85.3%	85.2%	87.0%	87.1%	87.2%	87.7%	87.3%	87.3%	87.4%
KC832502.1	82.5%	82.2%	82.5%	85.6%	85.0%	83.2%	85.3%	84.7%	84.7%	$>\!$	84.7%	85.9%	88.1%	87.3%	86.5%	86.9%	86.9%	86.8%	87.6%	87.3%	87.5%	87.5%
KM076650.1	80.3%	80.0%	80.1%	81.3%	81.6%	83.6%	84.0%	83.8%	83.8%	84.7%	$>\!$	87.1%	87.8%	87.9%	87.4%	88.4%	88.3%	88.0%	88.4%	88.5%	88.6%	88.5%
KP903372.1	81.3%	80.9%	81.2%	82.0%	82.8%	84.6%	85.6%	85.1%	85.2%	85.9%	87.1%	$>\!$	87.9%	88.8%	89.6%	89.1%	89.1%	89.8%	89.1%	88.9%	89.2%	89.1%
LC582403.1	81.0%	80.8%	81,0%	81.9%	82.1%	84.0%	84.7%	84.6%	84.6%	88.1%	87.8%	87.9%	$>\!$	90.7%	89.5%	89.4%	89,3%	89.7%	90,5%	90.4%	90.6%	90.5%
MH024840.1	81.2%	81.0%	81.0%	82.2%	82.5%	84.3%	85.0%	85.3%	85.3%	87.3%	87.9%	88.8%	90.7%	$>\!$	94.8%	91.6%	91.8%	92.5%	94.6%	94.1%	94.5%	94:4%
MH024838.1	80.9%	80.6%	80.8%	82.2%	82.6%	84.4%	85.2%	85.1%	85.2%	86.5%	87.4%	89.6%	89.5%	94.8%	\geq	90.1%	90.1%	94.3%	92.3%	91.9%	92.2%	92.2%
MF498888.1	81.9%	81.4%	81.5%	82.4%	83.0%	84.9%	85.3%	87.0%	87.0%	86.9%	88.4%	89.1%	89.4%	91.6%	90.1%	\geq	96.6%	92.2%	94.1%	93.8%	93.9%	93.8%
MF498886.1	81.6%	81.2%	81.5%	82.7%	83.0%	84.8%	85.5%	87.1%	87.1%	86.9%	88,3%	89.1%	89,3%	91.8%	90.1%	96,6%	$>\!$	92.3%	94,3%	94.0%	94,3%	94.2%
MH024842.1	81.4%	80.9%	81.2%	82.8%	83.2%	84.6%	85.3%	87.2%	87.2%	86.8%	88.0%	89.8%	89.7%	92.5%	94.3%	92.2%	92.3%	$>\!$	95.1%	95.0%	95.5%	95.4%
KF114860.1	81.1%	80.7%	80.9%	82.6%	83.1%	84.5%	85.2%	87,7%	87.7%	87.6%	88.4%	89.1%	90.5%	94.6%	92.3%	94.1%	94.3%	95.1%	$>\!$	97.4%	97.6%	97.5%
EU761198.1	81.1%	80.7%	81.0%	82.7%	83.0%	84.3%	85.1%	87.3%	87.3%	87.3%	88.5%	88.9%	90.4%	94.1%	91.9%	93.8%	94.0%	95.0%	97.4%	$>\!$	98.0%	98.0%
MH024841.1	81.0%	80.6%	80.9%	82.7%	83.0%	84.3%	85.2%	87.3%	87.3%	87.5%	88.6%	89.2%	90.6%	94.5%	92.2%	93.9%	94.3%	95.5%	97.6%	98.0%	\geq	99.4%
MH024839.1	81.1%	80.7%	81.0%	82.7%	82.9%	84.2%	85.2%	87.4%	87.4%	87.5%	88.5%	89.1%	90.5%	94:4%	92.2%	93.8%	94.2%	95.4%	97.5%	98.0%	99.4%	$>\!$

<그림 1-66> Homology distance of BCMV isolates.



<그림 1-67> Phylogenic tree of BCMV genes.



<그림 1-68> Candidate primer and probe sets of BCMV.

- 1. BCMV4-CP- 675 F: 5'- TCTTXXXXTTAGATCAXXXXTTGGATXXXAAGCC - 3'
- 2. BCMV4-CP- 714 P:
 - 5'- TAT XXX ATT ACA XXX CAG AAC AAA XXX ATC [FAM-dT] T [THF] T [BHQ1-dT] AAC ACA XXX GCA ACA XXX -C3 Spacer
- 3. BCMV4-CP- 822 R:

5'- TTCXXXACAAXXXACATCTGATCAXXXTCTATCTC -3'

<그림 1-69> RPA exo primer & probe set of BCMV isolates.



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
BCMV4-675 F	0.7 ul
BCMV4-822 R	0.7 ul
BCMV4-714P 1pM	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.0 ul
Total	20 ul



<그림 1-70> Reaction composition of RPA and specificity of BCMV primer and probe. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, TYMV; Turnip yellow mosaic virus.







<그림 1-71> RPA Exo-RT reaction of primer probe set of BCMV with several bacteria.

TGTGATXXXXAATTTAGATCATXXXXTTGGATTACAAGCCAG AACAAACTGATCTTTTTAACACAAGAGCAACAAAGATGCAG TTTGAAATGTGGTACAATXXXXXXXGGCTGAGTATGAGATA GATGATGATCAGATGTCAATTGXXXXXAACGGC

<그림 1-72> Synthetic target gene of BCMV primer set.



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM New dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
BCMV4-675 F	0.7 ul
BCMV4-822 R	0.7 ul
BCMV4-714P 1pM	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.0 ul
Total	20 ul



<그림 1-73> Limitation of Detection of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of BCMV (Concentration).



reagent	volume			
2x R Buffer	10 ul			
100 mM New dNTP	0.7 ul			
10x B	2 ul			
20x B	1 ul			
50x B	0.4 ul			
RT	0.4 ul			
BCMV4-675 F	0.7 ul			
BCMV4-822 R	0.7 ul			
BCMV4-714P 1pM	0.3 ul			
MgOAc	1.6 ul			
RNA	1.0 ul			
DW	1.0 ul			
Total	20 ul			



<그림 1-74> Limitation of Detection of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of BCMV (copies/ul).

- BCMV 유전자 22건에 대한 유전자를 분석한 결과 2개의 subtype으로 나뉘었다 (그림 1-66,
 67).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, BCMV gene의 중간부분에서 여러 개의 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 이중에서 하나의 프라이머 프로브 세트를 선정하 여 인공합성하였다. 이 프라이머와 프로브 (Primer probe set; BCMV4-CP-675F, BCMV4-CP-714P, BCMV4-CP-822R)의 특성을 평가하였다 (그림 1-68, 69).
- RPA Exo kit를 사용하여 8가지의 작물 관련 바이러스들 (SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, TYMV; Turnip yellow mosaic virus)과 교차반응을 조사한 결과, BCMV에만 잘 반응하였다 (그림 1-70).
- 실험실 환경 혹은 실험자로부터 검출될 가능성이 높은 17종의 박테리아의 유전자와의 반
 응성을 확인해 본 결과, 단 한 개의 박테리아와도 반응하지 않았다 (그림 1-71).
- BCMV primer probe set의 민감도를 측정하기 위하여 목표유전자를 인공합성하여 사용하였 다 (그림 1-72).
- 목표유전자를 10 ng부터 0.01 pg까지 10배 희석하여 Exo RT RPA 반응을 39℃에서 20분간
 T-8 UV Scanner에서 반응시킨 결과, 1 pg까지 반응을 하였다 (그림 1-73).
- 목표유전자를 10⁶ 부터 10⁰ 까지 10배 희석하여 Exo RT RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8
 UV Scanner에서 반응시킨 결과, 1000 copies/ul 까지 반응을 하였다 (그림 1-74).
- 이상의 결과로 RT-RPA BCMV detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-75).
- 키트안에 제품 사용 설명서 첨부하였다 (그림 1-76).
- BCMV ER-Detection Kit 완제품을 주관연구기관인 ㈜엘씨엠싸이언스의 홈페이지에 게재하 여 판매를 개시하였다 (2022. 09, 그림 1-77).



<그림 1-75> BCMV ER Detection kit.

LCM Science Co., Ltd

LCM-BCMV-ER-50

Bean common mosaic virus (BCMV) ER-Detection Kit

Revision No.: LCM-BCMV-ER-0001 Issue Date: Jul 24, 2022 User Manual For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.yuglobal.wavework.kr, nova3546@lemscience.co.kr

161-10 Baekto-ri Hyangnam-eup Hwaseong-si Gyeonggido South Korea.

Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 st

1. General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based fluorescence monitoring.

2. Storage conditions

The kit should be kept -20°C (Full activity is guaranteed for 6 months).

3. Application

The Bean common mosaic virus (BCMV) ER-Detection kit contains specially designed probe and primer set for amplification of BCMV gene to detect the BCMV viral RNA from specimens.

4. Product Description

4. I rotatict Description
4. I rotatict Description
4. Bean common mosaic virus (BCMV) is BCMV host range is limited but naturally infected plants include common bean, Phaseoulus vulgaris L, var. aborigineus. Rhynchosia iminima (L.) DC, and some wild tropical Phaseolus yap. Symptoms include: puckering, bilstering, distortion, dowaward curling and rolling, and a mild or severe green-on green mosaic patterns on trifoliate leaves. Other symptoms include: puckering, bilstering, distortion, dowaward curling and rolling, and a mild or severe green-on green mosaic motile. Finpoint, yellow doits or necroit local lesions may often result in plant growth reduction. Plants infected at a young age may be stunted and distorted. This virus is spread between production areas and between seasons, especially in infected seed. The most important vectors are aphids, but also pollen, and mechanical transmission.



<Map of distribution>

on mosaic virus (BCMV) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use The Bean com The breat common mosaic virus (RC-NY) Referencement and an analysis of the relay-broad system for the detection of the Bean common mosaic virus by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx Ltd). The master contains enzymes and reagents including specific probe and primer sets which is specially designed to amplify the BCMV gene for the unique amplification of Bean common mosaic virus RNA within 15-20 min.

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent	CAP	Qty / 50 rxns
1	BCMV Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl
2	BCMV Probe	PRO	1 vial, 80 µl
3	BCMV Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl
5	BCMV Positive control	POS	1 vial, 50 µl
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml

6. Required Materials and Devices

Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner /CFX96 real time PCR/ Biological cabinet / Vortex mixer / Micropipets (0.5 – 1000 µl) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 µl) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Microcentrifuge / Biohazard waste container

7. Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

· Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits.

7.2. RPA reaction

No	Reagent		8 rxn
1	BCMV Enzyme Master Mix	14.0 µl	112 µl
2	BCMV Probe	1.5 µl	12.0 µl
3	BCMV Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 µl	12.8 µl
5	RNA	ابر 1.0	ХµI
Total		20.0 µl	160.0 µl

50 rxn

Use the reagents which are stored at -20°C after spin down briefly when those are melted before use. * Be careful of contamination when you use the positive control for

amplification

- 1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents according to the table below.
- 2) Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down. 3) Aliquot 19 µl of master mixture to each PCR tube. 4) Add positive and negative control (DW) to each PCR tube.
- * It is highly recomm nended that the mixture for negative control should be made separately to avoid cross contamination

5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the bubble.6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min.

7) Set the progra	im as below table.		
Step	No. of Cycle	Temperature	Duration
1	40	37-40°C	30 sec

8) Plate setup

- Set the fluorophores with FAM. - Type the sample names in the each tube.
- * Unknown: clinical sample
- * Negative control
- * Positive control

8. Reading the Result



<Example of BCMV RT-RPA reaction at T8 UV scanner>

Case	Positive control	Negative control	BCMV RNA	Interpretation (Ct value)		
1	+		+	BCMV Positive		
2	+	(S ()	- C-2	BCMV Negative		
3		+	+/-			
4	1961	+	+/-	Invalid result / retest		
5			+/-			

9. Warnings and Precaution

1) For research use only,

- For recenct use only.
 Carefully read this instruction before starting the procedure.
 Clinical samples should be regarded as potentially infectious materials and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood.
- 4) Do not use the kit after its expiration date written on box.
 5) Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may cause
- wrong test result. 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the tubes before use.
- 7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.
- 8) Use always sterile pipette tips with filters.
 9) Wear separate coats and gloves in each area.

10) Collected test samples in sterile tubes. 11) Test samples should be extracted immediately or frozen at -20°C to -80°C.



<그림 1-76> Insert of BCMV ER Detection kit.



<그림 1-77> Contents of BCMV ER Detection kit in LCM science homepage (www.lcmscience.co.kr). ■ BCMV nfo detection kit - 공동연구기관 - 강원대 결과

- 1. BCMV4nfo-675 F: 5'- TCTTXXXTTTAGATCXXXXTATTGGATXXXAAGCC - 3'
- 2. BCMV4nfo-714 P:
 - 5'- [FAM] TAT XXX ATT ACA XXX CAG AAC AAA CTG ATC TT [THF] T T AAC XXX AGA GCA XXX AAG -C3 Spacer
- 3. BCMV4nfo-822 R:

5'- [Biotin] TTCXXXACAATTGACXXXTGATCATCAXXXTATCTC -3'

<그림 1-78> RT-RPA nfo primer probe set of BCMV.



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
BCMV4nfo-675 F	0.7 ul
BCMV4nfo-822 R	0.7 ul
BCMV4nfo-714P 1pM	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.0 ul
Total	20 ul

<그림 1-79> Reaction composition of RPA-LFD reaction and specificity of BCMVnfo primer and probe. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, TYMV; Turnip Yellow Mosaic virus, DW; Distilled Water.

								reagent	volume
10 na	1 na	0.1 na	0.01 na	1 pa	0.1 pa	0.01 pa	DW	2x R Buffer	10 ul
5		Y	-		1.2			100 mM dNTP	0.7 ul
								10x B	2 ul
	(\circ)	(\circ)		(\circ)		(\circ)	(\circ)	20x B	1 ul
						C	C	50x B	0.4 ul
				-	-	-	-	RT	0.4 ul
12	12	12	12	12	12	12	12	BCMV4nfo-675 F	0.7 ul
E C	C	C	C	C	C	- C	- 0	BCMV4nfo-822 R	0.7 ul
PCF	PCF	PCF	PCF	PCF	PCF	PCF	PC	BCMV4nfo-714P 1pM	0.3 ul
õ	² D	õ	20	۲D	20	20	P D	MgOAc	1.6 ul
+	-	+	+	+		_		RNA	1.0 ul
	.т.	- F	, V	V.	-	-		DW	1.0 ul
								Total	20 ul

<그림 1-80> Sensitivity of BCMVnfo primer and probe (concentration).

								reagent	volume
106	10 ⁵	104	10 ³	10 ²	1 0 ¹	100	DW	2x R Buffer	10 ul
10	10	10		10	10	10	DW	100 mM dNTP	0.7 ul
								10x B	2 ul
()	(\circ)	(\bullet)		(\circ)		(\circ)	(\circ)	20x B	1 ul
					50x B	0.4 ul			
		-			-	1	T	RT	0.4 ul
12 0	120	120	12 0	120	12	12 (12 (BCMV4nfo-675 F	0.7 ul
					C C		I.	BCMV4nfo-822 R	0.7 ul
	PCRI	PCRI	PCRI	PCR	PCR	PCR	PCR	BCMV4nfo-714P 1pM	0.3 ul
	0	U	0	U				MgOAc	1.6 ul
				1.347				RNA	1.0 ul
				ŦW	-	-		DW	1.0 ul
								Total	20 ul

<그림 1-81> Sensitivity of BCMVnfo primer and probe (copies/ul).

										No	Bacteria	result
										1	Brevibacterium casei	Negative
reagent	volume	1	2	3	4	5	6	+	12	2	Micrococcus luteus	Negative
2v P. Buffor	10 ul	•	0	•	()	()	()			3	Streptococcus pyogenes	Negative
ZX IN DUITEI	iu ui									4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
100 mM dNTP	0.7 ul	12	12 0	120	12 0	12	12	12	12	5	Serratia marcescens	Negative
10x B	2 ul	P	P	P	P	P	T C	P	P	6	Enterobacter aerogenes	Negative
20v P	1	ORD	CRD	CRE	CRE	CRE	CRE	CRE	CRE	7	Klebsiella oxytoca	Negative
20X D	i ui	7	0	0	10	11	12		U	8	Staphylococcus warneri	Negative
50x B	0.4 ul	1	0	9	10			+	-	9	Proteus mirabilis	Negative
RT	0.4 ul	0	0			0	\mathbf{O}	0	0	10	Citrobacter freundii	Negative
BCMV4nfo-675 E	0.7		1	12	12	12	12	12	12	11	Enterococcus faecalis	Negative
	0.7 ui	0	0	n n	°	10	0	0	10	12	Streptococcus agalactiae	Negative
BCMV4nfo-822 R	0.7 ul	PCR	PCR	PCR	PCR	PCR	PCR	PCR	PCR	13	Staphylococcus epidemidis	Negative
BCMV4nfo-714P	0.3 ul	Ű	0 1/	15	16	17	+	-	0	14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
τρινι		15	17	15	10	17				15	Propionibacterium acnes	Negative
MgOAc	1.6 ul		(\bullet)	(\circ)	(\bullet)	(\bullet)	(\bullet)	(\circ)	•	16	Dermabacter homins	Negative
RNA	1.0 ul		12	12	12	12	12	12	12	17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
DW	1.0 ul	-	1 0	C	- C	C T	C T	n n	- C	18	Distilled water	Negative
Total	20 ul	PCRD	PCRD	PCRD	PCRD	PCRD	CRD	CRD	CRD	Positive control	BCMV4-CP DNA	Positive

<그림 1-82> Specificity of BCMVnfo primer and probe against the several genome of bacteria.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT BCMV primer & probe set를 응용하여 PCRD nucleic acid detector를 이용한 육안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe를 합성하였다 (그림 1-78).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분-20분간 반응시킨 후 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 그림 1-79과 같이 nfo primer probe는 BCMV 바이러스만을 잘 검출하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.
- 목표유전자를 10 ng부터 0.01 pg까지 10배 희석하여 Exo RT nfo RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시키고 나서 10 ul 반응액을 PCRD nucleic acid detector에 넣고 extraction buffer를 흘려보내면서 결과를 관찰하였다. 그 결과 1 pg 까지 반응을 하였다 (그림 1-80).
- 목표유전자를 10⁵ 부터 10⁰ 까지 10배 희석하여 Exo RT nfo RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8
 UV Scanner에서 반응시키고 나서 10 ul 반응액을 PCRD nucleic acid detector에 넣고 extraction buffer를 흘려보내면서 결과를 관찰하였다. 그 결과 100 copies/ul 까지 반응 을 하였다 (그림 1-81).
- 실험실 환경 혹은 실험자로부터 검출될 가능성이 높은 17종의 박테리아의 유전자와의 반응
 성을 확인해 본 결과, 단 한 개의 박테리아와도 반응하지 않았다 (그림 1-82).

■ BCMV end point detection kit - 위탁연구기관 - 전남대 결과

, d	5 min 1	0 min 15	min 20 r	nin						
+	+	- +	- +	-	BCMV-Time course					
2-		- 72 A	- T - T -		800		P < 0.000 R ² = 0.9972	1 2		
1	1 5 0	10 115 T	15 20	2° en	600-		Т			
1	U VE V			AM val	400-			-		
					$\begin{array}{c} & & \\$					
ne	5 1	min	10	min	15	min	20	min		
	+	-	+	-	+	-		-		
Л	38	28	209	72	471	161	640	358		
VI	40	31	204	67	487	166	588	333		

Reagent	Volume
2x RB	10 ul
100mM dNTP	0.6 ul
10x E. Mix	2.0 ul
20x core Mix	1.0 ul
BCMV4nfo-675 F	0.7 ul
BCMV4nfo-822 R	0.7 ul
RT	0.5 ul
MgOAC	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.5 ul
Total	20 ul

<그림 1-83> RPA end point reaction with primer set of BCMV according to the time.



<그림 1-84> Limitation of detection of RPA end point reaction with primer set of BCMV.


- <그림 1-85> Reaction composition of RPA end point reaction and specificity of BCMV primer. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, TYMV; Turnip yellow mosaic virus, DW; Distilled water (negative control).
- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT BCMV primer & probe set를 응용하여 syber green I을 이용한 end point detection kit를 제작하였다.
- RPA basic kit를 이용하여 nfo kit에 사용한 primer set로 master mix 만들고 각각의 핵산 샘플을 1 ul 넣고 39℃에서 반응시켰다.
- 시간별로 RPA반응을 관찰한 결과, 10분후 부터 양성반응을 보이기 시작하였다 (그림 1-83).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul까지 단계적 희석한 후 39℃에서 20분간 반응시키고 사이버그린으로 발색을 한 후 HARU-2000으로 FAM값 을 측정하였다. 그 결과 10⁵ copies/ul까지 검출이 되었다 (그림 1-84).
- 그림 1-85와 같이 종간 특이도를 분석한 결과, nfo primer probe는 BCMV 바이러스만을 잘 검출하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다 (그림 1-85).

5. Soybean mosaic virus (SMV) - RPA probe 진단제 개발

■ 주관연구기관- ㈜ 엘씨엠싸이언스 연구결과

대두 모자이크 바이러스(SMV)는 식물 바이러스 속 포티바이러스(Potyviridae 계통)의 구성원 입니다. 주로 파바세아과에 속하는 식물을 감염시키지만 다른 경제적으로 중요한 작물도 감염 시키는 것으로 밝혀졌습니다. SMV는 전 세계 대두 생산지에서 발생하는 대두 모자이크병의 원 인입니다. 대두(글리신 맥스)는 식용 오일과 단백질의 가장 중요한 공급원 중 하나이며 병원성 감염은 미국에서 연간 약 40억 달러의 수확량 손실을 초래합니다. 이러한 병원체 중 SMV는 전 세계적으로 대두 생산에서 가장 중요하고 널리 퍼진 바이러스 병원체입니다. 이로 인해 약 8~35%의 수율 감소가 발생하지만 최대 94%의 손실이 보고되었습니다.

이 바이러스는 1915년 코네티컷에서 처음 보고되었으며 1921년에 기술되었습니다. 이 바이러 스의 게놈은 최소 11개의 단백질을 인코딩하는 약 9.5kb의 단일 가닥 양성 센스 RNA입니다. SMV 비리온은 길이가 약 720~800nm이고 직경이 12~15nm인 비피막, 굴곡성, 사상체입니다. SMV 의 여러 균주는 9,588개 뉴클레오티드로 구성된 완전히 시퀀싱되었습니다 (시퀀싱된 데이터는 GenBank에서 찾을 수 있음)(https://en.wikipedia.org/wiki/Soybean_mosaic_virus).



							958
P1	HC-Pro	P3 6K1	CI	6K2 NIa-VPg	NIa-Pro	NIb	СР
308 aa	457 aa	PIPO	634 aa	53 aa 190 aa	243 aa	517 aa	265 aa



	KF98278	KP71087	KT28517	(P71086_	FJ64098	AY21601	FJ64097_	FJ64096	MT6038	FJ64098	MT6038	F]64095	SMV-K2	FJ64098	MT6038	MT6038	MT6038	HQ8457	MN6232	GU0150	F)64097	F)64097	F)64097	KM9792	542280.1	F)64097	F)64096	LC32310	NC_002	KY58692	F)64095	MT6038	FJ64097	FJ80770	FJ37638	AY29404.	AY29404_	. FJB0770.	MT6038	MT6038.
KP982784.1	> <	77.3%	76.3%	76.3%	77.5%	77.6%	77.7%	77.7%	77.5%	77.6%	77.6%	77.7%	76.3%	73.4%	77.3%	77.6%	77.6%	77.6%	77.4%	77.5%	77.4%	77.3%	77.3%	77.4%	77.2%	77.2%	77.3%	77.5%	77.5%	77.A%	77.4%	77.6%	77.4%	77.4%	77.4%	77.6%	77.5%	77.6%	77.8%	77.6%
KP710877.1	77.3%		89.0%	89.0%	90.0%	90.0%	90.1%	90.1%	90.6%	89.8%	89.8%	89.9%	89.4%	90.9%	89.9%	89.9%	89.5%				91.1%	91.1%	90.6w		.91.4%	91.5%	91.5%	91.6%	91.6%					90.9%	90.9%	90.9%	91.2%	91.5%	91.5%	91.5%
KT285170.1	76.3%	89.0%		19.8%	38.8%	38.8%	38.7%	89.1%	91.2%	88.3%	35.4%	88.4%	87.9N	89.4%	89.8%	88.8%	88.7%	89.6%	89.7%	89.7%			82.4%	\$0.7%	91.0%	21:1%	91.2%	21.3%	91.3%	21.3%	91.3%		91.5%	90.0%	30.0%	90.2%	20.6%	90.9%	91.2%	90.9%
KP710868.1	76.3%	89.0%	99.8%	> <	88.8%	38.8%	88.7%	89.1%	91.2%	88.3%	88.4%	88.4%	87.9%	89.4%	89.8N	88.8%	88.7%	89.6%	89.7%	89.7%			89.3W	90.6%	91.0%	91.1%	91.1%	91.3%	91.3%	91.3%	91.2%	91.6%	91.4%	90.0%	90.0%	90.1%	90.5%	90.9%	91.1%	90.9%
F)540582.1	77.5%	90.0%	88.8%	88.8%		99.7%		96.0%				95.6%																												93.5%
AY216010.1	77.6%	90.0%	\$8.8%	88.8%	99.7%			96.1%			95.8%	95.6%																												93.5%
F)540971.1	77.7%	90.1%	88.7%	38.7%			\geq	96.7%				95.4%																												93.6%
F)640961.1	77.7%	50.1%	89.1%	89.1%	96.0%			> <				95.6%																												93.7%
MT603830.1	77.5%	90.6%	91.2%	91.2%				93.5%	> <																															94.0%
F)640980.1	77.6%	89.8%	88.3%	88.3%		95.7%		95.6%		><1	97.9%	97.9%		96.7%			96.4%																	15.6%						93.8%
MT603828.1	77.6%	89.8%	88.4%	88.4%		95.8%		95.6%		97.9%	> <	99.0%		96.7%		96.4%	95.4%																	95.5%						93.7%
F)640957.1	77.7%	89.9%	88.4%	88.4%	95.6%	95.6%		95.6%		97.9%	99.0%	> <		96.6%		96.2%	96.2%																	95.4%						93.6%
SMV-K206_complete_seq.	76.3%	89.4%	87.9%	87.9%									> <	97.3%				91.5%	91.5%	91.6%		91.5%												95.1%						94.0%
F)640981.1	77.4%	50.9%	89.4%	89.4%		94.9%			95.3%	96.7%	96.7%	96.6%	97.3%	> <		95.4%							94.4%		94.5%		94.8%	94.9%		94.9%		95.1%		96.6%	96.4%		96.0%	95.6%	95.6%	95.6%
MT603832.1	77.3%	89.9%	89.8%	89.8%											$\gg <$	96.8%		91.6%	91.5%																					93.2%
MT603833.1	77.6%	89.9%	88.8%	88.8%		95.4%						96.2%				> <	100.0%																							92.8%
MT602831.1	77.6%	89.9%	88.7%	88.7%	95.4%	95.4%		95.1%	95.0%	96.4%	96.4%	96.2%			96.8%	100.0%	> <																	94.1%						92.8%
HQ845736.1	77.6%		89.6%	89.6%									91.5%		91.6%			> <	98.7%	98.7%																				93.0%
WN623289.1	77.4%		89.7%	89.7%									91.5%		91.5%			98.7%	> <1	98.8%																				93.1%
GU015011.1	77.5%		89.7%	89.7%									91.6%					98.7%	98.8%	\geq																				93.3%
F)540978.1	77.4%	91.1%							94.6%												> <	99.3%			94.5%					94.9%								94.6%		94.6%
F)640977.1	77.3%	91.1%							94.5%				91.5%								99.3%	$\geq \leq$			94,4%													94.5%		94.5%
F)540973.1	77.3%	90.6%	89.4%	89.3%																			$\geq \leq$		94.8%															94.2%
KM979229.1	77.4%		90.7%	90.6%																				$\geq \leq$													95.5%	95.5%		95.5%
\$42280.1	77.2%	91,A%	91.0%	91.0%																					><	58.6%	58.7%	58.6%	58.7%	98.7%	58.7%	99.0%	98.8%		95.3%		96.3%	96.7%	96.6%	96.6%
FJ640976.1	77.2%	91.5%	91.1%	91.1%																					98.6%	> <	99.8%	98.9%	\$9.0%	99.0%	99.0%	99.3%	99.1%	95.5%	95.5%		96.5%	96.9%	96.9%	97.0%
F)540966.1	77.3%	91.5%	91.2%	91,1%																			95,4%		58.7%	99.8%	> <	99.0%	\$9.1%	\$9.1%	\$9.1%	99.4%	99.2%	95.5%	95.6%		96.6%	97.0%	97.0%	97.1%
LC323107.1	77.5%	91.6%	91.3%	91.3%																					98.6%	98.9%	99.0%	> <	99.2%	99.2%	99.2%	99.5%	99.2%	95.6%	95.7%		96.6%	97.0%	97.0%	97.1%
NC_002634.1	77.5%	91.6%	91.3%	91.3%																					58.7%	99.0%	\$9.1%	99.2%		99.2%	99.2%	99.5%	99.3%	95.6%	95.7%	96.2%	96.6%	97.0%	97.0%	97.1%
KY986929.1	77.4%		91.3%	91.3%																					98.7%	99.0%	99.1%	99.2%	99.2%	\geq	99.3%	99.6%	99.3%	95.6%	95.6%		96.6%	97.0%	97.0%	97.1%
F)640955.1	77.4%		91.3%	91.2%																					58.7%	99.0%	\$9.1%	99.2%	59.2%	99.3%		99.6%	99.3%	95.6%	95.7%	96.2%	96.6%	97.1%	97.0%	97.1%
MT603834.1	77.6%			91.6%					94.3%																99.0%	99.3%	99.4%	99.5%	\$9.5%	99.6%	\$9.6%	\geq	99.7%	95.9%	95.9%	96.5%	96.9%	97.3%	97.3%	97.4%
F)640979.1	77.4%		91.5%	91,4%																	95.0%	94.9%	95.2%	96.1%	58.8%	99.1%	99.2%	99.2%	99.3%	99.3%	99.3%	99.7%		95.7%	95.8%		96.7%	97.2%	97.1%	97.2%
Fj807701.1	77.4%	90.9%	90.0%	90.0%							95.5%	95.4%		96.6%											95.3%	95.5m	95.5%			95.6%		95.9%		\sim	99.7%	97.5%	96.9%	97.0%	96.8%	96.8%
FJ376388.1	77.4%	90.9%	90.0%	90.0%	94.4%					95.4%		95.2%		96.4%											95.3%	95.5%	95.6%					95.9%		99.7%		97.7%	97.2%	97.3%	97.1%	97.1%
AY204044.1	77.6%	90.9%	90.2%	90.1%								94.7%													95.8%	96.1%	96.2%	96.2%		96.2%		96.5%		97.5%	97.7%	\geq	97.8%	98.5%	98.1%	98.2%
AY294045.1	77.5%	91.2%	90.6%	90.5%																					96.3%									96.9%	97.2%		\sim	99.3%	98.9%	98.9%
F3807700.1	77.6%	91.5%	90.9%	90.9%																					96.7%	96.9%				97.0%		97.3%		97.0%	97.3%	98.5%	99.3%	\sim	99.5%	99.6%
MT603835.1	77.8%	91,5%	91.2%	91,1%																					96.6%	96.9%	97.0%	97.0%		97.0%		97.3%		96.8%	97.1%		98.9%	99.5%	\geq	99.6%
VT603826.1	77.6%	91.5%	90.9%	90.9%				93.7%	94.0%	93.8%	93.7%	93.6%	94.0%	95.6%			92.8%			93.3%	94,6%	94.5%	94.2%	95.5%	96.6%	97.0%	97.1%	97.1%	97.1%	97.1%		97.4%		96.8%		98.2%	98.9%	99.6%	99.6%	\sim

<u><그림 1-87> Homology distance of SMV isolates.</u>







<그림 1-89> Candidate primer and probe sets of SMV.

1. SMV-3,297 F:

5'-TTTGTXXXXTGAATGACAAATTXXXXXTGGCATA - 3'

- 2. SMV-3,524 P:
 - 5'- AGT XXX ACC TAA XXX ATG TAA GAA XXX CAC [FAM-dT] T [THF] T [BHQ1-dT] CAA AAA XXX GAC CAG -3' Spacer C
- 3. SMV- 3,665 R:

5'-GATTATXXXXXATGTTCACCAGXXXXXAAACTATATCAC-3'



<그림 1-90> RPA exo primer & probe set of SMV isolates.

reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.8 ul
SMV 3297F	0.7 ul
SMV 3665R	0.7 ul
SMV 3524P 1pM	0.4 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	0.7 ul
Total	20 ul



<그림 1-91> Reaction composition of RPA and specificity of SMV primer and probe. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, DW; Distilled water.

reagent	volu	ıme		
2x R Buffer	10 ul	80 ul		
100 mM dNTP	0.7 ul	5.6 ul		
10x B	2 ul	16 ul		
20x B	1 ul	8 ul		
50x B	0.4 ul	3.2 ul		
RT	0.4 ul	3.2 ul		
SMV 3297F	0.7 ul	5.6 ul		
SMV 3665R	0.7 ul	5.6 ul		
SMV 3524P 1pM	0.3 ul	2.4 ul		
MgOAc	1.6 ul	12.8 ul		
RNA	1.0 ul	1.0 ul		
DW	1.2 ul	9.6 ul		
Total	20	ul		

No	Bacteria	result
1	Brevibacterium casei	Negative
2	Micrococcus luteus	Negative
3	Streptococcus pyogenes	Negative
4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
5	Serratia marcescens	Negative
6	Enterobacter aerogenes	Negative
7	Klebsiella oxytoca	Negative
8	Staphylococcus warneri	Negative
9	Proteus mirabilis	Negative
10	Citrobacter freundii	Negative
11	Enterococcus faecalis	Negative
12	Streptococcus agalactiae	Negative
13	Staphylococcus epidemidis	Negative
14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
15	Propionibacterium acnes	Negative
16	Dermabacter homins	Negative
17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
18	Distilled water	Negative
Positive control	SMV DNA	Positive



<<u> <그림 1-92> RPA Exo-RT reaction of primer probe set of SMV with several bacteria.</u>

<그림 1-93> Synthetic target gene of SMV primer set.



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
SMV 3297F	0.7 ul
SMV 3665R	0.7 ul
SMV 3524P 1pM	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul



<그림 1-94> Limitation of Detection of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of SMV (Concentration).





<그림 1-95> Limitation of Detection of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of SMV (copies/ul).

- SMV 유전자 40건에 대한 유전자를 분석한 결과 3개의 subtype으로 나뉘었다 (그림 1-87, 88).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, SMV gene의 중간부분에서 여러 개의 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 이중에서 하나의 프라이머 프로브 세트를 선정하 여 인공합성하였다. 이 프라이머와 프로브 (Primer probe set; SMV-3297F, SMV-3524P, SMV-3665R)의 특성을 평가하였다 (그림 1-89, 90).
- RPA Exo kit를 사용하여 8가지의 작물 관련 바이러스들 (SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus)과 교차반응을 조사한 결과, SMV에만 잘 반응하였다 (그림 1-91).
- 실험실 환경 혹은 실험자로부터 검출될 가능성이 높은 17종의 박테리아의 유전자와의 반
 응성을 확인해 본 결과, 단 한 개의 박테리아와도 반응하지 않았다 (그림 1-92).
- SYMV primer probe set의 민감도를 측정하기 위하여 목표유전자를 인공합성하여 사용하였 다 (그림 1-93).
- 목표유전자를 10 ng부터 0.01 pg까지 10배 희석하여 Exo RT RPA 반응을 39℃에서 20분간
 T-8 UV Scanner에서 반응시킨 결과, 1 pg까지 반응을 하였다 (그림 1-94).
- 목표유전자를 10⁷ 부터 10⁰ 까지 10배 희석하여 Exo RT RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8
 UV Scanner에서 반응시킨 결과, 10⁷ copies/ul 만 반응을 하였다 (그림 1-95).
- 이상의 결과로 RT-RPA SMV detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-96).
- 키트안에 제품 사용 설명서 첨부하였다 (그림 1-97).
- TYMV ER-Detection Kit 완제품을 주관연구기관인 ㈜엘씨엠싸이언스의 홈페이지에 게재하

여 판매를 개시하였다 (2022. 09, 그림 1-98).



<그림 1-96> SMV ER Detection kit.

LCM Science Co., Ltd

LCM-SMV-ER-50

Soybean mosaic virus (SMV) ER-Detection Kit

50 rxn

Revision No.: LCM-SMV-ER-0001 Issue Date: Jul 24, 2022 User Manual For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.vuglobal.wavework.kr. nova3546@lcmscience.co.kr

161-10 Backto-ri Hyangnam-cup Hwaseong-si Gyeonggido South Korea.

Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 spectrene@email.com

1. General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based fluorescence monitoring.

2. Storage conditions

The kit should be kept -20°C (Full activity is guaranteed for 6 months).

3. Application

The Soybean mosaic virus (SMV) ER-Detection kit contains specially designed probe and primer set for amplification of SMV gene to detect the SMV viral RNA from specimens.

4. Product Description

Soybean mosaic virus (SMV) is a member of the plant virus genus Potyvirus (family Potyviridae). It infects mainly plants belonging to the family Fabaceae but has also been found infecting other economically important crops. SMV is the cause of soybean mosaic disease that occurs in all the soybean productions areas of the world. Soybean (Glycine max) is one of the most important sources of edible oil and proteins and pathogenic infections are responsible for annual yield losses of about \$4 billion in the United States. Among these pathogens, SMV is the most important and prevalent viral pathogen in soybean production worldwide. It causes yield reductions of about 8% to 35% but losses as high as 94% have been reported.

The virus was first reported from Connecticut in 1915 and described in 1921. Its genome is a single stranded positive sense RNA of about 9.5kb that encodes at least 11 proteins. SMV virion is non envelope, flexuous, filamentous of about 720-800 nm long and 12-15 nm in diameter. Several strains of the SMV have been fully sequenced, consisting of 9,588 nucleotides (the sequenced data can be found on GenBank).

The Sovbean mosaic virus (SMV) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use system for the detection of the Soybean mosaic virus by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx Ltd). The master contains enzymes and reagents including specific probe and primer sets which is specially designed to amplify the SMV gene for the unique amplification of Soybean mosaic virus RNA within 15-20 min.

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent	CAP	Qty / 50 rxns		
1	SMV Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl		
2	SMV Probe	PRO	1 vial, 80 µl		
3	SMV Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl		
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl		
5	5 SMV Positive control		1 vial, 50 µl		
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml		

6. Required Materials and Devices

Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner /CFX96 real time PCR/ Biological cabinet / Vortex mixer / Micropipets (0.5 – 1000 μl) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 μl) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Microcentrifuge / Biohazard waste container

7 Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

· Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits.

7.2. RPA reaction

No	Reagent	1 min	8 rxn
1	SMV Enzyme Master Mix	14.0 µl	112 µl
2	SMV Probe	1.5 µl	12.0 µl
3	SMV Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 µl	12.8 µl
5	RNA	1.0 µl	Χµl
Total		20.0 µl	160.0 µl

* Use the reagents which are stored at -20°C after spin down briefly when those are melted before use.

* Be careful of contamination when you use the positive control for amplification.

- 1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents according Priese mase the reaction management of the table below.
 Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down.
 Aliquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.
 Add positive and negative control (DW) to each PCR tube.

- * It is highly recommended that the mixture for negative control should be made separately to avoid cross contamination. 5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the
- bubble.

6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min

7) Set the program as below table.

Step	No. of Cycle	Temperature	Duration
1	40	37-40°C	30 sec

8) Plate setup

- Set the fluorophores with FAM.
 Type the sample names in the each tube.
- * Unknown: clinical sample
- Negative control
- * Positive control

8. Reading the Result



<Example of SMV RT-RPA reaction at T8 UV scanner>

Case	Positive control	Negative control	SMV RNA	Interpretation (Ct value)
1	+		+	SMV Positive
2	+	<u></u>	. <u>8</u>	SMV Negative
3	+	+	+/-	
4		•	+/-	Invalid result / retest
5			+/-	

9. Warnings and Precaution

1) For research use only

- 2) Carefully read this instruction before starting the procedure.
- 3) Clinical samples should be regarded as potentially infectious materials and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood.
 4) Do not use the kit after its expiration date written on box.
- 5) Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may cause
- wrong test result. 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the tubes before use.
- 7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.
- 8) Use always sterile pipette tips with filters.
- 9) Wear separate coats and gloves in each area.
- Collected test samples in sterile tubes.
 Test samples should be extracted immediately or frozen at -20°C to -80°C.



<그림 1-97> Insert of SMV ER Detection kit.



<그림 1-98> Contents of SMV ER Detection kit in LCM science homepage (www.lcmscience.co.kr). ■ SMV nfo detection kit - 공동연구기관 - 강원대 결과

- 1. SMVnfo-3,297 F: 5'-TTXXXAGATATGAATXXXXAATTGTATXXXXCATA - 3'
- 2. SMVnfo-3,524 P:
 - 5'- [FAM] AGT CAC XXX TAA GAA ATG XXX GAA ATA XXX T [THF] T T CAA XXX TGT XXX CAG -3' Spacer C
- 3. SMVnfo- 3,665 R:

5'- [Biotin] GA TTA XXX AGA TGT TCA XXX GAT AAA XXX TAT CAC-3'

<그림 1-99> RT-RPA nfo primer probe set of SMV.

SMV TuMV RMV BCMV SYCMV CMV DW



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
SMVnfo-3,297 F	0.8 ul
SMVnfo 3665R	0.8 ul
SMVnfo-3,524 P 10 pM	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.0 ul
Total	20 ul

<그림 1-100> Reaction composition of RPA-LFD reaction and specificity of SMVnfo primer and probe. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, DW, Distilled water.

reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
SMVnfo-3,297 F	0.7 ul
SMVnfo 3665R	0.7 ul
SMVnfo-3,524 P 10 pM	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul

<그림 1-101> Sensitivity of SMVnfo primer and probe (concentration).

0

12 C

PCRD

1 pg

+

12 C

PCRD

0.01 ng

+

12 C

PCRD

0.1 ng

+

12 C

PCRD

1 ng

+

12 C

PCRD

10 ng

+

0

12 C

PCRD

SMV RNA

+

0

PCRD

DW

12 C

0

12 C

PCRD

0.1 pg

+

2 C	2 C	2 C	2 C	2 C
PCRD	PCRD	PCRD	PCRD	PCRD
10 ⁶	10 ⁵	10 ¹	10 ⁰	DW
+	+	+	-	-

reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
SMVnfo-3,297 F	0.7 ul
SMVnfo 3665R	0.7 ul
SMVnfo-3,524 P 10 pM	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul

<그림 1-102> Sensitivity of SMVnfo primer and probe (copies/ul).

										No	Bacteria	result
		1	2	2	4	F	C			1	Brevibacterium casei	Negative
reagent	volume	1	2	3	4	5	6	+	DVV	2	Micrococcus luteus	Negative
2x R Buffer	10 ul	•	•	•	•	•	•	(\circ)		3	Streptococcus pyogenes	Negative
100 mM dNTP	0.7	Π.	T.	T.	Π.	T.			T.	4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
	0.7 ui	20	2 C	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	5	Serratia marcescens	Negative
10x B	2 ul	PO	PC	PC	PO	PO	PO	PC	PC	6	Enterobacter aerogenes	Negative
20x B	1 ul	RC	R	R	Ř	R	R	R	Ř	7	Klebsiella oxytoca	Negative
50x B	04.01	7	8	9	10	11	12	+	DW	8	Staphylococcus warneri	Negative
50X D	0.4 41	0	0	0		(.)	()	0		9	Proteus mirabilis	Negative
RT	0.4 ul									10	Citrobacter freundii	Negative
SMVnfo-3,297 F	0.7 ul	120	120	120	120	120	120			11	Enterococcus faecalis	Negative
SMVnfo 3665R	0.7 ul	T T	T T	U U	P	D D	U U U	D.	, 1 0	12	Streptococcus agalactiae	Negative
SMVnfo-3 524 P	03.01	CRE	CRE	CRD	CRE	CRE	CRE	CRE	CRE	13	Staphylococcus epidemidis	Negative
10 pM	0.5 41	13	14	15	16	17	+	DW		14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
MgOAc	1.6 ul	0	•	•	(\bullet)	(\bullet)	•	(.)	1	15	Propionibacterium acnes	Negative
RNA	1.0 ul	-	-	-	-		-	-		16	Dermabacter homins	Negative
DW	1.2 ul	120	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C		17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
Total	20 ul	PCF	PCF	PCF	PCF	PCF	PCF	PCF		18	Distilled water	Negative
		ð	õ	ð	ð	2	8	ð	-	Positive control	SMV - mRNA transcript	Positive

<그림 1-103> Specificity of SMVnfo primer and probe against the several genome of bacteria.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT SMV primer & probe set를 응용하여 PCRD nucleic acid detector를 이용한 육안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe를 합성하였다 (그림 1-99).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분-20분간 반응시킨 후 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 그림 1-100과 같이 nfo primer probe는 SMV 바이러스만을 잘 검출하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.
- 목표유전자를 10 ng부터 0.01 pg까지 10배 희석하여 Exo RT nfo RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시키고 나서 10 ul 반응액을 PCRD nucleic acid detector에 넣고 extraction buffer를 흘려보내면서 결과를 관찰하였다. 그 결과 0.1 pg 까지 반응을 하였 다 (그림 1-101).
- 목표유전자를 10⁶ 부터 10⁰ 까지 10배 희석하여 Exo RT nfo RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8
 UV Scanner에서 반응시키고 나서 10 ul 반응액을 PCRD nucleic acid detector에 넣고 extraction buffer를 흘려보내면서 결과를 관찰하였다. 그 결과 10 copies/ul 까지 반응 을 하였다 (그림 1-102).
- 실험실 환경 혹은 실험자로부터 검출될 가능성이 높은 17종의 박테리아의 유전자와의 반응
 성을 확인해 본 결과, 단 한 개의 박테리아와도 반응하지 않았다 (그림 1-103).



Reagent	Volume
2x RB	10 ul
100mM dNTP	0.6 ul
10x E. Mix	2.0 ul
20x core Mix	1.0 ul
SMVnfo-3,297 F	0.8 ul
SMVnfo 3665R	0.8 ul
RT	0.5 ul
MgOAC	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.3 ul
Total	20 ul

<그림 1-104> RPA end point reaction with primer set of SMV according to the time.



Reagent	Volume
2x RB	10 ul
100mM dNTP	0.6 ul
10x E. Mix	2.0 ul
20x core Mix	1.0 ul
SMVnfo-3,297 F	0.8 ul
SMVnfo 3665R	0.8 ul
RT	0.5 ul
MgOAC	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.3 ul
Total	20 ul

<그림 1-105> Limitation of detection of RPA end point reaction with primer set of SMV.



- <그림 1-106> Reaction composition of RPA end point reaction and specificity of SMV primer. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, TYMV; Turnip yellow mosaic virus, DW; Distilled water (negative control).
- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT SMV primer & probe set를 응용하여 syber green I을 이 용한 end point detection kit를 제작하였다.
- RPA basic kit를 이용하여 nfo kit에 사용한 primer set로 master mix 만들고 각각의 핵산 샘플을 1 ul 넣고 39℃에서 반응시켰다.
- 시간별로 RPA반응을 관찰한 결과, 5분후 부터 양성반응을 보이기 시작하였다 (그림 1-104).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁸-10⁰ copies/ul까지 단계적 희석한 후 39℃에서 15분간 반응시키고 사이버그린으로 발색을 한 후 HARU-2000으로 FAM값 을 측정하였다. 그 결과 10⁷ copies/ul까지 검출이 되었다 (그림 1-105).
- 그림 1-106와 같이 종간 특이도를 분석한 결과, nfo primer probe는 SMV 바이러스만을 잘 검출하였다 (그림 1-106).
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.

6. Soybean yellow common mosaic virus (SYCMV) - RPA probe 진단제 개발

■ 주관연구기관- (주) 엘씨엠싸이언스 연구결과

Sobemovirus 속에 분류되는 positive sense ssRNA 바이러스인 Soybean Yellow Mottle Mosaic virus(SYCMV)가 국내에서 처음 보고되고 특성화되었다. 현재, 유일한 알려진 숙주는 밝은 노 란색 모자이크와 잎의 주름을 유발하는 대두입니다. 이 바이러스는 4152개 뉴클레오티드의 단 일 양성 가닥 RNA 게놈을 가지고 있습니다. 이 바이러스는 P1(78-566 nt), 다단백질 ORF2a(524 -2248 nt), 폴리머라제 도메인 ORF2b(1852-3417 nt) 및 CP(3227-4030 nt)를 인코딩하는 4개의 추정되는 오픈 리딩 프레임을 포함합니다. SYCMV의 전체 염기서열은 이전에 알려진 11종의 소 베모바이러스와 31.2-71.3%의 염기 동일성을 보였다. 7과에 속하는 21종과 3개의 서로 다른 Nicotiana tabacum 품종에 바이러스를 접종한 SYCMV의 기주 범위 분석에서 SYCMV는 Glycine max 및 G. soja만 감염시키는 좁은 기주 범위를 보였습니다.





<그림 1-107> Genetic map, symptom, model of SYCMV.

	LC564976.1	LC564975.1	LC511743.1	LC564974.1	LC128415.1	LC128414.1	LC128413.1	MK660377.1	MK660376.1	MK660374.1	MK660373.1	MK660372.1	MK660371.1	MK660370.1	MK660375.1	MW079232.1	LC128416.1	LC128417.1	LC128418.1	LC128412.1
LC564976.1	$>\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!\!$	99.8%	99.8%	99.6%	95.0%	95.6%	95.9%	96.8%	96.8%	96.8%	96.8%	96.8%	96.8%	96.8%	96.8%	95.8%	96.5%	96.1%	96.1%	96.0%
LC564975.1	99.8%	$>\!$	100%	99.9%	95.3%	95.9%	96.1%	97.0%	97.0%	97.0%	97.0%	97.0%	97.0%	97.0%	97.0%	96.0%	96.8%	96.4%	96.4%	96.3%
LC511743.1	99.8%	100%	$>\!$	99.9%	95.3%	95.9%	96.1%	97.0%	97.0%	97.0%	97.0%	97.0%	97.0%	97.0%	97.0%	96.0%	96.8%	96.4%	96.4%	96.3%
LC564974.1	99.6%	99.9%	99.9%	$>\!$	95.1%	95.8%	96.0%	96.9%	96.9%	96.9%	96.9%	96.9%	96.9%	96.9%	96.9%	95.9%	96.6%	96.3%	96.3%	96.1%
LC128415.1	95.0%	95.3%	95.3%	95.1%	$>\!$	98.9%	99.1%	95.9%	95.9%	95.9%	95.9%	95.9%	95.9%	95.9%	95.9%	95.4%	96.4%	96.9%	96.1%	96.5%
LC128414.1	95.6%	95.9%	95.9%	95.8%	98.9%	$>\!$	99.8%	96.5%	96.5%	96.5%	96.5%	96.5%	96.5%	96.5%	96.5%	96.0%	97.0%	97.5%	96.8%	97.1%
LC128413.1	95.9%	96.1%	96.1%	96.0%	99.1%	99.8%	$>\!$	96.8%	96.8%	96.8%	96.8%	96.8%	96.8%	96.8%	96.8%	96.3%	97.3%	97.8%	97.0%	97.4%
MK660377.1	96.8%	97.0%	97.0%	96.9%	95.9%	96.5%	96.8%	$>\!$	100%	100%	100%	100%	100%	100%	99.3%	96.8%	97.5%	97.3%	97.0%	97.1%
MK660376.1	96,8%	97.0%	97.0%	96,9%	95.9%	96.5%	96.8%	100%	\geq	100%	100%	100%	100%	100%	99.3%	96.8%	97.5%	97.3%	97.0%	97,1%
MK660374.1	96.8%	97.0%	97.0%	96.9%	95.9%	96.5%	96.8%	100%	100%	\geq	100%	100%	100%	100%	99.3%	96.8%	97.5%	97.3%	97.0%	97.1%
MK660373.1	96,8%	97.0%	97.0%	96,9%	95.9%	96.5%	96.8%	100%	100%	100%	$>\!$	100%	100%	100%	99.3%	96.8%	97.5%	97.3%	97.0%	97,1%
MK660372.1	96.8%	97.0%	97.0%	96.9%	95.9%	96.5%	96.8%	100%	100%	100%	100%	$>\!$	100%	100%	99.3%	96.8%	97.5%	97.3%	97.0%	97.1%
MK660371.1	96,8%	97.0%	97.0%	96,9%	95.9%	96.5%	96.8%	100%	100%	100%	100%	100%	\geq	100%	99.3%	96.8%	97.5%	97.3%	97.0%	97,1%
MK660370.1	96.8%	97.0%	97.0%	96.9%	95.9%	96.5%	96.8%	100%	100%	100%	100%	100%	100%	$>\!$	99.3%	96.8%	97.5%	97.3%	97.0%	97.1%
MK660375.1	96,8%	97.0%	97.0%	96,9%	95.9%	96.5%	96.8%	99.3%	99.3%	99.3%	99.3%	99.3%	99.3%	99.3%	\geq	97.0%	97.8%	97.5%	97.3%	97.4%
MW079232.1	95.8%	96.0%	96.0%	95.9%	95.4%	96.0%	96.3%	96.8%	96.8%	96.8%	96.8%	96.8%	96.8%	96.8%	97.0%	$>\!$	98.8%	97.3%	97.0%	97.1%
LC128416.1	96.5%	96.8%	96.8%	96.6%	96.4%	97.0%	97.3%	97.5%	97.5%	97.5%	97.5%	97.5%	97.5%	97.5%	97.8%	98.8%	$>\!$	98.0%	97.5%	97.6%
LC128417.1	96.1%	96.4%	96.4%	96.3%	96.9%	97.5%	97.8%	97.3%	97.3%	97.3%	97.3%	97.3%	97.3%	97.3%	97.5%	97.3%	98.0%	$>\!$	98.3%	98.4%
LC128418.1	96.1%	96.4%	96.4%	96.3%	96.1%	96.8%	97.0%	97.0%	97.0%	97.0%	97.0%	97.0%	97.0%	97.0%	97.3%	97.0%	97.5%		$>\!$	99.6%
LC128412.1	96.0%	96.3%	96 3%	96.1%	96.5%	97.1%	97 4%	97.1%	97.1%	97.1%	97.1%	97.1%	97.1%	97.1%	97.4%	97.1%	97.6%	98.4%	99.6%	\sim

<<u>-그림 1-108> Homology distance of SYCMV isolates.</u>







<그림 1-110> Candidate primer and probe sets of SYCMV.

1. SYCMV-241F:

5'-CTTTXXXXAGAGCTCTCAGTXXXXXGTACGATTGT-3'

- 2. SYCMV-346P:
 - 5'- TGG XXX AAG TAC XXX TGG CTC TCA XXX AGG [FAM-dT] A [THF] AC [BHQ1-dT] TAC CTC XXX GCC XXX-3' Spacer C
- 3. SYCMV-557R:

5'-GTATXXXXXCACTTAGTTCCXXXXXTGAAACATAA-3'

<그림 1-111> RPA exo primer & probe set of SYCMV isolates.



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
BCMV4-675 F	0.7 ul
BCMV4-822 R	0.7 ul
BCMV4-714P 1pM	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.0 ul
Total	20 ul





<그림 1-112> Reaction composition of RPA and specificity of SYCMV primer and probe. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, DW; Distilled water.

reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
SYCMV-241 F	0.7 ul
SYCMV-557 R	0.7 ul
SYCMV-346 P 1pM	1.0 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	0.5 ul
Total	20 ul

No	Bacteria	result
1	Brevibacterium casei	Negative
2	Micrococcus luteus	Negative
3	Streptococcus pyogenes	Negative
4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
5	Serratia marcescens	Negative
6	Enterobacter aerogenes	Negative
7	Klebsiella oxytoca	Negative
8	Staphylococcus warneri	Negative
9	Proteus mirabilis	Negative
10	Citrobacter freundii	Negative
11	Enterococcus faecalis	Negative
12	Streptococcus agalactiae	Negative
13	Staphylococcus epidemidis	Negative
14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
15	Propionibacterium acnes	Negative
16	Dermabacter homins	Negative
17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
18	Distilled water	Negative
Positive control	SYCMV DNA	Positive



TGAGCTTTXXXXXAGCTCTCAGTTACGAGTACGATTGTTGTT GCTTCCGAGCTAGTXXXXXXCTACTCAGTGGGCACTTGGCTG AGAGGTGTGGCTTCCAACTGXXXXXAGTACGCTTGGCTCT CAGTGAGGTATACTTACCTCCCGCCTGXXXXXCCGACACGG CAGGTAXXXTTCATATGGGTTTCCAATATGATATGGCAGATAC TGTGCCCGTAXXXXXXTAACCAGCTTTCCAATCTGCGTGGCTA CGTGTCTGGGCAGGTCTGGTCGGGTTCGTCCGGCTTATGTTT CATCAATGGAACTAAGXXXXXGATACTTCCTC

<그림 1-114> Synthetic target gene of SYCMV primer set.



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
SYCMV-241 F	0.7 ul
SYCMV-557 R	0.7 ul
SYCMV-346 P 1pM	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul



<그림 1-115> Limitation of Detection of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of SYCMV (Concentration).





<그림 1-116> Limitation of Detection of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of SYCMV (copies/ul).

- SYCMV 유전자 20건에 대한 유전자를 분석한 결과 4개의 subtype으로 나뉘었다 (그림 1-108, 109).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, SYCMV gene의 중간부분에서 여 러개의 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 이중에서 하나의 프라이머 프로브 세트를 선정 하여 인공합성하였다. 이 프라이머와 프로브 (Primer probe set; SYCMV-241F, SYCMV-346P, SYCMV-557R)의 특성을 평가하였다 (그림 1-110, 111).
- RPA Exo kit를 사용하여 6가지의 작물 관련 바이러스들 (SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus)과 교차반응을 조사한 결과, SYCMV에만 잘 반응하였다 (그림 1-112).
- 실험실 환경 혹은 실험자로부터 검출될 가능성이 높은 17종의 박테리아의 유전자와의 반
 응성을 확인해 본 결과, 단 한 개의 박테리아와도 반응하지 않았다 (그림 1-113).
- SYCMV primer probe set의 민감도를 측정하기 위하여 목표유전자를 인공합성하여 사용하였다 (그림 1-114).
- 목표유전자를 10 ng부터 0.01 pg까지 10배 희석하여 Exo RT RPA 반응을 39℃에서 20분간
 T-8 UV Scanner에서 반응시킨 결과, 1 pg까지 반응을 하였다 (그림 1-115).
- 목표유전자를 10⁶ 부터 10⁰ 까지 10배 희석하여 Exo RT RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8
 UV Scanner에서 반응시킨 결과, 1 copies/ul 까지 반응을 하였다 (그림 1-116).
- 이상의 결과로 RT-RPA SYCMV detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-117).

○ 키트안에 제품 사용 설명서 첨부하였다 (그림 1-118).

○ SYCMV ER-Detection Kit 완제품을 주관연구기관인 ㈜엘씨엠싸이언스의 홈페이지에 게재 하여 판매를 개시하였다 (2022. 09, 그림 1-119).



<그림 1-117> SYCMV ER Detection kit.

LCM Science Co., Ltd

LCM-SYCMV-ER-50

Soybean Yellow Common Mosaic virus (SYCMV) ER-Detection Kit

Revision No.: LCM-SYCMV-ER-0001 Issue Date: Jul 25, 2022 User Manual For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.vuglobal.wavework.kr. nova3546@lcmscience.co.kr

161-10 Backto-ri Hyangnam-eup Hwaseong-si Gyeonggido South Korea. Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 speegene/@gmail.com

1. General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based fluorescence monitoring.

2. Storage conditions

The kit should be kept -20°C (Full activity is guaranteed for 6 months).

3. Application

The Soybean Yellow Common Mosaic virus (SYCMV) ER-Detection kit contains specially designed probe and primer set for amplification of SYCMV gene to detect the SYCMV viral RNA from specimens.

4. Product Description

Soybean yellow common mosaic virus (SYCMV), a positive sense ssRNA virus classified in the genus Sobemovirus, was first reported and characterized in Korea. Currently, its only known host is soybean on which it causes bright yellow mosaic and crinkling of the leaves. The virus has a single, positive-strand RNA genome of 4152 nucleotides. The virus contains four putative open reading frames encoding P1 (78-566 nt), polyprotein ORF2a (524-2248 nt), polymerase domain ORF2b (1852-3417 nt), and CP (3227-4030 nt). The entire nucleotide sequence of SYCMV showed 31.2-71.3% nucleotide identity with the previously known eleven species of sobemovirus. In host range analysis of SYCMV, in which twenty one species and three different Nicotiana tabacum cultivars belonging to seven families were inoculated with the virus, SYCMV had a narrow host range, infecting only Glycine max and G. soja.

The Soybean Yellow Common Mosaic virus (SYCMV) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use system for the detection of the Soybean Yellow Common Mosaic virus by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx Ltd). The master contains enzymes and reagents including specific probe and primer sets which is specially designed to amplify the SYCMV gene for the unique amplification of Soybean Yellow Common Mosaic virus RNA within 15-20 min.

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent	CAP	Qty / 50 rxns
1	SYCMV Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl
2	SYCMV Probe	PRO	1 vial, 80 µl
3	SYCMV Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl
5	SYCMV Positive control	POS	1 vial, 50 µl
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml

6. Required Materials and Devices

Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner /CFX96 real time PCR/ Real unit r CK system of To (or Tro) UV scanner /CFX30 real time r CK/ Biological cabinet / Vortex mixer / Micropiets (0.5 – 1000 µl) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 µl) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Microcentrifuge / Biohazard waste container

7. Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

 Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits

7.2. RPA reaction

No	Reagent	1 rxn	8 rxn
1	SYCMV Enzyme Master Mix	14.0 µl	112 µi
2	SYCMV Probe	1.5 µl	12.0 µl
3	SYCMV Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 µl	12.8 µl
5	RNA	1.0 µl	X μl
Total		20.0 µl	160.0 µ

50 mm

* Use the reagents which are stored at -20°C after spin down briefly when

those are melted before use. * Be careful of contamination when you use the positive control for

plificatio

- 1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents according Presse make the reaction instance on rec. Sits wen the reagants accord to the table below.
 Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down.
 Aliquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.

- 4) Add positive and negative control (DW) to each PCR tube. * It is highly recommended that the mixture for negative control should be made separately to avoid cross contamination
- 5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the bubble.

6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min

7) Set the program as below table.

Step	No. of Cycle	Temperature	Duration
1	40	37-40°C	30 sec

8) Plate setup

- Set the fluorophores with FAM.
 Type the sample names in the each tube.
- Unknown: clinical sample
- * Negative control * Positive control

8. Reading the Result



<Example of SYCMV RT-RPA reaction at T8 UV scanner>

Case	Positive control	Negative control	SYCMV RNA	Interpretation (Ct value)
1	+			SYCMV Positive
2	+	. a		SYCMV Negative
3	+	+	+/-	6.55
4	1.00	+	+/-	Invalid result / retest
5	1	1 i 4 1	+/-	

9. Warnings and Precaution

1) For research use only.

- 2) Carefully read this instruction before starting the procedure.
- 3) Clinical samples should be regarded as potentially infectious m and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood. aterials
- 4) Do not use the kit after its expiration date written on box.5) Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may cause
- wrong test result.
- 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the tubes before use.
- 7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.

- 8) Use always sterile pipette tips with filters.
 9) Wear separate coats and gloves in each area.
 10) Collected test samples in sterile tubes.
 11) Test samples should be extracted immediately or frozen at -20°C to -80°C.



<그림 1-118> Insert of SYCMV ER Detection kit.



<그림 1-119> Contents of SYCMV ER Detection kit in LCM science homepage (www.lcmscience.co.kr). ■ SYCMV nfo detection kit - 공동연구기관 - 강원대 결과

- 1. SYCMVnfo-241 F: 5'-CTTTXXXCAGAGCTXXXXXTACGAGXXXGATTGT- 3'
- 2. SYCMVnfo-346P:
 - 5'- [FAM] TGG XXX XXX TAC GCT TGG XXX TCA GTG AGG TA [THF] AC T TAC CTC CCC GCC XXX-3' Spacer C
- 3. SYCMVnfo-557R:
 - 5'- [Biotin] GTAXXXAGACACTTAGTTXXXTTGATGAAACAXXXA-3'

<그림 1-120> RT-RPA nfo primer p	probe	set	of	SYCMV.
--------------------------------	-------	-----	----	--------

SMV	TuMV	RMV	BCMV	SYCMV	CMV S	SYMMV	DW
		•		(\bullet)	(\bullet)	•	•
I .			12	12	12	12	12
P	P P	P P	P	P	c P(c PC	e PC
CRE	CRE	CRD	CRD	CRD	CRD	CRD	CRD

reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2.0 ul
20x B	1.0 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
SYCMVnfo-241F	0.7 ul
SYCMVnfo-557R	0.7 ul
SYCMVnfo-346 P 10 pM	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul

<그림 1-121> Reaction composition of RPA-LFD reaction and specificity of SYCMVnfo primer and probe. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, DW; Distilled Water.

reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2.0 ul
20x B	1.0 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
SYCMVnfo-241F	0.7 ul
SYCMVnfo-557R	0.7 ul
SYCMVnfo-346 P 10 pM	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul



<그림 1-122> Sensitivity of SYCMVnfo primer and probe (concentration).

									reagent	volume
									2x R Buffer	10 ul
	1								100 mM dNTP	0.7 ul
									10x B	2.0 ul
	•	(\circ)	(\circ)	(\circ)	(\circ)	(\circ)	(\circ)		20x B	1.0 ul
									50x B	0.4 ul
									RT	0.4 ul
1	2 C	2 C	2 C	2 C	2 C	120	120	12 C	SYCMVnfo-241F	0.7 ul
	-	-	-	-					SYCMVnfo-557R	0.7 ul
	CRI	CRI	CRI	PCRI		PCR	PCR	PCRI	SYCMVnfo-346 P 10 pM	0.3 ul
		0	U	U					MgOAc	1.6 ul
	10 ⁶	10 ⁵	104	10 ³	10 ²	10 ¹	10º	DW	RNA	1.0 ul
	+	+	+	+	+	+	+	-	DW	1.2 ul
									Total	20 ul

<<u> <그림 1-123> Sensitivity of SYCMVnfo primer and probe (copies/ul).</u>

										No	Bacteria	result
										1	Brevibacterium casei	Negative
reagent	volume	1	2	3	4	5	6	+	-	2	Micrococcus luteus	Negative
2x R Buffer	10 ul									3	Streptococcus pyogenes	Negative
100 mM dNTP	0.7 ul	•	•	•	•	•	•	•	•	4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
10v B	2.0	T	Īī	T.	1	I i	1	1	T z	5	Serratia marcescens	Negative
IUX D	2.0 UI	- c	- c	2 C	ĉ	C C	C C	C C	i c	6	Enterobacter aerogenes	Negative
20x B	1.0 ul	PCF	PCF	PCF	PCF	РСБ	РСБ	PCR	PCR	7	Klebsiella oxytoca	Negative
50x B	0.4 ul	~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~	8	9	10	 11	12	+	-	8	Staphylococcus warneri	Negative
RT	0.4 ul	2								9	Proteus mirabilis	Negative
	0.7	0	Ú	U	Ŭ	C		C		10	Citrobacter freundii	Negative
SYCIVIVIIO-241F	0.7 ui		T	T	1	1	12	12	12	11	Enterococcus faecalis	Negative
SYCMVnfo-557R	0.7 ul	- c	°C	0	° T		C F	C F	n	12	Streptococcus agalactiae	Negative
SYCMVnfo-346 P	0.3 ul	PCRI	PCRI	CRI	CRI	CRI	CRE	CRE	CRE	13	Staphylococcus epidemidis	Negative
10 pM		13	14	15	16	17	+	-		14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
MgOAc	1.6 ul	-			•					15	Propionibacterium acnes	Negative
RNA	1.0 ul		~	-	-		-	-		16	Dermabacter homins	Negative
DW	1.2 ul	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C		17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
Total	20 ul	PCR	PCR	PCR	PCR	CR	CR	CRI		18	Distilled water	Negative
		Ŭ		0	0	9		0		Positive control	SYCMV - mRNA transcript	Positive

- <그림 1-124> Specificity of SYCMVnfo primer and probe against the several genome of bacteria.
- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT SYCMV primer & probe set를 응용하여 PCRD nucleic acid detector를 이용한 육안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe를 합성하였다 (그림 1-120).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분-20분간 반응시킨
 후 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 그림 1-121과 같이 nfo primer probe는 SYCMV 바이러스만을 잘 검출하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.
- 목표유전자를 10 ng부터 0.01 pg까지 10배 희석하여 Exo RT nfo RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시키고 나서 10 ul 반응액을 PCRD nucleic acid detector에 넣고 extraction buffer를 흘려보내면서 결과를 관찰하였다. 그 결과 0.01 pg 까지 반응을 하였 다 (그림 1-122).
- 목표유전자를 10⁶ 부터 10⁰ 까지 10배 희석하여 Exo RT nfo RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시키고 나서 10 ul 반응액을 PCRD nucleic acid detector에 넣고 extraction buffer를 흘려보내면서 결과를 관찰하였다. 그 결과 1 copies/ul 까지 반응을 하였다 (그림 1-123).
- 실험실 환경 혹은 실험자로부터 검출될 가능성이 높은 17종의 박테리아의 유전자와의 반응
 <u>성을 확인해 본 결과, 단 한 개의 박테리아와도 반응하지 않았다 (그림 1-124).</u>

■ SYCMV end point detection kit - 위탁연구기관 - 전남대 결과



Reagent	Volume
2x RB	10 ul
100mM dNTP	0.6 ul
10x E. Mix	2.0 ul
20x core Mix	1.0 ul
SYCMVnfo-241F	0.8 ul
SYCMVnfo-557R	0.8 ul
RT	0.5 ul
MgOAC	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.3 ul
Total	20 ul

<그림 1-125> RPA end point reaction with primer set of SYCMV according to the time.



<그림 1-126> Limitation of detection of RPA end point reaction with primer set of SYCMV.



- <그림 1-127> Reaction composition of RPA end point reaction and specificity of SYCMV primer. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, TYMV; Turnip yellow mosaic virus, DW; Distilled water (negative control).
- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT BCMV primer & probe set를 응용하여 syber green |을 이용한 end point detection kit를 제작하였다.
- RPA basic kit를 이용하여 nfo kit에 사용한 primer set로 master mix 만들고 각각의 핵산 샘플을 1 ul 넣고 39℃에서 반응시켰다.
- 시간별로 RPA반응을 관찰한 결과, 10분후 부터 양성반응을 보이기 시작하였다 (그림 1-125).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul까지 단계적 희석한 후 39℃에서 20분간 반응시키고 사이버그린으로 발색을 한 후 HARU-2000으로 FAM값 을 측정하였다. 그 결과 10⁴ copies/ul까지 검출이 되었다 (그림 1-126).
- 그림 1-127와 같이 종간 특이도를 분석한 결과, nfo primer probe는 SYCMV 바이러스만을 잘 검출하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.

7. Soybean yellow mottle mosaic virus (SYMMV) - RPA probe 진단제 개발

■ 주관연구기관- ㈜ 엘씨엠싸이언스 연구결과

대두(Glycine max L. Merr.)는 세계에서 가장 중요한 콩과작물 중 하나이지만 다양한 바이러스 종에 감염되어 수확량과 품질에 심각한 손실을 초래하는 것으로 보고되었습니다. 대두 황색 반 점 모자이크 바이러스(SYMMV)는 감마카르모바이러스(Tombusviridae 계통) 속의 새로운 구성원 입니다. 북미와 한국에서 대두를 감염시킨 것으로 처음 보고되어 반점, 모자이크, 주름 등의 증상을 유발하고 식물 생장을 심각하게 억제하였다. 테스트한 콩과 식물 중 G. soja(야생 대 두)의 1/3 이상이 SYMMV를 함유하고 있어 야생 대두가 SYMMV의 저장소로서 중요한 역할을 했음 을 나타냅니다. 야생 대두는 빠르면 7월 중순에 SYMMV에 감염될 수 있습니다. G. soja에서 SYMMV의 초기 감염과 높은 감염률 및 종자 전파의 결과를 고려할 때, 야생 대두는 바이러스의 질병 주기를 완료하는 데 중요한 역할을 했을 수 있습니다.



<그림 1-128> The natural hosts of Soybean yellow mottle mosaic virus. A: Glycine soja, B: Vigna angularis var. nipponensis, C: Lespedeza cuneata, D: Trifolium repens. .



<<u> <그림 1-129> Homology distance of SYMMV isolates.</u>



<그림 1-130> Phylogenic tree of SYMMV genes.



<<u>-그림 1-131> Candidate primer and probe sets of SYMMV (A) and SYMMV2 (B).</u>

(A)

1. SYMMV-236F:

5'-ATACXXXXXXTGGGGAACTCTTXXXXCTAATA - 3'

- 2. SYMMV-297P:
 - 5'-TGC XXX TAT CGC XXX GAC ACT XXX CCC AAG [FAM-dT] GA [THF] CC [BHQ1-dT] GCA XXX TTC AAT XXX - C3 Spacer
- 3. SYMMV-387R: 5'- GATCTXXXAATTAATGAGTXXXXXCATATCATAC -3'

(B)

1. SYMMV2-2458F:

5'- TCACXXXXXTATTAATTTTAXXXXXGACGCAAT - 3'

- 2. SYMMV2-2524P:
 - 5'- ACA TAA XXX CTG CCA XXX TTC TAG XXX TTT [FAM-dT] C [THF] A [BHQ1-dT] TGC XXX TCC AAC XXX -C3 Spacer

3. SYMMV2-2652R:

5'- TATAXXXXXTATCTTAGACGTAXXXXXGTGTGTTA -3'

<그림 1-132> RPA exo primer & probe sets of SYMMV isolates.




<그림 1-133> Reaction composition of RPA and specificity of SYMMV primer and probe. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, DW; Distilled water.



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
Cos-SYMMV2-2458 F	0.7 ul
Cos-SYMMV2-2652 R	0.7 ul
SYMMV2-2524 P 1pM	0.1 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.0 ul
Total	20 ul





<그림 1-134 RPA Exo-RT reaction of primer probe set of SYMMV with several bacteria.

<그림 1-135> Synthetic target gene of SYMMV primer set.



<그림 1-136> Limitation of Detection of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of SYMMV (Concentration).

5000 -		Tube Overlay - FAM		Tube 1	2x R Buff	er	10 ul	
4500 -	-			- Tube 1 - Tube 2 - Tube 3	100 mM	dNTP	0.7 ul	
4000 -	-			Tube 4 Tube 5	10x B		2 ul	
2500	-			Tube 6	20x B		1 ul	
3500 -	-			Tube 8	50x B		0.4 ul	
3000 -	-				RT		0.4 ul	
2500 -	-				Cos-SYM	MV2-2458 F	0.7 ul	
2000 -		and the second se	******		Cos-SYM	MV2-2652 R	0.7 ul	
1500 - 1000 -			****		SYMMV2 1pM	-2524 P	0.3 ul	
500 -					MgOAc		1.6 ul	
0 -				11	RNA		1.0 ul	
8:4	17:00 +60 +120 +180 +240 +300 +360 +420 +480) +540 +600 +660 +720 +780 +840 +4	100 +960 +1020 +1080 +1140 +1	200 +1260	DW		2.0 ul	
					Total		20 ul	
	10 ⁶	1()5	1	04		10 ³	
500 - 450 -	Table 1- Table 1	- 1744 500	Nor 2	500 - Te	de 3 - Fabe 3	F00 f00	Tube 4 - Tube 4	 FWI FOE
4000 3600		400 1860		400 500 -		4001 1600		
3000		2000		200		200		
1000		300 190		2000 1500 1600		1000 		
0 1-0 m	-14 -48 -20 -208 -108	500	-12 -03 -038	50		900 9 0+f(0) -ile	48 - 470 - 490	+38
	10 ²	1()1		100		DW	
1000	Table 5	FART SNO FART SNO SNO SNO	anes	500 - Tai	te 7 - Tube 7	-0-FAM 0-FAD 400 400	Tabe I - Tabe I	- FAM RCC
400		400		400 700				
3000		300		300 35e		300		
3000		900 - 1580 -		3000 HSG		800		
500	The second secon			- 300- 500		900		

volume

reagent

<그림 1-137> Limitation of Detection of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of SYMMV (copies/ul).

- SYMMV 유전자 62건에 대한 유전자를 분석한 결과 2개의 subtype으로 나뉘었다 (그림 1-129, 130).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, SYMMV gene의 5'쪽에서 여러개 의 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 이중에서 하나의 프라이머 프로브 세트를 선정하여 인공합성하였다. 이 프라이머와 프로브 (Primer probe set; SYMMV-236F, SYMMV-297P, SYMMV-387R)(그림 1-131A, 132A)의 특성을 평가하였으나, 반응이 안좋아서 다시 새로운 프 로브와 프라이머를 재합성하였다 (Primer probe set; SYMMV2-2458F, SYMMV2-2524P, SYMMV2-2652R)(그림 1-131B, 132B).
- RPA Exo kit를 사용하여 7가지의 작물 관련 바이러스들 (SMV; Sovbean mosaic virus.

TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus)과 교차반응을 조사한 결과, SYMMV, CMV, SYCMV와 반응하였다 (그림 1-133). CMV와 SYCMV와 반응한 것은 검체에 교차 감염과 시료의 오염때문인 것으로 확인되어 SYMMV2 primer와 probe set의 특이도에는 문제가 없는 것으로 판단되었다.

- 실험실 환경 혹은 실험자로부터 검출될 가능성이 높은 17종의 박테리아의 유전자와의 반
 응성을 확인해 본 결과, 단 한 개의 박테리아와도 반응하지 않았다 (그림 1-134).
- SYMMV primer probe set의 민감도를 측정하기 위하여 목표유전자를 인공합성하여 사용하였다 (그림 1-135).
- 목표유전자를 10 ng부터 0.01 pg까지 10배 희석하여 Exo RT RPA 반응을 39℃에서 20분간
 T-8 UV Scanner에서 반응시킨 결과, 1 pg까지 반응을 하였다 (그림 1-136).
- 목표유전자를 10⁶ 부터 10⁰ 까지 10배 희석하여 Exo RT RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8
 UV Scanner에서 반응시킨 결과, 10³ copies/ul 만 반응을 하였다 (그림 1-137).
- 이상의 결과로 RT-RPA SYMMV detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-138).
 키트안에 제품 사용 설명서 첨부하였다 (그림 1-139).
- TYMV ER-Detection Kit 완제품을 주관연구기관인 ㈜엘씨엠싸이언스의 홈페이지에 게재하 여 판매를 개시하였다 (2022. 09, 그림 1-140).



<그림 1-138> SYMMV ER Detection kit.

LCM Science Co., Ltd

LCM-SYMMV-ER-50

Soybean Yellow Mottle Mosaic virus(SYMMV) ER-Detection Kit

Revision No 1 CM-SYMMV-FR-0001 Issue Date: Jul 25, 2022 User Manual For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.yuglobal.wayework.kr, nova3546@lcmscience.co.kr

161-10 Backto-ri Hyangnam-cup Hwascong-si Gyconggido South Korea.

Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 speegene@gmail.com

1. General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based fluorescence monitoring.

2 Storage conditions

The kit should be kept -20°C (Full activity is guaranteed for 6 months).

3. Application

The Soybean Yellow Mottle Mosaic virus(SYMMV) ER-Detection kit contains specially designed probe and primer set for amplification of SYMMV gene to detect the SYMMV viral RNA from specimens,

4. Product Description

Soybean (Glycine max L. Merr.) is one of the most important leguminous crops in the world, but various virus species have been reported to infect it and to cause serious losses in yield and quality. Soybean yellow mottle mosaic virus (SYMMV) is a new member of the genus Gammacarmovirus (family Tombusviridae). It was first reported to be infecting soybean in North America and South Korea, where it caused mottling, mosaic, and crinkling symptoms and severely inhibited plant growth. Among legume plants tested, more than a third of G. soja (wild soybean) contained SYMMV, indicating thatthe wild soybean played an important role as a reservoir of SYMMV. Wild soybeans may be infected withSYMMV as early as mid-July. Considering the results of early infection and the high infection rate of seedand seed transmission of SYMMV in G. soja, wild soybeans may have played an important role in the completion of disease cycle of the virus.

The Soybean Yellow Mottle Mosaic virus(SYMMV) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use system for the detection of the Soybean Vellow Mottle. Mosaic virus by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx Ltd). The master contains enzymes and reagents including specific probe and primer sets which is specially designed to amplify the SYMMV gene for the unique amplification of Soybean Yellow Mottle Mosaic virusRNA within 15-20 min.

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent	CAP	Qty / 50 rxns
1	SYMMV Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl
2	SYMMV Probe	PRO	1 vial, 80 µl
3	SYMMV Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl
5	SYMMV Positive control	POS	1 vial, 50 µl
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml

6. Required Materials and Devices

Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner /CFX96 real time PCR/ Biological cabinet / Vortex mixer / Micropipets (0.5 – 1000 μl) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 μl) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Microcentrifuge / Biohazard waste container

7. Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

• Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits.

7.2. RPA reaction

No	Reagent	1 rxn	8 rxn
1	SYMMV Enzyme Master Mix	14.0 µl	112 µl
2	SYMMV Probe	1.5 µl	ابر 12.0
3	SYMMV Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 µl	12.8 µl
5	RNA	1.0 µl	X µl
Total		20.0 µl	160.0 µl

50 mm

* Use the reagents which are stored at -20°C after spin down briefly when those are melted before use. * Be careful of contamination when you use the positive control for

- amplification.
- 1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents according to the table below. 2) Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down.
- 3) Aliquot 19 µl of master mixture to each PCR tube.
- Add positive and negative control (DW) to each PCR tube.
 It is highly recommended that the mixture for negative control should be made separately to avoid cross contamination. 5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the
- 6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min 7) Set the program as below table.

Step	No. of Cycle	Temperature	Duration
1	40	37-40°C	30 sec

8) Plate setup

- Set the fluorophores with FAM.
- Type the sample names in the each tube.
 * Unknown: clinical sample
 * Negative control
- * Positive control

8. Reading the Result



<Example of SYMMV RT-RPA reaction at T8 UV scanner>

Case	Positive control	Negative control	SYMMV RNA	Interpretation (Ct value)
1	+		+	SYMMV Positive
2	•			SYMMV Negative
3	+	+	+/-	
4	2.0	+	+/-	Invalid result / retest
5	(+/-	

9. Warnings and Precaution

1) For research u

- 2) Carefully read this instruction before starting the procedure.
- Clinical samples should be regarded as potentially infectious materials and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood.
- 4) Do not use the kit after its expiration date written on box
- 5) Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may cause wrong test result.
- 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the tubes before use.
 7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.
- 8) Use always sterile pipette tips with filters.
 9) Wear separate coats and gloves in each area.
- 10) Collected test samples in sterile tubes. 11) Test samples should be extracted immediately or frozen at -20°C to -80°C.





<그림 1-140> Contents of SMV ER Detection kit in LCM science homepage (www.lcmscience.co.kr). ■ SYMMV nfo detection kit - 공동연구기관 - 강원대 결과

- 1. SYMMV2-2458F: 5'- TCACXXXXATATTAATTTTAATATTXXXXXCAAT - 3'
- 2. SYMMV2nfo-2524P:
 - 5'- [FAM] ACA TAA XXX CTG CCA TTC XXX TAG CCA TTT T C [THF] A T TGC TAT TCC AAC XXX -C3 Spacer
- 3. SYMMV2nfo-2652R:
 - 5'- [Biotin] TATXXXXXCTATCTTAGACGTACXXXXXTGTGTTA -3'

<그림	1-141>	RT-RPA	nfo	primer	probe	set	of	SYMMV.

SMV	TuMV	RMV	BCMV	SYCMV	′ CMV	SYMMV	DW
12 C	12 C	12 C	12 C				
PCR	PCR	PCR	PCR	PCR	PCR	PCRI	PCRI
		D	D		0	U	U
+	-			+	-	+	-

reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
SYMMV2-2458 F	0.7 ul
SYMMV2nfo-2652 R	0.7 ul
SYMMV2nfo-2524 P	0.1 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.0 ul
Total	20 ul

<그림 1-142> Reaction composition of RPA-LFD reaction and specificity of SYMMVnfo primer and probe. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, DW, Distilled water.

reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
SYMMV2-2458 F	0.7 ul
SYMMV2nfo-2652 R	0.7 ul
SYMMV2nfo-2524 P	0.1 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.0 ul
Total	20 ul

<그림 1-143> Sensitivity of SYMMVnfo primer and probe (concentration).

106	10 ⁵	104	10 ³	10 ²	10 ¹	10 ⁰	DW
•							•
12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	2 C
PCRI	PCRI	PCRE	PCRI	PCRE	PCRE	PCRE	PCRD
+	+	+	+	+	+	-	-

10 ng

0

12 C

-

PCRD

1 ng

12 C

PCRD

0.1 ng 0.01 ng

12 C

PCRD

1 pg

.

12 C

PCRD

12 C

PCRD

0.1 pg 0.01 pg

PCRD

12 C

0

12 C

PCRD

DW

12 C

PCRD

reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
SYMMV2-2458 F	0.7 ul
SYMMV2nfo-2652 R	0.7 ul
SYMMV2nfo-2524 P	0.1 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.0 ul
Total	20 ul

<그림 1-144> Sensitivity of SYMMVnfo primer and probe (copies/ul).

										No	Bacteria	result
										1	Brevibacterium casei	Negative
reagent	volume	1	2	3	4	5	6	+		2	Micrococcus luteus	Negative
Dy D Duffer	10	()	(•)	•	(•)	(•)	(•)	(\bullet)	()	3	Streptococcus pyogenes	Negative
ZX R Duller	TO UI		~	~	-	\sim		-		4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
100 mM dNTP	0.7 ul	12	120	12	120	120	120	12 0	12 0	5	Serratia marcescens	Negative
10x B	2 ul	P	D D	P	P	P	P	P	D.	6	Enterobacter aerogenes	Negative
20x B	1 ul	CRE	CRE	CRE	CRE	CRD	CRD	CRD	CRE	7	Klebsiella oxytoca	Negative
EQU D	0.4.01	7	0	0	10	11	10			8	Staphylococcus warneri	Negative
JUX D	0.4 ui	1	8	9	10	11	12	+	-	9	Proteus mirabilis	Negative
RT	0.4 ul	(0)	•	()						10	Citrobacter freundii	Negative
SYMMV2-2458 F	0.7 ul	-	-	-		C	C		C	11	Enterococcus faecalis	Negative
SYMMV2nfo-2652 R	0.7 ul	12 0	120	120	12	12	12	12	12	12	Streptococcus agalactiae	Negative
SYMMV2nfo-2524 P	0.1 ul	PCF	PC	PCI	PC	PC	PC	PC	PC	13	Staphylococcus epidemidis	Negative
MgOAc	1.6 ul	13	2 1/1	15	8 16	R 17	면 1	8 -	R	14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
RNA	1.0 ul		14		10			T	0	15	Propionibacterium acnes	Negative
DW	2.0 ul	C	0	0	0	C	0			16	Dermabacter homins	Negative
Total	20 ul	12 0	12 0	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	120	17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
		PC	PO	PC	PC	PC	PC	PC	PC	18	Distilled water	Negative
		RE	RE	RE	RD	RD	RD	RD	RD	Positive control	SYMMV - mRNA transcript	Positive

- <그림 1-145> Specificity of SYMMVnfo primer and probe against the several genome of bacteria.
- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT SYMMV primer & probe set를 응용하여 PCRD nucleic acid detector를 이용한 육안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe를 합성하였다 (그림 1-141).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분-20분간 반응시킨 후 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 그림 1-142과 같이 nfo primer probe는 SYMMV 바이러스외에도 SYCMV, SMV도 반응하였으나 이들은 혼합감염으로 확인되었다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.
- 목표유전자를 10 ng부터 0.01 pg까지 10배 희석하여 Exo RT nfo RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시키고 나서 10 ul 반응액을 PCRD nucleic acid detector에 넣고 extraction buffer를 흘려보내면서 결과를 관찰하였다. 그 결과 0.1 pg 까지 반응을 하였 다 (그림 1-143).
- 목표유전자를 10⁶ 부터 10⁰ 까지 10배 희석하여 Exo RT nfo RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8
 UV Scanner에서 반응시키고 나서 10 ul 반응액을 PCRD nucleic acid detector에 넣고 extraction buffer를 흘려보내면서 결과를 관찰하였다. 그 결과 10 copies/ul 까지 반응 을 하였다 (그림 1-144).
- 실험실 환경 혹은 실험자로부터 검출될 가능성이 높은 17종의 박테리아의 유전자와의 반응
 <u>성을 확인해 본 결과, 단 한 개의 박테리아와도 반응하지 않았다 (그림 1-145)</u>.

■ SYMMV end point detection kit - 위탁연구기관 - 전남대 결과

	5 m	nın	10	min	15	min	20	min				SVMMAN	((Tim	o cour	<u>ر</u> م		Re
	+	-	+	-	+	-	+	-					(100	P <	ае) 0.00)01	2x
	115		i.		1	E		14		600-				R ² =	0.99	996	10
	5-	5	10	10	15 T	15	20 +	20		400							10
	V	1		1	9	1	10		value	400-							20
	-		-	-		<u>a</u> .	<u>.</u>		FAM	200-		Ť		_			SY
	-		븝	e.				5					_				SY
										0-	5(+) 5	(-) 10(+)	10/->14	5(+) 15(-)	20(+	1	RT
		V	U	۲	U	V					U(+) U	(-) 10(<i>-)</i> 1	"ime (r	nin)	20(+	,20(-)	Mg
-																	RN
Tir	me		5	min			1(0 min			15	min			20 n	nin	DV
			+		=		+		-		+					-	Tot
EA	NA	1	13		60	2	247		79	3	04	18	2	518		394	
FΑ		1	12		56	2	238		75	2	99	17	7	510		385	

Volume agent RB 10 ul 0mM dNTP 0.6 ul x E. Mix 2.0 ul x core Mix 1.0 ul MMV2-2458 F 0.7 ul MMV2nfo-2652 R 0.7 ul 0.5 ul gOAC 1.0 ul 1.0 ul IA V 2.5 ul al 20 ul

<그림 1-146> RPA end point reaction with primer set of SYMMV according to the time.



Reagent	Volume	10x
2x RB	10 ul	100
100mM dNTP	0.6 ul	6
10x E. Mix	2.0 ul	20
20x core Mix	1.0 ul	10
SYMMV2-2458 F	0.7 ul	7
SYMMV2nfo-2652 R	0.7 ul	7
RT	0.5 ul	5
MgOAC	1.0 ul	10
RNA	1.0 ul	
DW	2.5 ul	25
Total	20 ul	

<그림 1-147> Limitation of detection of RPA end point reaction with primer set of SYMMV.

1	2	3 4	1 5	5 (67	8				-		Reagent	Volume
			1-1				5	- 00 00	s riviliti v - Sp	P < 0.00	01	2x RB	10 ul
Ú !	12' I	3' 4	L' Is		1		4	00		R ² = 0.99	996	100mM dNTP	0.6 ul
1	111	11	1	1	11	2	e II 3	00-				10x E. Mix	2.0 ul
						0	M va	00-				20x core Mix	1.0 ul
	11	1	J.	R.	JE	R						SYMMV2-2458 F	0.7 ul
			13		42	11	·					SYMMV2nfo-2652 R	0.7 ul
								1 2	3 4 4	5 6 7	wo	RT	0.5 ul
									Virus	•		MgOAC	1.0 ul
No	1		2		3		А	5	6	7	8	RNA	1.0 ul
	SN4V/		TUM	/		M	RCM/	SVCMV				DW	2.5 ul
Virus	SYMM (7/15/2	V 2)	(6/3/2	, 2)	(6/3/	v 22)	(4/15/22)	SYMMV (7/15/22)	(9/13/22)	(5/25/22)	Dvv	Total	20 ul
FANA	396		168	3	18	6	178	286	228	187	194		
FAIM	400		170)	18	8	181	290	231	189	197		

- <그림 1-148> Reaction composition of RPA end point reaction and specificity of SYMMV primer. SMV; Soybean mosaic virus, TuMV;Turnip mosaic virus, RMV; Ribgrass mosaic virus, BCMV; Bean common mosaic virus, SYCMV; Soybean yellow common mosaic virus, CMV; Cucumber mosaic virus, SYMMV; Soybean yellow mottle mosaic virus, TYMV; Turnip yellow mosaic virus, DW; Distilled water (negative control).
- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT TYMV primer & probe set를 응용하여 syber green I을 이용한 end point detection kit를 제작하였다.
- RPA basic kit를 이용하여 nfo kit에 사용한 primer set로 master mix 만들고 각각의 핵산 샘플을 1 ul 넣고 39℃에서 반응시켰다.
- 시간별로 RPA반응을 관찰한 결과, 5분후 부터 양성반응을 보이기 시작하였다 (그림 1-146).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul까지 단계적 희석한 후 39℃에서 15분간 반응시키고 사이버그린으로 발색을 한 후 HARU-2000으로 FAM값 을 측정하였다. 그 결과 10⁵ copies/ul까지 검출이 되었다 (그림 1-147).
- 그림 1-148와 같이 종간 특이도를 분석한 결과, nfo primer probe는 SYMMV 바이러스만을 잘 검출하였고 혼합감염된 샘플도 잘 검출하였다.
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다 (그림 1-148).

8. Apple stem pitting virus (ASPV) - RPA probe 진단제 개발

■ 주관연구기관- ㈜ 엘씨엠싸이언스 연구결과

ASPV는 Betaflexiviridae 계통의 Foveavirus 속의 유형 종입니다. 약 9300개의 뉴클레오타이 드(nts)로 구성된 단일 가닥 양성 RNA(+ssRNA) 게놈을 보유하고 있으며, 이는 5개의 오픈 리딩 프레임(ORF, ORF1-ORF5)과 5' 비번역 영역(UTR) 및 3' UTR을 인코딩합니다. ORF1은 바이러스 RNA 의존성 RNA 중합효소(RdRP), ORF2-ORF4는 삼중 유전자 차단 단백질(TGBp1-TGBp3), ORF5는 바이러스 외피(캡시드) 단백질(CP)을 인코딩합니다. ASPV는 여러 식물 종을 감염시키고 식물 종, 품종 및 바이러스 계통/분리주에 따라 무증상에서 목부 구덩이, 상생, 쇠퇴, 정맥 황변, 잎 붉은 반점, 배 괴사 반점 또는 과실 돌 구덩이에 이르기까지 광범위한 증상을 유발합니다.





<그림 1-149> Genetic map and symptom of ASPV.

	MN6178.	KY24275	HM1251	KY08121	KY08120.	.KY08122	KY08118	KY08121	LC53383.	.KC79178	JX67380	HM1251	KC79179	KC79178	KY08121	KY08121.	KY49003.	.KC79178	KC79178.	KC79178_	KC79178.	KC79178	EU3149	KY08119.	.KY08118_	ASPV	ASPV 4	ASPV 2	KY70258	ASPV 3
MN617853.1_China_apple	$>\!$	79.7%	65.4%	65.7%	65.5%	65.4%	65.9%	64.0%	65.3%	65.8%	59.6%	59.9%	64.5%	64.7%	61.8%	63.3%	63.2%	64.1%	63.9%	63.8%	63.7%	64.2%	60.0%	59.6%	60.2%	61.0%	60.8%	60.8%	61.3%	62.4%
KY242757.1_China_apple	79.7%	$>\!$	66.7%	66.3%	65.7%	66.0%	66.1%	65.4%	65.7%	66.5%	61.6%	60.6%	65.8%	66.8%	63.1%	64.9%	64.1%	64.8%	65.0%	64.8%	64.6%	64.7%	60.6%	62.5%	61.0%	61.1%	61.5%	61.6%	62.8%	61.5%
HM125156.1_China_apple	65.4%	66.7%	\geq		91.2%	85,2%		79.3%	78.8%	80,0%	72.1%	71.9%	76.9%	75.7%	72.8%	75.0%	77.2%	76.9%	76.2%	77.1%	76.7%	76.8%	73.0%	73.4%	71.6%	71.8%	72.7%	72.8%	72.7%	71.1%
KY081213.1_China_apple	65.7%	66.3%	91.1%	\geq	97.2%	90.8%	92.0%	79.7%	78.0%	79.6%	72.4%	72.1%	77.1%	75.6%	74.2%	75.5%	76.5%	76.7%	76.0%	76.9%	76.5%	77.3%	74.0%	74.1%	72.3%	72.4%	73.4%	73.5%	73.2%	71.1%
KY081205.1_China_apple	65.5%	65.7%	91.2%	97.2%	$>\!$	90.7%	91.7%	78.6%	77.7%	79.6%	72.9%	71.6%	76.6%	74.9%	73.4%	74.9%	76.0%	76.3%	75.3%	76.5%	75.9%	76.5%	73.1%	74.4%	72.5%	72.6%	73.6%	73.7%	72.7%	70.9%
KY081220.1_China_apple	65.4%	66.0%	85.2%	90.8%	90.7%	\geq	94.6%	78.7%	77.4%	79.0%	72.6%	71.9%	75.7%	75.7%	73.5%	74.6%	76.4%	76.6%	75.3%	76.5%	76.6%	77.2%	73.7%	74.1%	72.2%	72.4%	73.2%	73.3%	73.9%	71.9%
KY081186.1_China_apple	65.9%	66.1%	87.0%	92.0%	91.7%	94.6%	\geq	78.6%	78.0%	79.1%	72.5%	71.2%	76.3%	75.4%	74.1%	74.8%	76.3%	76.4%	75.9%	76.5%	76.5%	77,1%	73.7%	73.5%	71.9%	72.0%	73.0%	73.1%	74.2%	73.3%
KY081219.1_China_apple	64.0%	65.4%	79.3%	79.7%	78.6%	78.7%	78.6%	\times	86.3%		75.6%	72.7%	76.6%	76.5%	75.9%	77.1%	77.5%	77.6%	77.6%	78.0%	77.8%	78.0%	75.1%	74.3%	73.8%	74.1%	73.7%	73.8%	75.1%	74.3%
LC533839.1_Japan_apple	65.3%	65.7%	78,8%	78.0%	77.7%	77.4%	78.0%	86.3%	\geq	90.9%	75.9%	73.6%	77.2%	74.9%	74.2%	75.8%	76.8%	77.1%	76.8%	77.7%	77.4%	77.3%	74.3%	75.9%	75.3%	75.1%	75.7%	75.8%	75.8%	73.8%
KC791787.1_Korea_apple	65.8%	66.5%	80.0%	79.6%	79.6%	79.0%	79.1%	86.2%	90.9%	\geq	75.5%	72.4%	77.1%	77.4%	74.6%	76.0%	78.3%	78.4%	78.0%	79.3%	79.0%	79.2%	76.4%	75.8%	75.4%	74.8%	75.3%	75.4%	75.4%	74.0%
JX673804.1_China_apple	59.6%	61.6%	72.1%	72.4%	72.9%	72.6%	72.5%	75.6%	75.9%	75.5%	\geq	75.3%	77.3%	74.2%	74.6%	73.4%	74.4%	75.0%	75.3%	75.1%	76.0%	75.8%	75.6%	77.8%	76.9%	77.4%	76.7%	76.8%	76.5%	73.6%
HM125159.1_China_apple	59.9%	60.6%	71.9%	72.1%	71.6%	71.9%	71.2%	72.7%	73.6%	72.4%	75.3%	\geq	80.4%	78.8%	82.5%	79.6%	80.4%	81.6%	81.3%	80.6%	80.6%	81.3%	80.4%	76.7%	75.9%	77.0%	77.0%	77.1%	78.4%	75.6%
KC791790.1_Korea_apple	64.5%	65.8%	76.9%	77,1%	76.6%	75.7%	76.3%	76.6%	77.2%	77.1%	77.3%	80.4%	\geq	82.0%	81,4%	81.9%	82.8%	83.5%	82.6%	85,1%	82.5%	82.5%	80.4%	79.0%	79.4%	78.4%	78.9%	79.0%	79.7%	78.7%
KC791786.1_Korea_apple	64.7%	66.8%	75.7%	75.6%	74.9%	75.7%	75.4%	76.5%	74.9%	77.4%	74.2%	78.8%	82.0%	\sim	82.7%	83.1%	84.0%	84.7%	85.4%	85.6%	84.6%	85.5%	82.5%	74.9%	74.6%	74.6%	75.4%	75.3%	78.7%	77.0%
KY081216.1_China_apple	61.8%	63.1%	72.8%	74.2%	73.4%	73.5%	74.1%	75.9%	74.2%	74.6%	74.6%	82.5%	81,4%	82.7%	\geq		86.7%	87,4%			86.8%			76.8%	77.3%	77.3%	77.0%	77,1%	80.6%	77.3%
KY081218_China_apple	63.3%	64.9%	75.0%	75.5%	74.9%	74.6%	74.8%	77.1%	75.8%	76.0%	73.4%	79.6%	81.9%	83.1%		\geq	86.6%							76.8%	75.2%	75.9%	76.2%	76.3%	77.9%	75.2%
KY490039.1_China_apple	63.2%	64.1%	77.2%	76.5%	76.0%	76.4%	76.3%	77.5%	76.8%	78.3%	74.4%	80.4%	82.8%	84.0%	86.7%		\geq	94.8%	88.9%	88.7%		89.6%	88.4%	78.3%	76.8%	76.3%	76.6%	76.7%	80.3%	76.0%
KC791789.1_Korea_apple	64.1%	64.8%	76.9%	76.7%	76.3%	76.6%	76.4%	77.6%	77.1%	78.4%	75.0%	81.6%	83.5%	84.7%	87.4%		94.8%	\geq		90.7%	90.5%	91.2%	89.0%	78.8%	77.4%	77.1%	77.7%	77.8%	79.9%	75.6%
KC791784.1_Korea_apple	63.9%	65.0%	76.2%	76.0%	75.3%	75.3%	75.9%	77.6%	76.8%	78.0%	75.3%	81,3%	82.6%	85.4%			88.9%	90.3%	\geq	91.4%		91.8%	90.0%	76.8%	76.0%	76.0%	77.9%	77.2%	79.7%	76.8%
KC791783.1_Korea_apple	63.8%	64.8%	77.1%	76.9%	76.5%	76.5%	76.5%	78.0%	77.7%	79.3%	75.1%	80.6%	85.1%	85.6%			88.7%	90.7%	91.4%	$\geq \leq$	91.1%	92.0%	89.9%	78.4%	77.2%	76.7%	77.5%	77.6%	80.4%	76.8%
KC791785.1_Korea_apple	63.7%	64.6%	76.7%	76.5%	75.9%	76,6%	76.5%	77.8%	77.4%	79.0%	76.0%	80.6%	82.5%	84,6%			88.7%	90.5%		91.1%	\geq	97.0%	96.2%	78.4%	77.4%	77.5%	77.0%	77.2%	79.8%	76.5%
KC791788.1_Korea_apple	64.2%	64.7%	76.8%	77.3%	76.5%	77.2%	77.1%	78.0%	77.3%	79.2%	75.8%	81.3%	82.5%	85.5%			89.6%	91.2%	91.8%	92.0%	97.0%	$>\!$	97.5%	79.1%	78.0%	77.9%	77.5%	77.6%	80.3%	77.4%
EU314950.1_China_apple	60.0%	60.6%	73.0%	74.0%	73.1%	73.7%	73.7%	75.1%	74.3%	76.4%	75.6%	80.4%	80.4%	82.5%	86.7%	85.7%	88.4%	89.0%	90.0%	89.9%	96.2%	97.5%	\geq	78.6%	77.3%	77.4%	77.1%	77.3%	79.7%	76.0%
KY081197.1_China	59.6%	62.5%	73.4%	74.1%	74.4%	74.1%	73.5%	74.3%	75.9%	75.8%	77.8%	76.7%	79.0%	74.9%	76.8%	76.8%	78:3%	78.8%	76.8%	78.4%	78.4%	79.1%	78.6%	\geq	87.9%	88.5%	87.4%	87.5%	79.7%	77.0%
KY081187.1_China_apple	60.2%	61.0%	71.6%	72.3%	72.5%	72.2%	71.9%	73.8%	75.3%	75.4%	76.9%	75.9%	79.4%	74.6%	77.3%	75.2%	76.8%	77.4%	76.0%	77.2%	77.4%	78.0%	77.3%		\geq	95.5%	94.8%	94.9%	79.0%	78.6%
ASPV	61.0%	61.1%	71.8%	72.4%	72.6%	72.4%	72.0%	74.1%	75.1%	74.8%	77.4%	77.0%	78.4%	74.6%	77.3%	75.9%	76.3%	77.1%	76.0%	76.7%	77.5%	77.9%	77.4%	88.5%	95.5%	\simeq	95.7%	95.8%	79.3%	77.7%
ASPV 4	60.8%	61.5%	72.7%	73.4%	73.6%	73.2%	73.0%	73.7%	75.7%	75.3%	76.7%	77.0%	78.9%	75.4%	77.0%	76.2%	76.6%	77.7%	77.0%	77.5%	77.0%	77.5%	77.1%	87.4%	94.8%	95.7%	\geq	99,4%	78.4%	78.8%
ASPV 2	60.8%	61.6%	72.8%	73.5%	73.7%	73.3%	73.1%	73.8%	75.8%	75.4%	76.8%	77.1%	79.0%	75.3%	77.1%	76.3%	76.7%	77.8%	77.2%	77.6%	77.2%	77.6%	77.3%	87.5%	94.9%	95.8%	99,4%	\geq	78.5%	78.9%
KY702581.1_China_apple	61.3%	62.8%	72.7%	73.2%	72.7%	73.9%	74.2%	75.1%	75.8%	75.4%	76.5%	78.4%	79.7%	78.7%	80.6%	77.9%	80.3%	79.9%	79,7%	80.4%	79.8%	80.3%	79.7%	79.7%	79.0%	79.3%	78.4%	78.5%	\geq	83.7%
ASPV 3	62.4%	61.5%	71.1%	71.1%	70.9%	71.9%	73.3%	74.3%	73.8%	74.0%	73.6%	75.6%	78.7%	77.0%	77.3%	75.2%	76.0%	75.6%	76.8%	76.8%	76.5%	77.4%	76.0%	77.0%	78.6%	77.7%	78.8%	78.9%	83.7%	> <

<그림 1-150> Homology distance of ASPV isolates.



<그림 1-151> Phylogenic tree of ASPV genes.



<그림 1-152> Candidate primer and probe set of ASPV (No.1).

1. ASPV- 652F:

5'-GTTGTTGCAAGCAATCAAAAGATAAGAGCTGTT- 3'

- 2. ASPV- 838P:
 - 5'- GTT GGA ACA ATG ATC AAG CAA ACT GAG GGG [FAM-dT] G [THF] AC [BHQ1-dT] TTG AGG CAG TAT TGT – C3 Spacer
- 3. ASPV- 985R:
 - 5'- AAGCAGCATACCTAGTTTCAAATTTAAATTCTTTA -3'

<그림 1-153> RPA exo primer & probe set of ASPV isolates (No.1).

1. ASPV2- 642F:

5'- CGTTGTGGCAAGCAATCAAAAGATAAGAGCTGTTG - 3'

- 2. ASPV2- 865P:
 - 5'- GAG GCA GTA TTG TGC CTT TTA CGC AAA GCA [FAM-dT] G [THF] C [BHQ1-dT] GGA ACC TCA TGC TGC - C3 Spacer
- 3. ASPV2- 973R:

5'- CCGCATACCTAGTTTCAAATTTAAATTCTTTACC -3'

	Tube Overlay, EAM		reagent	volume
5000 -			2x R Buffer	10 ul
4500 -		- Tube 2 Tube 3 Tube 4	100 mM dNTP	0.7 ul
4000 -	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·		10x B	2 ul
3500 -			20x B	1 ul
3000 -			50x B	0.4 ul
2500 -			RT	0.4 ul
2000 -			ASPV2- 642F	0.7 ul
1500 -			ASPV2- 973R	0.7 ul
1000 -			ASPV2- 865P 1pM	0.2 ul
500 -			MgOAc	1.6 ul
0 -			RNA	1.0 ul
2:5	2:00+80 +120 +180 +240 +300 +380 +420 +480 +540 +800 +860 +720 +780 +840 +800 +860 +1020+1080 +1140+1200+1260	í.	DW	1.3 ul
			Total	20 ul

<그림 1-154> RPA exo primer & probe set of ASPV isolates (No.2).



<그림 1-155> RPA exo reaction of primer & probe set of ASPV2 (No.2).

1. ASPV3- 135F:

5'- AGTGATTTCTCAAGTTCAATCCTTAGCTCCCATTG - 3'

- 2. ASPV3- 193P:
 - 5'- TTT TGA TCC AAA TCT GCA TGG ACG GTT GAC [FAM-dT] AA [THF] G [BHQ1-dT] ACA GAT GAG GCA G GC – C3 Spacer
- 3. ASPV3- 337R:
 - 5'- AAGGATTTGAATTCATGCTGGCATAATTGTTGTAA -3'

<그림 1-156> RPA exo primer & probe set of ASPV isolates (No.3).

							re	agent	volume
Tale 1. False 1 1	• Aur	Tabe 7. have 7.	-	fate (- fate)	• An	1001 1001	== 2x	R Buffer	10 ul
					-		10	0 mM dNTP	0.7 ul
					200 200 200		10	x B	2 ul
	30		89 92				20	Dx B	1 ul
an an an an an	1. 1.1.1		99 XIN 24 98	da da	dar ven	de de de de de	50	x B	0.4 ul
Chain S Take S	•••	-	• Tay line • Tay • Tay • Tay	1467 - 1494 1 1	* fax 100 * ice ===	felm tr. hele t	** RT		0.4 ul
							AS	SPV3-135F	0.7 ul
	10 A		**				AS	SPV3-337R	0.7 ul
ate de se ate	50 50 80% 04 46	400 400 40	100			de de do sa	AS 1p	SPV3-193P M	0.3 ul
							M	gOAc	1.6 ul
							R	NA	1.0 ul
No 3-5	3-6	3-7	3-8	과1- /	· 사과2- 시	고 3- DW	D١	N	1.2 ul
결과 -	-	-	-	-	.=		То	tal	20 ul
va va va			ular dip Tan ti han ti			-dar dar Natritarr Matritarr		da da da	
	400 300 300 200				eco		400 360 300 200 300		

No	3-9	3-21	3-22	3-23	3-24	3-25	3-38	3-39
결과	-	-	-					u n



<그림 1-157> RPA exo reaction of primer & probe set of ASPV3 (No.3).

1. ASPV4-709F:

5'- CATCAACTCACAGAGGTTGGAGTCTATTTG - 3'

- 2. ASPV4-865P:
 - 5'- GAG G CA GTA TTG TGC CTT TTA CGC AAA GCA [FAM-dT] G [THF] C [BHQ1-dT] GGA ACC TCA TGC TGC- C3 Spacer
- 3. ASPV4-969 R:

5'- ATACCTAGTTTCAAATTTAAATTCTTTACCGACC -3'

<그림 1-158> RPA exo primer & probe set of ASPV isolates (No.4).

									reagent	volume
av 1001 (1001	+ fat + koj		tant tant 1	• 144 MR • 101	Take), Take1 1	• fat 188 • fot 40	1001	100 1 - 101	2x R Buffer	10 ul
n n		ex		er 					100 mM dNTP	0.7 ul
8				*					10x B	2 ul
90				-					20x B	1 ul
ina or or or	40 (13	tala an	ar ar an	tana ar	ve sa e	in la		20 20 20	50x B	0.4 ul
se 100 S. for S	- fai		Takét Takét	e fan	Tana 7 - Itala 7 1	• Lev 30	Tain F.	Note 8	RT	0.4 ul
	• 101			•		•••		• 100	ASPV4-709F	0.7 ul
		n 20		-					ASPV4-969R	0.7 ul
				200 100 100 100 100 100 100 100 100 100					ASPV4-865P 1pM	0.3 ul
									MgOAc	1.6 ul
									RNA	1.0 ul
	3-5	3-6	3-7	3-8	사과1-	사과2-	사과3-	DW	DW	1.2 ul
	-	-	-	-		-	-	-	Total	20 ul

<그림 1-159> RPA exo reaction of primer & probe set of ASPV4 (No.4).



<그림 1-160> Real time PCR for ASPV infected samples.

- ASPV 유전자 30건에 대한 유전자를 분석한 결과 4개의 subtype으로 나뉘었다 (그림 1-150, 151).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, ASPV gene의 중간부분에서 여러

개의 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 여러 가지의 프라이머 프로브 세트를 선정하여 인공합성하였다. 프라이머와 프로브들을 평가하였으나 그림 153 - 그림 159에서 보였듯 전 혀 반응이 없었다.

Real time PCR로 RPA exo 반응에 사용한 ASPV 감염시료들을 평가한 결과, 시료들은 모두 잘 반응하고 있어 RPA probe와 primer 디자인에 실패한 것으로 결론을 내렸다 (그림 1-160).

■ ASPV end point detection kit - 위탁연구기관 - 전남대 결과

5 m	in	10 r	nin	15 r	nin	20	min							
+	-	+	-	+	-	+	Ξ				ASPV-T	ime course	2	Reag
-	- Comerty	Rep 7	Tree 1	Tr'I	The P	The P	Pin-		150-			<i>P</i> < R ² =	0.0001 0.9952	2x RI
5	-	tol	10	15	14	20	10							100n
10	Ť	+		+	-	1	10	a	100-					10x E
								1 valı					Ē	20x d
	0							FAN	50-					ASP∖
-	P.	10			K					.	5 🗂 a			ASP\
	4	1	1	1	V	1	7		0					RT
										5(+) 5(10(+)10 (-) Tim	(-)15(+)15(-)2 ne (min)	0(+)20(-)	MgC
												()		RNA
Time		5	min			10) min			15	min	20	min	DW
	H	F		-		+		-		+	-	+	-	Total
FAM	2	4	í	22		29		21		55	47	172	113	
	2	3		19		26		19		44	38	138	85	

Reagent	Volume
2x RB	10 ul
100mM dNTP	0.6 ul
10x E. Mix	2.0 ul
20x core Mix	1.0 ul
ASPV F001	0.7 ul
ASPV R001-2	0.7 ul
RT	0.5 ul
MgOAC	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.5 ul
Total	20 ul

<그림 1-161> RPA end point reaction with primer set of ASPV according to the time.



Reagent	Volume
2x RB	10 ul
100mM dNTP	0.6 ul
10x E. Mix	2.0 ul
20x core Mix	1.0 ul
ASPV F001	0.7 ul
ASPV R001-2	0.7 ul
RT	0.5 ul
MgOAC	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.5 ul
Total	20 ul

Reagent	Volume
2x RB	10 ul
100mM dNTP	0.6 ul
10x E. Mix	2.0 ul
20x core Mix	1.0 ul
ASPV F001	0.7 ul
ASPV R001-2	0.7 ul
RT	0.5 ul
MgOAC	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.5 ul
Total	20 ul







ASPV-Sensitivity 2

No	5	6	7	8	9	10	11	DW
EAN4	792	694	651	649	736	778	751	538
FAIVI	832	635	661	675	703	733	763	510



Reagent	Volume
2x RB	10 ul
100mM dNTP	0.6 ul
10x E. Mix	2.0 ul
20x core Mix	1.0 ul
ASPV F001	0.7 ul
ASPV R001-2	0.7 ul
RT	0.5 ul
MgOAC	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.5 ul
Total	20 ul

<그림 1-162> Sensitivity of RPA end point reaction with primer set of ASPV.

- ASPV를 RPA end detection kit로 검출하기 위해 F001 (AAGCATGTCTGGAACCTCATG)와 R001-2 (GATCAACTTACTAAAAAGCATAAGT)를 사용하여 증폭하고 syber green I을 첨 가하여 결과를 확인하였다.
- RPA basic kit를 이용하여 F001/R001-2 primer set로 master mix 만들고 각각의 핵산 샘플
 을 1 ul 넣고 39℃에서 반응시켰다.
- 시간별로 RPA반응을 관찰한 결과, 10분후 부터 양성반응을 보이기 시작하였다 (그림 1-161).
- ASPV end point detection kit의 민감도를 알아보기 위하여 20개의 양성 샘플과 3개의 음성 샘플을 검사한 결과, 모두 양성으로 검출되었다. 위양성이 많이 나타나고 음성대조군과의 차이도 크게 나지 않아 필드에서 쓰기에는 문제가 많은 키트로 사료되었다.

9. Peach latent mosaic viroid (PLMVd) - RPA probe 진단제 개발

■ 주관연구기관- ㈜ 엘씨엠싸이언스 연구결과

복숭아 잠복 모자이크 바이로이드(PLMVd)는 Avsunviroidae 계통에 속하는 Pelamoviroid 속의 종입니다. 이 속은 귀상어 리보자임을 가진 클로로플라스틱 바이로이드를 가지고 있는 것이 특 징입니다. 복숭아 잠복 모자이크 바이로이드는 336-351 nt의 원형 RNA로 가지가 형성되어 있습 니다. 이 분기된 형성은 두 키스 루프 사이의 유사 매듭에 의해 안정화됩니다. 복숭아 잠복 모 자이크 바이로이드는 1980년대 스페인의 과학자 그룹에 의해 처음 기술되었습니다. 유럽, 아시아, 북미, 남미 등 전 세계 복숭아 및 천도 복숭아 생산 지역에 분포하며 자연 감염 빈도가 높습니다. 증상이 나타나기 전에 질병은 약 5-7년 동안 복숭아 나무에 잠복합니다. 질병의 증상에는 새싹 괴사, 싹 발달 지연, 가지 괴사, 나무의 조기 노화, 꽃 줄무늬, 숙성 변 형, 둥근 돌 확대, 과일 껍질의 원형 변색 영역 및 경우에 따라 모자이크, 반점, 정맥 줄무늬 또는 감염된 잎에 옥양목 모양 등이 있다 (<u>https://en.wikipedia.org/wiki/Peach_latent_mosaic_viroid</u>).





<그림 1-163> The symptom and genetic structure of PLMVd.

PLM	MVd	KY35524_	MG3865	PLMVd	MZ2209	KY35529	EF59186	. KY35528.	KY35525.	MH9748	KY35528.	MK2120	EF15129	.HQ3428	KY35522	AJ55090	KY35517_	GQ8721.	EU7088.	. DQ6807	KY35517	EU7088	JF89881	JF89879	JF89879	MH9748.	MH9748	MH9748	EF15129	PLMVd	LC57992
PLMVd_seed_34	\times	80.9%	80.9%	81.8%	80.3%	80.3%	80.6%	80.3%	80.9%	80.6%	80.6%	82.4%	81.5%	81.7%	82.0%	81.1%	82.1%	82.9%	82.6%	82.6%	82.1%	81.5%	80.9%	81.2%	81.8%	80.3%	79.9%	80.2%	80.8%	82.9%	84.4%
KY355248.1_Korea_Prunus 8	0.9%	$>\!\!\!<$	96.1%	95.9%	96.4%	96.7%	96.4%	96.4%	96.4%	97.0%	96.7%	96.1%	96.1%	92.9%	92.3%	92.6%	93.5%	93.8%	95.0%	95.3%	93.5%	93.8%	94.1%	94.4%	93.8%	94.1%	92.7%	91.9%	92.5%	95.0%	93.2%
MG386500.1_Korea_Prun. 8	0.9%	96.1%	\geq	97.6%	96.7%	97.0%	97.9%	96.7%	97.3%	97.3%	97.0%	93.8%	96.1%	92.0%	91.2%	91.7%	92.9%	93.2%	93.8%		92.9%	94.1%	93.5%	93.8%		93.8%	92.4%	91.6%	92.8%	94.4%	92.6%
PLMVd_CNU_2 8	1.8%	95.9%	97.6%	$>\!\!<$	96.4%	96.7%	97.3%	96.4%	96.7%	97.0%	96.7%	93.8%	96.2%	93.8%	92.6%	93.2%	94.4%	94.7%	95.6%	95.0%	94.4%	95.9%	94.7%	95.0%	94.4%	95.3%	92.5%	93.1%	94.6%	95.9%	94.1%
MZ220904.1:_Canada_Pr 8	10.3%	96.4%	96.7%	96.4%	\geq	99.7%	98.8%	98.8%	98.8%	99.4%	99.1%	94.3%	97.3%	92.0%	91.7%	92.3%	94.1%	94.4%	95.0%	94.7%	94.1%	94.4%	95.8%	96.1%	95.5%	95.3%	93.9%		92.5%	95.0%	93.2%
KY355298.1_Korea_Prunus 8	0.3%	96.7%	97.0%	96.7%	99.7%	$>\!$	99.1%	99.1%	99.1%	99.7%	99.4%	94.3%	97.3%	92.0%	91.7%	92.3%	94.1%	94.4%	95.0%	94.7%		94.4%	95.8%	96.1%	95.5%	95.0%	93.6%	92.8%	92.5%	95.0%	93.2%
EF591865.1_China_Prunus 8	0.6%	96.4%	97.9%	97.3%	98.8%	99.1%	$>\!$	98.8%	99.4%	99.4%	99.1%	94.0%	97.0%	92.3%	91.4%	92.0%	93.8%	94.1%	94.7%	94.4%	93.8%	95.0%	95.5%	95.8%	95.2%		92.7%	91.9%		94.7%	92.9%
KY355284.1_Korea_Prunus 8	0.3%	96.4%	96.7%	96.4%	98.8%	99.1%	98.8%	\geq	98.8%	99.4%	99.1%	94.0%	97.0%	92.0%	91.7%	92.3%	93.8%		94.7%	94,4%	93.8%		95.5%	95.8%	95.2%		92.7%	91.9%	92.2%	94.7%	92.9%
KY355256.1_Korea_Prunus 8	0.9%	96.4%	97.3%	96.7%	98.8%	99.1%	99.4%	98.8%	\geq	99.4%	99.7%	94.3%	97.0%	92.0%	92.0%	92.0%	94.1%	94.4%	95.0%	94.7%	94.1%	94.7%	95.8%	96.1%	95.5%	94.4%		92.2%	93.1%	94.7%	93.5%
MH974829.1_China_Prun 8	0.6%	97.0%	97.3%	97.0%	99.4%	99.7%	99.4%	99.4%	99.4%	$>\!$	99.7%	94.6%	97.6%	92.3%	92.0%	92.6%	94,4%		95.3%	95.0%	94.4%		96.1%	96.4%	95.8%			92.5%	92.8%	95.3%	93.5%
KY355288.1_Korea_Prunus 8	0.6%	96.7%	97.0%	96.7%	99.1%	99.4%	99.1%	99.1%	99.7%	99.7%	$>\!$	94.6%	97.3%	92.3%	92.3%	92.3%	94,4%		95.3%	95.0%	94,4%		96.1%	96.4%	95.8%			92.5%		95.0%	93.8%
MK212044.1_Spain_Prun 8	2.4%	96.1%	93.8%	93.8%	94.3%	94.3%	94.0%	94.0%	94.3%	94.6%	94.6%	\geq	96.1%	91.7%	91.7%	92.0%		94.4%	94.7%	95.3%		94.4%		93.8%	93.8%	93.8%		93.4%		95.6%	93.5%
EF151292.1_Serbia_Prun 8	1.5%	96.1%	96.1%	96.2%	97.3%	97.3%	97.0%	97.0%	97.0%	97.6%	97.3%	96.1%	\geq	93.2%			95.6%	95.9%	96.2%	96.2%	96.2%	96.4%	96.2%	95.9%	95.3%	95.0%		92.8%	94.3%	96.5%	94.7%
HQ342883.1_Iran_Prunus 8	1.7%		92.0%	93.8%	92.0%	92.0%	92.3%	92.0%	92.0%	92.3%	92.3%	91.7%		\geq	97.0%	98.2%	94.4%	94.7%	95.6%	95.0%	94.4%	95.3%	94.4%	94.7%			90.4%	90.7%	92.8%	94.4%	92.9%
KY355223.1_Korea_Prunus 8	2.0%	92.3%	91.2%	92.6%	91.7%	91.7%	91.4%	91.7%	92.0%	92.0%	92.3%	91.7%		97.0%	\geq	98.5%	94.1%	93.8%	94.1%		94.4%					92.6%	89.5%	90.1%	93.4%	94.1%	92.9%
AJ550905.1_Italy_Prunus 8	11.1%	92.6%	91.7%		92.3%	92.3%	92.0%	92.3%	92.0%	92.6%	92.3%	92.0%	94.1%	98.2%	98.5%	\geq	94.4%	94.7%	95.0%	95.0%	94.7%	95.0%	94.4%	94.4%	93.8%		90.1%	90.7%	93.7%	95.0%	93.2%
KY355179.1_Korea_Prunus 8.	12.1%			94.4%	94.1%	94.1%	93.8%	93.8%	94.1%	94.4%	94.4%		95.6%	94.4%		94.4%	> <	97.9%	98.2%	98.2%	98.8%	97.9%	97.3%	97.6%	97.1%	95.6%	92.8%	93.4%	94.9%	97.1%	95.6%
GQ872132.1_Italy_Prunus 8:	2.9%			94.7%	94.4%	94.4%			94.4%		94.7%		95.9%			94.7%	97.9%	\geq	98.5%	98.5%	97.9%	98.2%	97.6%	97.9%	98.5%	95.9%		94.9%	95.2%	97.3%	96.5%
EU708820.1_Turkey_Prun. 8	12.6%			95.6%	95.0%	95.0%			95.0%	95.3%	95.3%		96.2%	95.6%		95.0%	98.2%	98.5%	\geq	99,4%	98.2%	98.5%	98.2%	98.5%	97.9%				95.5%	97.6%	96.2%
DQ680734.1_Tunisia_Pru. 83	2.6%			95.0%		94.7%	94.4%	94.4%	94.7%		95.0%	95.3%	96.2%			95.0%	98.2%	98.5%	99.4%	\geq	98.2%	98.5%	97.9%	98.2%	97.6%	96.2%			95.5%	97.6%	96.2%
KY355174.1_Korea_Prunus 8	2.1%			94.4%						94.4%	94,4%		96.2%	94.4%	94,4%		98.8%	97.9%	98.2%	98.2%	\geq	98.5%	97.9%	97.6%	97.1%		92,8%		95.2%	97.1%	95.6%
EU708824.1_Turkey_Prun. 8	1.5%			95.9%	94.4%	94.4%	95.0%		94.7%			94.4%	96.4%			95.0%	97.9%	98.2%	98.5%	98.5%	98.5%	\geq	98.2%	97.9%	97.3%				96.7%	97.3%	95.9%
JF898818.1_China_Prunus 8	0.9%				95.8%	95.8%	95.5%		95.8%	96.1%	96.1%		96.2%	94.4%		94.4%	97.3%	97.6%	98.2%	97.9%	97.9%	98.2%	$>\!$	99.7%	99.1%	95.6%			94.9%	96.8%	95.3%
JF898798.1_China_Prunus 8	1.2%	94.4%	93.8%	95.0%	96.1%	96.1%	95.8%	95.8%	96.1%	96.4%	96.4%	93.8%	95.9%			94.4%	97.6%	97.9%	98.5%	98.2%	97.6%	97.9%	99.7%	\geq	99.4%	95.9%			94.9%	97.1%	95.6%
JF898792.1_China_Prunus 8	1.8%			94.4%	95.5%	95.5%			95.5%	95.8%	95.8%	93.8%	95.3%			93.8%	97.1%	98.5%	97.9%	97.6%	97.1%	97.3%	99.1%	99.4%	$>\!\!\!>$	95.3%	94.3%		94.3%	96.5%	95.6%
MH974826.1_China_Prun 8	0.3%		93.8%	95.3%	95.3%	95.0%			94.4%	94.7%	94.7%	93.8%	95.0%		92.6%		95.6%	95.9%	96.2%	96.2%	95.6%	95.9%	95.6%	95.9%	95.3%	\geq	96.0%	97.0%	94.3%	96.4%	95.0%
MH974841.1_China_Prun 7	9.9%	92.7%	92.4%	92.5%	93.9%	93.6%	92,7%	92.7%						90.4%	89.5%	90.1%	92.8%	94.3%		93.4%	92.8%		93.4%		94.3%	96.0%	$>\!$	99.1%		95.2%	93.7%
MH974840.1_China_Prun 8	0.2%	91.9%	91.6%			92.8%	91.9%	91.9%	92.2%	92.5%	92.5%	93.4%	92.8%	90.7%	90.1%	90.7%	93.4%	94.9%	94.0%	94.0%	93.4%		93.4%		94.3%	97.0%	99.1%	$>\!$	93.7%	95.8%	94.3%
EF151297.1_Serbia_Prun 8	0.8%	92.5%	92.8%	94.6%	92.5%	92.5%		92.2%		92.8%			94.3%	92.8%	93.4%		94.9%	95.2%	95.5%	95.5%	95,2%	96.7%	94.9%	94.9%	94.3%	94.3%			$>\!$	97.6%	95.8%
PLMVd_754 8:	2.9%	95.0%	94.4%	95.9%	95.0%	95.0%	94.7%	94.7%	94.7%	95.3%	95.0%	95.6%	96.5%	94.4%		95.0%	97.1%	97.3%	97.6%	97.6%	97.1%	97.3%	96.8%	97.1%	96.5%	96.4%	95.2%	95.8%	97.6%	$>\!\!<$	97.6%
LC579922.1 China Prunus 8	14.4%		92 644	94.1%	93.2%	93.74	97 96		93.5%		93.8%		94.7%		92 966		95.6%	96.5%	96.2%	96.2%	95.6%	95.9%	95.3%	95.6%	95.6%	95.0%		94 346	95.8%	97.6%	><

<그림 1-164> Homology distance of PLMVd isolates.



<그림 1-165> Phylogenic tree of PLMVd genes.



<그림 1-166> Candidate primer and probe sets of PLMVd.

1. PLMVd-84F:

5'- TGAAAXXXXXCGAAACTCTTTXXXXXATAAGTTT - 3'

- 2. PLMVd-250P:
 - 5'- AAG CAC XXX GCA ATG XXX TAA GGT GGG XXX [FAM-dT] T [THF] CC [BHQ1-dT] TCT XXX ACC XXX CGG - C3 Spacer
- 3. PLMVd-340R:

5'- GTAATXXXXTTCTACGGCGXXXXXTGGATCACAC -3'





<그림 1-168> Gel electrophoresis of PCR reaction of PLMVd primer set for infected peach samples.



<그림 1-169> RPA Exo-RT reaction of PLMVd primer probe set with infected peach samples.

reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 <mark>ul</mark>
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
PLMVd-84F	0.7 ul
PLMVd-340R	0.7 ul
PLMVd-250P 1pM	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul

No	Bacteria	result
1	Brevibacterium casei	Negative
2	Micrococcus luteus	Negative
3	Streptococcus pyogenes	Negative
4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
5	Serratia marcescens	Negative
6	Enterobacter aerogenes	Negative
7	Klebsiella oxytoca	Negative
8	Staphylococcus warneri	Negative
9	Proteus mirabilis	Negative
10	Citrobacter freundii	Negative
11	Enterococcus faecalis	Negative
12	Streptococcus agalactiae	Negative
13	Staphylococcus epidemidis	Negative
14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
15	Propionibacterium acnes	Negative
16	Dermabacter homins	Negative
17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
18	Distilled water	Negative
Positive control	PLMVd DNA	Positive





<그림 1-170> RT-RPA reaction of PLMVd primer probe set with several bacteria.

TCTCTGAAAXXXXXCGAAACTCTTTTAACCCATAAGTTTCGCC GTATCTCAACGGCTCATCAGTGGGCTAAGCCCAGACTTATGA GAGAGTTGGTTACCXXXXXXXCTCCACCTTGGGGTGCCCTA TTCGAAXXXXTGCAGGTCTCGATAGAAAGGCTAAGCACCT CGCAATGAGGTAAGGTGGGACTXXXXXCTGGAACCAAGC GGTTGGTTCCGAGGGGGGGTGTGATCCAGXXXXXGCCGTAGA AACTGGATTAC

<그림 1-171> Synthetic target gene of PLMVd primer set.



reagent	volume			
2x R Buffer	10 ul			
100 mM dNTP	0.7 ul			
10x B	2 ul			
20x B	1 ul			
50x B	0.4 ul			
RT	0.4 ul			
PLMVd-84F	0.7 ul			
PLMVd-340R	0.7 ul			
PLMVd-250P 1pM	0.3 ul			
MgOAc	1.6 ul			
RNA	1.0 ul			
DW	1.2 ul			
Total	20 ul			



<그림 1-172> Limitation of Detection of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of PLMVd (Concentration).



reagent	volume
2x R Buffer	10 ul
100 mM dNTP	0.7 ul
10x B	2 ul
20x B	1 ul
50x B	0.4 ul
RT	0.4 ul
PLMVd-84F	0.7 ul
PLMVd-340R	0.7 ul
PLMVd-250P 1pM	0.3 ul
MgOAc	1.6 ul
RNA	1.0 ul
DW	1.2 ul
Total	20 ul



<그림 1-173> Limitation of Detection of RPA Exo-RT reaction with primer probe set of PLMVd (copies/ul).

- PLMVd 유전자 31건에 대한 유전자를 분석한 결과 3개의 subtype으로 나뉘었다 (그림 1-164, 165).
- Primer 3 프로그램을 이용하여 primer를 디자인 한 결과, PLMVd gene의 중간 영역에 여러

개의 프라이머와 프로브 세트가 생성되어 이중에서 하나의 프라이머 프로브 세트를 선정하 여 인공합성하였다. 이 프라이머와 프로브 (Primer probe set; PLMVd-84F, PLMVd-250P, PLMVd-340R)(그림 1-166, 167)의 특성을 평가하였다.

- 전남대로부터 PCR 결과 양성으로 판정된 샘플과 음성 샘플 (그림 1-168)을 받아서 RT-RPA
 반응을 관찰하였다. 19개의 양성 샘플 중에서 16개에 대하여 양성을 보였다. 민감도가
 16/19 (84.2%)였다 (그림 1-169).
- 실험실 환경 혹은 실험자로부터 검출될 가능성이 높은 17종의 박테리아의 유전자와의 반
 응성을 확인해 본 결과, 단 한 개의 박테리아와도 반응하지 않았다 (그림 1-170).
- PLMVd primer probe set의 민감도를 측정하기 위하여 목표유전자를 인공합성하여 사용하
 였다 (그림 1-171).
- 목표유전자를 10 ng부터 0.01 pg까지 10배 희석하여 Exo RT RPA 반응을 39℃에서 20분간
 T-8 UV Scanner에서 반응시킨 결과, 1 pg까지 반응을 하였다 (그림 1-172).
- 목표유전자를 10⁶ 부터 10⁰ 까지 10배 희석하여 Exo RT RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8
 UV Scanner에서 반응시킨 결과, 10⁶ copies/ul 만 반응을 하였다 (그림 1-173).
- 이상의 결과로 RT-RPA PLMVd detection kit에 대한 시제품을 제작하였다 (그림 1-174).
 키트안에 제품 사용 설명서 첨부하였다 (그림 1-175).
- PLMVd ER-Detection Kit 완제품을 주관연구기관인 ㈜엘씨엠싸이언스의 홈페이지에 게재 하여 판매를 개시하였다 (2022. 09, 그림 1-176).



<<u> <그림 1-174> PLMVd ER Detection kit.</u>

LCM Science Co., Ltd

LCM-PLMVd-ER-50

Peach latent mosaic viroid (PLMVd) ER-Detection Kit

Revision No 1 CM-PI MVd-ER-0001 Issue Date: Jul 25 2022 User Manual For Research Use Only

Manufactured by LCM Science Co., Ltd

Tel: +82-02-1588-3546 www.yuglobal.wayework.kr, nova3546@lcmscience.co.kr

161-10 Backto-ri Hyangnam-cup Hwaseong-si Gyeonggido South Korea.

Technical Support by SpeegeneBio Co., Ltd

Tel: +82-31-8018-2150 speegene@email.com

1. General Information

The isothermal TwistAmp technology is based on the Recombinase Polymerase Amplification (RPA) process developed by TwistDx Ltd. The amplification products generated by RPA can be detected in real time by probe-based fluorescence monitoring.

2. Storage conditions

The kit should be kept -20°C (Full activity is guaranteed for 6 months).

3. Application

The Peach latent mosaic viroid (PLMVd) ER-Detection kit contains specially designed probe and primer set for amplification of PLMVd gene to detect the PLMVd viral RNA from specimens.

4. Product Description

Peach latent mosaic viroid (PLMVd) is a species of the genus Pelamoviroid, which belongs to the family Avsunviroidae. This family is characterized as having chloroplastic viroids with hammerhead ribozymes. Peach latent mosaic viroid is a 336-351nt circular RNA which has a branched formation. This branched formation is stabilized by a pseudoknot between two kissing loops. Peach latent mosaic viroid was first described in the 1980s in Spain by a group of scientists

It is present in all peach- and nectarine-producing areas of the world including Europe, Asia, North America and South America and the frequency of naturally occurring infection is high. Before the development of symptoms the disease is latent in peach trees for approximately 5-7 years. The symptoms of the disease include necrosis of buds, delayed shoot development, necrotic branches, premature ageing of trees, flower streaking, ripening deformations, enlarged rounded stones, circular discoloured areas on the fruit skin and in some cases mosaic, blotch, vein banding or calico appearance on infected leaves

The Peach latent mosaic viroid (PLMVd) ER-Detection kit contains a specific ready-to-use system for the detection of the Peach latent mosaic viroid by newly developed isothermal gene amplification technology, called RPA method (TwistDx Ltd). The master contains enzymes and reagents including specific probe and primer sets which is specially designed to amplify the PLMVd gene for the unique amplification of Peach latent mosaic viroid RNA within 15-20

5. Kit Contents

Number	Name of Reagent	CAP	Qty / 50 rxns		
1	PLMVd Enzyme Master Mix	ENZ	1 vial, 780 µl		
2	PLMVd Probe	PRO	1 vial, 80 µl		
3	PLMVd Primer Mix	PRM	1 vial, 70 µl		
4	280 mM Magnesium acetate	Mg	1 vial, 90 µl		
5	PLMVd Positive control	POS	1 vial, 50 µl		
6	Molecular Grade Water	DW	1 vial, 1 ml		

6. Required Materials and Devices

Real time PCR system or T8 (or T16) UV scanner /CFX96 real time PCR/ Biological cabinet / Vortex mixer / Micropipets (0.5 – 1000 μl) / Sterile filter tips (10, 20, 200, 1000 μl) / Sterile microtubes / Refrigerator / Freezer / Tube racks / Microcentrifuge / Biohazard waste container

7. Procedure

7.1 Viral RNA-Extraction

· Viral RNA extraction kits are available from various manufactures. You can use your own extraction systems or commercial kits.

7.2. RPA reaction

No	Reagent	1 rxn	8 rxn
1	PLMVd Enzyme Master Mix	14.0 µl	112 µi
2	PLMVd Probe	1.5 µl	12.0 µl
3	PLMVd Primer Mix	1.4 µl	11.2 µl
4	280 mM Magnesium Acetate	1.6 µl	12.8 µl
5	RNA	1.0 µl	X µl
Total		20.0 µl	160.0 µl

50 rxn

* Use the reagents which are stored at -20°C after spin down briefly when those are melted before use. * Be careful of contamination when you use the positive control for

amplification.

1) Please make the reaction mixture on ice. Mix well the reagents according the table below.

- to the table below. 2) Mix well by tapping 5 times or vortexing briefly and then spin down.

- 3) Aliquet 19 µl of master mixture to each PCR tube.
 4) Add positive and negative control (DW) to each PCR tube.
 * It is highly recommended that the mixture for negative control should be made separately to avoid cross contamination. 5) Close the lid of PCR tube and then spin down briefly to remove the
- bubble.
- 6) Real time RT-RPA reaction should be done at least 20 min.

7) Set the program as below table.

Step	No. of Cycle	Temperature	Duration
1	40	37-40°C	30 sec

- 8) Plate setup Set the fluorophores with FAM. Type the sample names in the each tube.

 - * Negative control
 - * Positive control

8. Reading the Result



<Example of PLMVd RT-RPA reaction at T8 UV scanner>

Case	Positive control	Negative control	PLMVd RNA	Interpretation (Ct value)
1	+	10	+	PLMVd Positive
2	*	•2		PLMVd Negative
3	+	+	+/-	
4	-	*	+/-	Invalid result / retest
5		- 42	+/-	

9. Warnings and Precaution

1) For research use only.

- 2) Carefully read this instruction before starting the procedure.
- Clinical samples should be regarded as potentially infectious materials and prepared the RPA reaction mixture in a laminar flow hood.
- 4) Do not use the kit after its expiration date written on box.
- 5) Avoid repeated thawing and freezing of the reagents, this may cause wrong test result
- 6) Once the reagents have been thawed, vortex, and spin down briefly the tubes before use.
 7) Prepare quickly the reaction mixture on ice.
- Use always sterile pipette tips with filters.
 Wear separate coats and gloves in each area.
- 10) Collected test samples in sterile tubes. 11) Test samples should be extracted immediately or frozen at -20°C to -80°C.



<그림 1-175> Insert of PLMVd ER Detection kit.

				SCIENCE STATE L (ST. LIKE)					LCM SCIENCE Linder Sol, mer
Peach Peach	latent mosaic virc h latent mosaic viroid (Pl	oid (PLMV .MVd) 복숭아 (d) ER-D ete ^{달재} 모자이크 바이	ction Kit 로이드		사용 목적			
2	30	Constant And and the set of the set of the set of the set of the set of the s	Nee von Die von and Station Romer Alges Schertzertung von Aufstenden Aussenden	1840 25 6 29 generati 2 1978 2325 1990 25 6 29 generati 2 1978 2325	Pea 개발 RPA	ch latent mosaic viroid 한 RPA (Recombinase P 에서 생성된 중폭 산물은 프	(PLMVd) ER-Detection K olymerase Amplification 로브 기반 형광 모니터링을 통	t는 TwistDx Ltd.에서 를 기반으로 한 제품입니다. 해 설시간으로 PLMVd를 검출	하는 분자진단제입니다.
-		 B. S.A. BARK, MICH. 41 (2) B. S.A. BARK CONTINUE For your TO-APPLO ALL SECTION (2) 	A Calcido - Miller MUNA & BA en Anadicatori (C FCR Roy) - M en Confectori (C FCR Roy) - M en Confectori (C Martin Schultz	le A等単 non elfonecia A 国家公司安立, series martempentane, AFA (明月		제품특징			
Manager Hall		CONTRACTOR	**************************************	-H 91 TH H 9 (199 10)	* 2	0분내 빠른 검사 결과 확인			
L'o Pl			1991 av 2017 av 1990	2 987 707 57 69 41 590 7 68.	• •	만편한 사용법			
6.5		Peach latent mos	aic viroid (PLM\/d) ER-I	etection Kitle	• 1	바른 시간대비 높은 민감도			
					제품	설명서			
제품 사태	_			SCIENCE 31/97/A ICUMUTE			LCM Science Co., Ltd	Med Coloman (1) Now.	
제품프곡		r117					Constant of the second	1 00-00-0100 % 10 0. 00-010 7 00 0.0 1 00-010 10 0. 1 00-000 0.0 1 00-00000 0.0 1 00-000 0.0 1 00-0000 0.0 1 00-000000 0.0 1 00-0000000000000000000000000000000	
김세	SYMMV 감염의접	작출 미)					 Count 1 - arts 	 A set of the set of	
민감도	90%	~()					Chang carlan Boldarion Control and control Significa State and an Albert State, and the Sant	Conserving Conferences and The Con- Marco de Antonio Conferences and The Conference In the Conference of the Conference of the Conference In the Conference of the Conference	
특이도	100%						 A start of a single of a sing	All and a second	
보관온도	-20°C						(a) A second value is a second of the second second value is a second value of the second value is a second value of the se	Aller and a second seco	
							Bernstein auf der Bestehlung und der Bestehlten anderen Bestehlten auf der Bestehlten anderen Bestehlten	And	
주문 정보							Indiana Analasa Analasa Analasa Analasa Analasa Analasa Analasa Analasa Analasa Analasa Analasa Analasa Analasa Analasa	010	
Cat. No.	제품명	보관온도	Test/Kit	가격			A provincial of the second	1 Young a Character 1 Young a	
LCM-PLMVd -ER-50	Peach latent mosaic viroid (PLMVd) ER- Detection Kit	-20°C	50T/Kit	₩600,000 (VAT 별도)			Frank Street Land, and Street Street 1 March Street 1 March Street	In the second se	

<그림 1-176> Contents of PLMVd ER Detection kit in LCM science homepage (www.lcmscience.co.kr). ■ PLMVd nfo detection kit - 공동연구기관 - 강원대 결과

1. PLMVdnfo-84F:

5'- TGAAATXXXXXCGAAACTCTTTXXXXXXATAAGTTT - 3'

- 2. PLMVdnfo-250P:
 - 5'- [FAM] AAG CAC XXX GCA ATG XXX TAA GGT XXX ACT TT [THF] CC TTCT XXX ACC XXX CGG - C3 Spacer
- 3. PLMVdnfo-340R:
 - 5'- [Biotin]GTAAXXXGTTTCTXXXGCGGTACXXXGATCAXXX -3'

<그림 1-177> RT-RPA nfo primer probe set of PLMVd.

•	•	•	•	•	•	\bigcirc	•
12 C	12 C						
PCRD	PCRD						
1	2	3	4	5	6	+Ctrl 1 ng/ul	DW
+	+	+	-	+	+	+	-

No. 1

Reagent	Volume	x8
R.Buffer	29.5 ul	240
PLMVdnfo 84F	2.1	16.4
PLMVdnfo-250P	0.5	4.0
PLMVdnfo-340R	2.1	16.4
RT	1.0	8.0
RNA	2.0	-
DW	10.3	82.4
MgOAc	2.5	20
Total	50 ul	48 ul

No. 2



No. 3



<그림 1-178> RT-RPA nfo reaction with several PLMVd infected samples.


<그림 1-179> Sensitivity of PLMVdnfo primer and probe (concentration).

•		•			•	•	•
12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	12 C	12C	12 C
CRD	CRD	CRD	CRD	CRD	CRD	CRD	CRD
10 ⁶	10 ⁵	104	10 ³	10 ²	10 ¹	10º	DW
+	+	+	+W	-	-	-	n e

<그림 1-180> Sensitivity of PLMVdnfo primer and probe (copies/ul).

Reagent	Volume
R.Buffer	29.5 ul
PLMVdnfo 84F	2.1
PLMVdnfo-250P	0.5
PLMVdnfo-340R	2.1
RT	1.0
RNA	2.0
DW	10.3
MgOAc	2.5
Total	50 ul

No	Bacteria	result
1	Brevibacterium casei	Negative
2	Micrococcus luteus	Negative
3	Streptococcus pyogenes	Negative
4	Streptococcus mitis/oralis	Negative
5	Serratia marcescens	Negative
6	Enterobacter aerogenes	Negative
7	Klebsiella oxytoca	Negative
8	Staphylococcus warneri	Negative
9	Proteus mirabilis	Negative
10	Citrobacter freundii	Negative
11	Enterococcus faecalis	Negative
12	Streptococcus agalactiae	Negative
13	Staphylococcus epidemidis	Negative
14	Enterobacter cloacae ssp cloacae	Negative
15	Propionibacterium acnes	Negative
16	Dermabacter homins	Negative
17	Stenotrophomonas maltophilia	Negative
18	Distilled water	Negative
Positive control	PLMVd - mRNA transcript	Positive





- <그림 1-181> Specificity of PLMVdVnfo primer and probe against the several genome of bacteria.
- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT PLMVd primer & probe set를 응용하여 PCRD nucleic acid detector를 이용한 육안 결과 관찰이 가능한 nfo primer probe를 합성하였다 (그림 1-177).
- 해당 바이러스의 핵산을 nfo kit의 master mix에 1 ul 넣고 39℃에서 15분-20분간 반응시킨 후 PCRD 샘플 주입구에 10 ul 넣고 90 ul wash buffer로 흘려주면서 결과를 관찰하였다.
- 19개의 양성샘플에 대한 RPA nfo 반응을 확인한 결과, 18개가 양성을 보여 94.7%의 민감도 를 보였다 (그림 1-178)

○ 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.

- 목표유전자를 10 ng부터 0.01 pg까지 10배 희석하여 Exo RT nfo RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시키고 나서 10 ul 반응액을 PCRD nucleic acid detector에 넣고 extraction buffer를 흘려보내면서 결과를 관찰하였다. 그 결과 0.01 pg 까지 반응을 하였 다 (그림 1-179).
- 목표유전자를 10⁶ 부터 10⁰ 까지 10배 희석하여 Exo RT nfo RPA 반응을 39℃에서 20분간 T-8 UV Scanner에서 반응시키고 나서 10 ul 반응액을 PCRD nucleic acid detector에 넣고 extraction buffer를 흘려보내면서 결과를 관찰하였다. 그 결과 1000 copies/ul 까지 반 응을 하였다 (그림 1-180).
- 실험실 환경 혹은 실험자로부터 검출될 가능성이 높은 17종의 박테리아의 유전자와의 반응
 성을 확인해 본 결과, 단 한 개의 박테리아와도 반응하지 않았다 (그림 1-181).

■ PLMVd end point detection kit – 위탁연구기관 - 전남대 결과



Reagent	Volume
2x RB	10 ul
100mM dNTP	0.6 ul
10x E. Mix	2.0 ul
20x core Mix	1.0 ul
PLMVdnfo-84F	0.7 ul
PLMVdnfo-340R	0.7 ul
RT	0.5 ul
MgOAC	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.5 ul
Total	20 ul

<그림 1-182> RPA end point reaction with primer set of PLMVd according to the time.



<그림 1-183> Limitation of detection of RPA end point reaction with primer set of PLMVd (copies/ul).

Reagent	Volume
2x RB	10 ul
100mM dNTP	0.6 ul
10x E. Mix	2.0 ul
20x core Mix	1.0 ul
PLMVdnfo-84F	0.7 ul
PLMVdnfo-340R	0.7 ul
RT	0.5 ul
MgOAC	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.5 ul
Total	20 ul





No	1	2	3	4	5	6	7	DW
	264	268	274	196	383	305	275	194
FAIVI	235	238	248	170	336	272	246	171

8	9	10	11	12	13	14	DW





No	8	9	10	11	12	13	14	DW
EAN4	309	346	305	290	312	280	330	205
FAIVI	291	324	287	273	292	266	313	194

Reagent	Volume
2x RB	10 ul
100mM dNTP	0.6 ul
10x E. Mix	2.0 ul
20x core Mix	1.0 ul
PLMVdnfo-84F	0.7 ul
PLMVdnfo-340R	0.7 ul
RT	0.5 ul
MgOAC	1.0 ul
RNA	1.0 ul
DW	2.5 ul
Total	20 ul







No	15	16	17	18	19	20	DW
	147	174	145	155	144	168	119
FAIVI	133	157	133	142	135	157	108

10 ul D.6 ul 2.0 ul 1.0 ul
2.6 ul 2.0 ul 1.0 ul
2.0 ul 1.0 ul
1.0 ul
0.7 ul
0.7 ul
0.5 ul
1.0 ul
1.0 ul
2.5 ul
20 ul

<그림 1-184> RPA end point reaction with field samples infected with PLMVd.

- 엘씨엠싸이언스에서 개발한 Exo RT PLDVd primer & probe set를 응용하여 syber green I을 이용한 end point detection kit를 제작하였다.
- RPA basic kit를 이용하여 nfo kit에 사용한 primer set로 master mix 만들고 각각의 핵산 샘플을 1 ul 넣고 39℃에서 반응시켰다.
- 시간별로 RPA반응을 관찰한 결과, 5분후 부터 양성반응을 보이기 시작하였다 (그림 1-182).
- 최소검출한계를 알아보기 위하여 인공합성한 양성대조군을 10⁶-10⁰ copies/ul까지 단계적 희석한 후 39℃에서 15분간 반응시키고 사이버그린으로 발색을 한 후 HARU-2000으로 FAM값 을 측정하였다. 그 결과 10⁶ copies/ul까지 검출이 되었다 (그림 1-183).
- 19개의 양성샘플에 대한 RPA nfo 반응을 확인한 결과, 19개가 양성을 보여 100%의 민감도를 보였다 (그림 1-184)
- 음성대조군인 증류수는 반응하지 않았다.

■ 공동연구기관-강원대 추가 연구결과

1. 진단 대상 식물바이러스 수집, 바이러스 핵산 분리 및 보관 (RMV, TuMV, TYMV, BCMV, SMV, SYCMV, SYMMV, ASPV, PLMVd)

Virus	Primer	Sequence (5' \rightarrow 3')
	TobamodF	TKG AYG GNG TBC CNG GNT GYG G
	TobamodR	ACN GAV TBN ABC TGT AAT TGC TAT
ΤΝ./Ι./	TuMV-CP(506)-5	AAT GTG GGT GAT GAT GGA CGG
	TuMV-CP(506)-3	CAC ACT GGC TGC TTT AAC AAA C
	TYMV-CP-5456F	CTC AGC CTC CTC GAA CGA
	TYMV-CP-6292R	CGG GAG TTG CAC CCG ATT A
	CMV-Fny-CP-5'	ATG GAC AAA TCT GAA TCA ACC AG
	CMV-Fny-CP-3'	TCA GAC TGG GAG CAC TCC A
	SMV-8535F1	TCA GGC AAG GAG AAG GAA GGA GA
51010	SMV-9329R1	CTG CGG TGG GCC CAT GC
	SYMMV-2664F1	ATG AAT GGA AAA ATG CTC ACC ATT G
5 1 1 1 1 1 1	SYMMV-3311R1	TGA AGC TTG CTG TCC ATA TGC TG
	SYCMV-3227F1	ATG GCG AAG AGG CTA ACC AAA CA
STCIVIV	SYCMV-4030R1	TCA GTT GTT CAA GGC TGA GGC G
	BCMV-8876F1	TCA GGA ACT GGA CAG CCA CAG C
RCINIA	BCMV-9739R1	TTA CTG CGG GGA GCC CAT G

표 강-1. 검정용 프라이머 목록



<그림 강-1> 진단 대상 식물바이러스의 핵산 검정

 ○ 당해연도 대상 식물 바이러스인 RMV, TuMV, TYMV, BCMV, SMV, SYVMMV, SYCMV에 대하여 바이러스원을 확 보하고 검정용 프라이머를 디자인하였으며, 핵산을 추출하여 바이러스를 검정하였다. 확인된 바이러스 핵산은 이후 실험의 재료로 활용되었다.



<그림 강-2> 진단 대상 식물바이러스의 기존 진단 방법 (RT-PCR, RT-qPCR)과 Real-time LAMP 민감도 비교를 위한 PCR 조건 및 10배 희석방법



<그림 강-3> 진단 대상 식물바이러스의 기존 진단 방법 (RT-PCR, RT-qPCR)과 Real-time LAMP 민감도 비교를 위한 전체적인 실험 과정



<그림 강-3> 진단 대상 식물바이러스의 기존 진단 방법 (RT-PCR, RT-qPCR)과 Real-time LAMP를 통한 민감도 비교 분석. (A) conventional RT-PCR, (B) RT-qPCR, (C) Real-time LAMP

- 배추 대상 감염 바이러스인 TuMV와 RMV, TYMV를 대상으로 LCM사이언스에서 개발된 real-time LAMP 진단 키트와 기존 검정방법인 RT-PCR과 Real-time PCR을 이용하여 민감도 를 비교하고자 하였다.
- 각 바이러스는 식물로부터 Total RNA를 추출하여 평준화 한 뒤, 10배 희석을 통해 10⁰부터 10⁵까지 검정을 진행하였다.
- 필드 샘플의 경우 식물로부터 Total RNA를 추출하여 역전사 반응 및 Real-time LAMP를 수행 하였으며, 역전사 이후 PCR과 qPCR을 진행하였다.
- 기존 진단 방법인 RT-PCR의 경우 가장 낮은 검출 한계를 보였으며, Real-time PCR 및 Real-time LAMP는 유사한 수준의 검출 한계를 보였다.
- 새로 개발된 Real-time LAMP 키트는 RNA수준에서 바로 검정이 가능하였으나, RT-PCR 및 Real-time PCR의 경우 역전사 반응이 필수적이며, 그 소모시간 또한 Real-time LAMP의 40 분 (total RNA 추출 시간은 제외한다)에 비해 Real-time PCR은 약 4.5배, RT-PCR은 5배 이 상의 시간이 필요하였다.

2. 농가포장시료에 대한 진단검사 및 유용성 평가



<그림 강-4> 강원도 배추 및 무 농가포장시료 채집





<그림 강-5> 강원도 배추 및 무 포장에서 채집한 배추와 무 샘플의 바이러스성 병징. (A) 화 천 포장, (B) 양구 포장

- > 농가포장시료에 대한 진단검사 및 유용성 평가를 위해 강원도의 6개 시군에서 바이러스성
 병징을 나타내는 배추를 채집하였다. 또한 대상 작물인 배추 외에 배추와 같은 바이러스병
 을 공유하는 무를 채집하여 이후 실험에 사용하였다.
- 채집된 샘플은 심한 바이러스 병징을 나타냈으며, 증상은 심한 모자이크와 약한 모자이크,
 모틀, 황화, 위축 등 다양했으며, 그 상품 가치가 저해되어 피해가 심각하였다.



<그림 강-6> 농가포장시료를 대상으로 기존 검정방법 (RT-PCR, RT-qPCR)과 Real-time LAMP를 이용한 비교 진단. (A) conventional RT-PCR, (B) RT-qPCR, (C) Real-time LAMP



<그림 강-7> 농가포장시료의 기계적 접종을 통한 실제 바이러스 감염 확인. (1-8) 상기 8개 샘플의 Chenopodium quinoa 에서의 기주 반응



<그림 강-8> 농가포장시료를 대상으로 Real-time LAMP를 이용한 TuMV 진단

○ 채집된 샘플을 대상으로 기존 진단방법인 RT-PCR, Real-time PCR과 새로 개발된 Real-time LAMP 키트를 이용하여 바이러스를 검정하였다.

○ 그 결과 민감도 테스트와 마찬가지로 RT-PCR은 8개 샘플 중 7개 샘플에서만 바이러스 를 검정한 반면 Real-time PCR과 Real-time LAMP의 경우 8개 샘플 모두에서 TuMV를 검 정하였다.

○ 또한 강원도 6개 시군에서 채집된 샘플은 주로 TuMV에 의해 감염되며 추가적으로 TYMV 가 TuMV와 함께 복합감염되는 형태로 존재한다는 것을 확인하였으며, RMV는 세가지 진단 방법에서 모두 검정되지 않았다.

○ 검정된 TuMV의 실제 감염여부 확인을 위해 지표식물인 Chenopodium quinoa에 접종하 여 그 반응을 관찰한 결과 검정결과와 일치하게 8개 샘플에서 바이러스 반응을 확인할 수 있었다.

○ 이후 강원도내 다른 시군 (양구, 인제, 춘천)의 농가에서 추가 샘플을 채집하여 Real-time LAMP키트를 이용해 TuMV를 손쉽게 진단할 수 있었다.



<그림 강-9> 콩 포장에서 발생하는 바이러스병 증상 (1) 모자이크, (2) 기형, 모자이크, (3-4) 모틀, (5) 약한 모자이크, 주름, (6) 기형, 모틀, (7) 기형, 황화, 괴사, (8) 기형

- > 농가포장시료에 대한 진단검사 및 유용성 평가를 위해 바이러스성 병징을 나타내는 다양한 품종의 콩을 채집하였다.
- 채집된 시료는 병징이 다양하게 존재하였다.





<그림 강-10> 콩 시료를 대상으로 기존 검정방법 (RT-PCR)과 Real-time LAMP를 이용한 비교 진단



<그림 강-10> 콩 시료의 기계적 접종을 통한 실제 바이러스 감염 확인. (1, 3, 5, 6, 7) 상 <u>기 바이러스가 확인된 5개 샘플의 동부에서의 기주 반응</u> ○ 채집된 샘플을 대상으로 total RNA를 추출하여 기존 진단방법인 RT-PCR과 새로 개발된 Real-time LAMP 키트를 이용하여 바이러스를 검정하였다.

○ 그 결과 RT-PCR은 한개 샘플 (3번)에서만 SMV가 검정되었으며, 다른 샘플 및 다른 바 이러스는 검정되지 않았다. 반면에, Real-time LAMP kit에서는 3번과 5번 샘플에서 SMV가 검정되었으며, 1번, 6번, 7번의 샘플에서 BCMV를 검출하였다. 또한 Ct값을 통해 BCMV가 낮은 농도에서 존재한다는 것을 확인하였다.

○ 확인된 바이러스가 실제 감염능력을 갖춘 바이러스인지 확인하기 위해 SMV가 검정된 3 번, 5번 샘플과 BCMV가 확인된 1번, 6번, 7번 샘플을 동부 콩에 접종하고 그 반응을 확인 한 결과, Real-time LAMP로 검정된 샘플에서 바이러스성 병징이 유도되는 것을 확인할 수 있었다.

○ 종합적으로 상기 배추와 무, 그리고 콩 샘플의 검정을 통해 Real-time LAMP 키트가 기 존 진단 방법인 RT-PCR에 비해 간단한 절차와 짧은 시간 내에 고민감도로 바이러스를 검출 할 수 있음을 확인하였다. ■ 위탁연구기관-전남대 추가 연구결과

- ハ수(사과, 배 등)바이러스 감염 식물로부터 진단을 위한 효율적인 핵산 추출 버퍼 확립
 국내 유통되고 있는 핵산 추출 kit 비교 분석
 - 바이러스 감염된 배, 사과, 복숭아에서 효율적인 진단을 위해 과수에서 최적의 핵산 추출 키
 트를 찾고자 시중에 판매되고 있는 6개의 total RNA 추출 키트를 비교함 (그림 전-1).
 - 비교한 키트 종류는 GeneAll, iNtRON, In VIRUS tech, MACHEREY-NAGEL, QIAGEN, Takara 사에서 판매되고 있는 RNA 추출 키트를 사용함. 추출 과정은 제조사에서 제공되는 설명서에 따라 수행 함.
 - 배, 사과, 복숭아에서 각 각의 키트를 비교한 결과, 농도와 Quality, 비용 측면에서 최종적으로 In VIRUS tech가 선택되었고 이 후 모든 실험에서 사용함.

,	Pear samples					Apple samples				Peach samples										
М	GeneAll	intron	In VIRUS tech	MACHEREY-NAGEL	QIAGEN	Takara	м	GeneAll	intron	In VIRUS tech	MACHEREY-NAGEL	QIAGEN	Takara	м	GeneAll	intron	In VIRUS tech	MACHEREY-NAGEL	QIAGEN	Takara
	11	11	II			1		III I		-		1000	I					-		-
	42.4 ng/ul	148.0 ng/ul	86.4 ng/ul	0.8 ng/ul	44.8 ng/ul	133.6 ng/ul		68.0 ng/ul	310.4 ng/ul	226.4 ng/ul	29.6 ng/ul	157.6 ng/ul	50.4 ng/ul		322.4 ng/ul	564.8 ng/ul	473.6 ng/ul	188.0 ng/ul	522.4 ng/ul	334.4 ng/ul
								T I 4						—						

<그림 전-1> 핵산 추출 키트 비교

- Filter paper를 활용한 현장 핵산 추출 방법 확립
 - Whatman No.1 Filter paper를 이용하여 5분 만에 식물 시료에서 핵산을 쉽게 얻을 수 있는 방법을 확립하였고, 이를 통해 얻는 Filter paper-핵산을 사용하여 일반적인 RT-PCR과 현장 진단용 기술인 RT-RPA, RT-RPA-LFS에 적용함(자세한 방법은 별첨 1를 참고).
 - 바이러스 감염된 사과 시료에서 핵산을 추출하고 RT-PCR를 수행한 결과, Multiplex RT-PCR임 에도 ASPV, ASGV가 복합 감염된 것으로 확인됨(그림 전-2).
 - 복숭아 시료에서 핵산을 추출하고 PLMVd를 RT-RPA 방법으로 검출한 결과, Positive sample에 서만 증폭됨(그림 전-3).
 - TSWV가 감염된 고추시료에서 핵산을 추출하고 현장진단 용 RT-RPA-LFS를 사용한 결과, Positive sample에서만 증폭됨(그림 전-4).
 - Whatman No.1 Filter paper 기술을 통해 현장에서 5분 만에 빠르고, 특별한 장비 없이 쉽게 ____핵산을 확보하는 기술을 확립하였고, RT-PCR과 RT-RPA, 현장진단 용 RT-RPA-LFS에서 적용이__



- Filter paper를 활용한 현장 핵산 추출 및 식물바이러스 검출 실험 수행함. Whatman No.1 Filter paper를 이용하여 농업 현장에서 5분만에 식물 시료 핵산 추출 및 RT-RPA-LFS를 사용하 여 바이러스 진단함 (그림 전-5).



<그림 전-5> 추출버퍼를 활용한 RPA 이용 식물바이러스 현장 검출

2. 과수(사과, 배 등) 주요 바이러스 국내외 분리주 염기서열 확보 및 분석
 과수 주요 바이러스를 진단하기 위한 프라이머를 제작하기 위해 국내외 염기서열 확보
- 배와 사과에서 문제가 되는 ASGV, ACLSV의 현장 진단 용 프라이머 및 프로브를 제작하기 위해 NCBI genbank에서 국내외 분리주를 90-100개 확보하였고, bioedit sequence alignment editor program를 사용하여 sequence alignment하여 보존된 영역을 확인함(그림 전-6,전 -7).



3. 과수(사과, 배 등) 주요 바이러스 시료 확보

○ 과수 주요 바이러스를 진단하기 위한 바이러스 감염 시료 확보

- 배와 사과 시료에서 total RNA를 추출하고, ASGV, ACLSV 진단 프라이머를 사용하여 RT-PCR를 수행함.
- ASGV-714 bp 진단 프라이머와 ACLSV-509 bp 진단 프라이머를 통해 ASGV의 경우 26개의 감염시 료와 8개의 비감염 시료를 확보하였고(그림 전-8), ACLSV의 경우 9개의 감염시료와 3개의 비감염 시료를 확보함(그림 전-9).



ASGV 714 bp



<그림 전-8> ASGV 감염 시료 확보



<그림 전-9> ACLSV 감염 시료 확보

- 4. 과수(사과, 배 등)바이러스 신속진단을 위한 RT-RPA 조건 확립
- 엘씨엠싸이언스회사에서 제작한 Primer로 RT-RPA 실험을 진행함.

드프 !도프	바이머 브 이름	염기서열 5'-3'	증폭 크기(bp)
	3775F	ATGAATGACTTTATTGGCATAGATGAACAA	
ACLSV	4042R	TTCTAAATCTTGTTATTGCCACCATTATGT	286
	3849P	AAGAAAGGGAATCACATAGAAGTAATTCTTGTTG	

표 전-1. ACLSV에 대한 exo RPA 프라이머 및 프로브 서열

- ACLSV 특이적 프라이머 및 프로브세트를 사용하여 exo RPA를 통해 증폭여부를 실험함. exo RT-RPA 반응은 Twist Exo kit (TwistDX) 제품을 사용하여 제품의 protocol을 따라 수행되었
 음. Incubation 조건은 39 ℃에서 30 초간 40 cycle로 진행하였음(그림 전-10).
- ☞ ACLSV 감염이 확인된 사과 시료와 NTC를 조건으로 exo RPA를 수행한 이후, 전기영동을 통해 gel을 확인해본 결과, P.C에서는 증폭산물로 보이는 Band가 확인되었지만, NTC조건 에선 확인되지 않음(그림 전-11).





<그림 전-10> ACLSV exo RPA

<그림 전-11> ACLSV exo RPA product 전기영동

- 사과시료에서 ACLSV-509 bp 진단 프라이머를 통해 ACLSV 감염시료를 추가로 확보함(그림 12).
- ACLSV 감염이 확인된 6개 시료(Apple 3-22, Apple 1-5, Apple 2-46, Apple 2-47, Apple 2-51, Apple 2-52)를 추가로 포함하여 exo RPA를 진행하였음. Incubation 조건은 39 ℃에 서 1 분간 20 cycle로 진행하였음(그림 전-13).
 - ☞ 감염시료에서 증폭이 확인되지 않음. NTC조건에서 비특이적인 증폭이 확인됨.







표 전-2. ASGV에 대한 exo RPA 프라이머 및 프로브 서열

프라이머 프로브 이름		염기서열 5'-3'	증폭 크기(bp)
	258F	CCAATATCCAAAATGATAGAAAATCATCTTTTGTA	
ASGV1	465R	CACCATACCTATATTTATCTTTCCCATCAATTATG	208
	351P	GAAAATAAAGTTAATAGTTTTCTCAAGATGCATTC	
	264F	TCCAAAATGATAGAAAATCATCTTTTGTACATATG	
ASGV2	387R	TATTCCAAGTCTTCTATCTTCCTTTAAGTCAGTT	124
	299P	CTGAATGCATCTTGAGAAAACTATTAACTTTATTT	

	5610F	TCTCAGCTAGAATTGAAAGATTTGGAAAAA	
ASGV3	6007R	GACAAGTCGATTCTCCAAATTTTTGTTTTT	398
	5825P	ATTTGGTAATATTGCTGTTTTCGGGTCATCTGATA	

- ASGV가 단독감염된 배시료와 ASGV, ACLSV가 복합감염된 사과시료를 3가지의 ASGV 특이적 프라이머 및 프로브세트를 사용하여 각각 exo RPA를 통해 증폭여부를 실험함. Incubation 조건은 39 ℃에서 1 분간 20 cycle로 진행하였음.

☞ 3 개의 프라이머로 실험을 진행한 각각의 감염시료와 NTC조건 모두에서 증폭이 확인되 지 않음(그림 전-14, 그림 전-15, 그림 전-16).



- ASGV 프라이머 중 정상적인 증폭곡선이 아닌 프라이머3을 제외한 ASGV 프라이머1과 프라이 머2, ACLSV 프라이머를 ASGV와 ACLSV가 복합감염된 사과시료를 사용하여 exo RPA를 진행 함. Incubation 조건은 39 ℃에서 30 초간 40 cycle로 진행하였음.

☞ 모든 조건의 시료에서 증폭이 확인되지 않음 (그림 전-17, 전-18, 전-19).



- 이전의 실험들과 달리 시약조성에서 프로브 농도에 차이를 주어 시료를 비교하기 위해 ACLSV 감염시료와 ACLSV 프라이머 및 프로브를 사용하여 exo RPA를 수행함. Incubation 조건은 39 ℃에서 30 초간 40 cvcle로 진행하였음. ☞ 제대로된 증폭이 확인되지 않음. NTC조건에서도 비 특이적인 증폭이 확인됨(그림 전-20).



5. 과수(복숭아, 사과 등) 주요 바이러스의 RT-RPA 진단 시스템 개발

 과수(복숭아, 사과 등)의 주요 바이러스를 진단하기 위한 바이러스 감염 시료 확보
 국내 과수(복숭아, 사과 등) 농가에서 바이러스 병징이 관찰된 과수의 잎 시료를 채집 였고, 해당 시료를 바이러스 RPA 진단 실험에 사용하였음 (그림 전-21, 전-22).



<그림 전-21> 바이러스 감염 복숭아 시료 채집





<그림 전-22> 바이러스 감염 사과 시료 채집

○ End-point RPA 방법을 이용한 복숭아 시료 PLMVd 신속 현장 진단법 개발 및 시험

- 복숭아 시료의 Total RNA 추출은 In VIRUS tech 사에서 판매되고 있는 total RNA 추출 키트 를 사용하였으며 추출 과정은 제조사에서 제공되는 설명서에 따라 수행하였고 전기영동을 통해 Total RNA를 확인하였음(그림 전-23).
- Whatman No.1 Filter paper 기술을 통해 현장에서 5분 만에 빠르고, 특별한 장비 없이 쉽게 핵산을 확보하는 기술을 확립하였고, RT-RPA 방법에 사용하여 바이러스를 진단함.
- 확보한 복숭아 시료에서 Total RNA를 추출하고 PLMVd 진단 프라이머를 사용하여 RT-PCR을 수행함.
- PLMVd-337 bp 진단 프라이머를 통해 10개의 PLMVd 감염 시료를 확보함(그림 전-24).



<그림 전-23> 복숭아 시료 Total RNA



<그림 전-24> PLMVd 감염 시료 확보

- 복숭아 시료에서 증폭된 PLMVd의 염기서열을 확보하기 위해 TA cloning 실험을 하였음.
 과정은 아래와 같음.
- ◆ RT-PCR을 통한 증폭 산물에 AccuPrep PCR/Gel Purification Kit (Bioneer)을 사용하여 DNA purification을 수행함.
- TA cloning kit(Yeastern Biotech)를 이용하여 상기의 clean-up한 DNA의 ligation을 수행함. PCR product 3 µl, T&A cloning vector 2 µl, ligation buffer A, B 각각 1 µl, DEPC water 3 µl를 넣고 4℃, 16h 반응시킴.
- Transformation을 수행하기 위해 DH5α competent cells 100 μℓ와 ligation 혼합액을 넣고 ice에서 30분간 반응시킨 후 42℃에서 1분간 열쇼크(heat shock)를 주고 5분간 ice상에서 식힌 후 LB broth 배지 900 μℓ를 넣고 37℃에서 1시간 동안 160 rpm으로 진탕배양함. 그리고 50 μg ampicillin 첨가한 LB agar 배지에 100 μℓ 도말하여 37℃에서 16시간 배양함.
- 50 µg ampicillin 첨가한 LB broth 배지 3 ml에 여러개의 colony를 접종하여 16시간 진탕배양함. 대량 배양된 cell은 12,000 rpm으로 1분간 원심분리하여 배지를 제거한 후에 Alkaline lysis miniprep 방법을 이용하여 plasmid DNA를 추출하고 restriction enzyme를 처리하여 337 bp의 insert가 확인된 plasmid DNA의 염기서열을 분석함 (그림 전-25).



<그림 전-25> restriction enzyme을 처리한 PLMVd plasmid 전기영동

Description	Scientific Name	Max Score	Total Score	Query Cover	E value	Per. Ident	Acc. Len	Accession
Peach latent mosaic viroid PLMVd_754 RNA	Peach latent m	544	544	86%	5e-150	100.00%	294	LC703130.1
Peach latent mosaic viroid PLMVd_CU_2 RNA	Peach latent m	483	483	86%	1e-131	96.26%	294	LC703132.1
Peach latent mosaic viroid isolate PQ813 genomic sequence	Peach latent m	470	470	79%	8e-128	98.14%	269	MT083908.1
Peach latent mosaic viroid isolate PQ854 genomic sequence	Peach latent m	442	442	79%	2e-119	96.28%	269	<u>MT083906.1</u>
Peach latent mosaic viroid isolate PQ804 genomic sequence	Peach latent m	436	436	79%	8e-118	95.91%	269	MT083907.1
Peach latent mosaic viroid isolate P-Vioyt, complete sequence	Peach latent m	422	620	100%	2e-113	99.57%	338	<u>MW928680.1</u>
Peach latent mosaic viroid isolate P-WB258, complete sequence	Peach latent m	414	613	100%	4e-111	99.13%	337	<u>MW928681.1</u>
Peach latent mosaic viroid isolate y4-pg3_complete_genome	Peach latent m	399	591	99%	1e-106	97.84%	336	MK212063.1
Peach latent mosaic viroid isolate PL1, complete genome	Peach latent m	399	587	99%	1e-106	97.84%	337	EF151292_1

<그림 전-26> PLMVd 바이로이드 sequence NCBI BLAST 검색



<그림 전-27> PLMVd 바이로이드 sequence alignmnet

- 분석한 PLMVd의 sequence는 bioedit alignment editor program을 사용하여 sequence alignment 되었으며 이를 통해 보존된 영역을 확인함 (그림 전-26, 전-27).
- 기존 사용 프라이머 143bp 이외에도 RPA kit 제조사인 TwistDX사의 프라이머 design manual에 따라 30-35 nt, 100~200bp amplicon length의 프라이머 4종류를 제작하여 3가 지의 조합을 설정하였음.

亜.	PLMVd에	대한	RPA	프라이머	서열
----	--------	----	-----	------	----

Primer		Sequence 5'-3'
	143 F	CATCTCAGCGACTCATCAGTGGGCTTTGCCC
	143 R	CCCACCTTACGTCATTGCGACGTGCTTAGCC
	7706 F	CTCTCAGCCCCTCCACCTTGGGGTGCCCTA
PLMVa	2697 R	CTACGGCGGTACCTGGATCACACCCCCCTC
	3968 F	TCAGTGGGCTAAGCCCAGACTTATGAGAGA
	7243 R	GGAAAAGTCCCACCTTACCTCATTGCGAGG

Ŧ	전-3.	프라이머	조합에	따른	증폭	크기
---	------	------	-----	----	----	----

표 전 5	여기의 포함에 뛰는 ㅇㅋ	
]	Primer sets	Product size (bp)
	143 F + 143 R	143
	7706 F + 2697 R	150
PLMVd	3968 F + 7243 R	134
	7706 F + 7243 R	188

- 핵산 추출 kit를 사용해 total RNA를 추출 후 RT-RPA를 통해 증폭 여부를 실험함. RT-RPA 반 응은 TwistAmp Basic kit 제품을 사용하여 제품의 protocol을 따라 수행되었음. PLMVd 특이 적 프라이머는 143 F와 143 R를 사용하였으며 Incubation 조건은 42℃에서 30분간 진행하였 음.
- RT-RPA 반응 이후 400x SYBR Green I을 RPA product에 넣고 녹색의 형광을 확인하여 증폭 여 부를 확인하여 현장에서 신속하게 진단하고자 하였음.
- PLMVd 감염이 확인된 사과 시료와 NTC를 조건으로 RT-RPA를 수행한 이후, 전기영동을 통해 gel을 확인해본 결과, P.C에서는 증폭 산물로 보이는 Band가 확인되었지만, NTC 조건에선 확인되지 않음(그림 전-28).
- RPA product에 400x SYBR Green I을 첨가하여 녹색의 형광을 확인하였으며 증폭이 일 어나지 않은 NTC 조건에서는 SYBR Green I 의 형광이 나타나지 않은 황색을 확인하였음 (그림 전-29).





<그림 전-28> PLMVd RPA product 전기영동 <그림 전-29> PLMVd RPA product + SYBR Green I

 SYBR Green I의 반응 이후 녹색 형광과 황색의 차이가 크지 않아 SYBR Green I의 농도 를 조절하고 형광의 발현 효과를 확대하여 증폭 여부를 뚜렷하게 구분하고자 하였으나 동 일한 조건으로 재실험한 결과의 NTC 조건에서 지속해서 비특이적 증폭이 확인되어 정확 한 검증을 할 수 없었음(그림 전-30).





P NTC P NTC • SYBR Green I: 100x • SYBR Green I: 200x <그림 전-30> SYBR Green I 농도 조절

NTC 조건의 비특이적 증폭을 없애거나 최소화하기 위하여 프라이머의 농도, incubation
 시간, incubation 온도 등을 조절하였지만 비특이적 증폭이 지속해서 나타나 SYBR Green
 I의 효과를 비교할 수 없었음(그림 전-31).



<그림 전-31> RT-RPA 조건 변경

- NTC 조건에서 비특이적 증폭이 확인되는 PLMVd 143 bp 프라이머 이외에 sequence alignment를 통해 제작한 3가지 조합의 프라이머를 이용하여 추가로 조건을 최적화하고자 하였음.
- NTC 조건에서 비특이적 반응이 확인되어 incubation 시간, incubation 온도 등을 변경하여 진행하였지만, 비특이적 반응이 지속해서 확인됨(그림 전-32, 전-33).



<그림 전-32> Incubation 시간 변경



<그림 전-33> Incubation 온도 변경

- 6. Filter paper를 활용한 RT-RPA 진단법 시험
- 현장에서 빠르게 PLMVd 감염을 진단하기 위해 Whatman No.1 Filter paper를 이용하여 5분 만
 에 식물 시료에서 핵산을 쉽게 얻는 방법을 확립하였고, 이를 통해 얻는 Filter paper-핵산
 을 사용하여 일반적인 RT-PCR과 현장 진단용 기술인 RT-RPA에 이용할 수 있음.
- Filter paper를 이용해 빠르게 핵산을 추출하고 RT-RPA 방법에 이용하였고 전기영동을 하거 나 SYBR Green I을 첨가하여 형광물질의 발현으로 증폭 여부를 확인함.
- Positive sample, Negative sample 모두 증폭이 확인되었음.
- 전기영동을 통해 특정 band의 증폭을 확인하였으나 NTC 조건에서도 증폭이 확인되었음 (그림 전-34).
- SYBR Green I를 이용한 증폭 여부의 확인 또한 NTC 조건에서 녹색의 형광이 확인 (그림 전-35).
- Filter paper를 이용한 핵산 추출은 정상적으로 이루어졌으며 RT-RPA 방법에 이용할 수 있다
 는 것을 확인했지만 NTC의 비특이적 증폭을 없애거나 최소화하기 위해 프라이머의 재설정이
 나 각 조건들의 변경이 필요해보임.
- 또한 Filter paper를 이용한 핵산 추출 과정에서 녹색의 식물 즙액에 의해 SYBR Green I을 넣지 않아도 녹색이 나타남(그림 전-36).



<그림 전-34> Filter paper를 이용한 <---림 전-35> SYBR Green I을 이용한 육안 RT-RPA 검출



<그림 전-36> Filter paper를 이용한 RT-RPA 과정에서 색

기존 P.C와 NTC 조건에 Negative Control을 추가하여 증폭 여부를 전기영동으로 확인하였으나
 N.C 또한 비특이적 증폭이 확인되었음(그림 전-37).



<그림 전-37> Filter Paper를 이용한 RT-RPA (N.C 포함)

○ 사과 시료 바이러스 염기서열 확보를 위한 TA cloning

 바이러스 병징을 보이는 사과 시료는 In VIRUS tech 사에서 판매되고 있는 total RNA 추출 키트를 사용하였으며, 제조사에서 제공되는 설명서에 따라 total RNA를 추출하고, ASPV 진 단 프라이머 (367 bp)를 사용하여 RT-PCR을 수행함 (그림 전-38).

3-24

3-23



<그림 전-38> ASPV 감염 사과 시료 확보

- 사과 시료에서 증폭된 ASPV의 염기서열을 확보하기 위해 TA cloning 실험을 하였음.
- RT-PCR : RT-PCR 과정은 SuprimeScript RT-PCR Premix (2x) (Genetbio) 10 µL, RNA 2 µL, Primer F, R (10 pmol)각각 1 µL, DEPC-treated water 6 µL로 총 20 total reaction volume으로 수행함. PCR 변온 조건은 Reverse transcription 50 ℃, 30 min, pre-denaturation 95 ℃, 5 min 진행 후, denaturation 95 ℃, 30 min, annealig 30 sec, extension 72 ℃, 60 sec로 35 cycle진행한 후, 다음 final extension 72 ℃, 5 min로 수행함.
- Purification : 전기영동을 통해 확인한 PCR 산물에 동량의 PCI를 분주하고 10분간 원심분리(12,000 rpm)하여 생성된 상층액을 새로운 1.5 mL tube에 옮기고 동량의 isopropyl alcohol을 가하여 10분간 원심분리함. pellet을 제외한 상층액을 버리고 70% ethyl alcohol (+DEPC)로 2분간 원심분리하여 washing하고 상층액을 제거한 후, DEPC-treated water로 elution함.
- Ligation : TA cloning kit(Yeastern Biotech)를 이용하여 DNA와 TA vector의 ligation을 수행함.
 DNA 2 µl, TA vector 3 µl, ligation buffer A, B 각각 1 µl, DEPC water 3 µl를 넣고 실온에서 5-10분 incubation 후 4℃, 16h 반응시킴.
- Transformation : Transformation을 수행하기 위해 DH5α competent cells 100 μℓ와 ligation 혼합액을 넣고 ice에서 30분간 반응시킨 후 37℃에서 1분간 열쇼크(heat shock)를 주고 5분간 ice상에서 식힌 후 LB broth 1 mℓ를 넣고 37℃에서 1시간 동안 160 rpm으로 진탕배양함. 그리고 ampicillin을 50 μg/mL 농도로 첨가된 LB agar 배지에 100 μℓ 도말하여 37℃에서 16시간 배양함.
- Transformation과정에서 LB agar 배지에 생성된 colony를 50 µg의 ampicillin이 첨가된 LB broth 3 mL에 접종하여 16시간 진탕배양함. 대량 증식된 E.coli cell은 1분간 원심분리하여 액체 배지를 제거한 후에 AccuPrep NanoPlus Plasmid mini Extraction kit (Bio-Neer)를 이용하여 plasmid DNA를 추출하고 restriction enzyme 처리를 통해 insert가 확인된 plasmid DNA의 염기서열을 분석함.

○ 사과 바이러스의 CP 유전자 분석 및 Alignment

- 사과 잎 시료에서 추출한 RNA에서 검출된 ASPV CP 유전자 염기서열을 분석한 결과, NCBI에 등록된 다른 isolate들의 CP 유전자와 최대 94%의 높은 identity를 나타냄(그림 전-39).
- 염기서열이 확인된 ASPV CP 유전자를 RPA 진단 실험을 위한 프라이머 제작 재료로써 사용하 기 위해 ASPV 국내외 분리주들과 Alignment한 후, 보존된 영역을 토대로 프라이머를 제작하 였음(그림 전-40).

•	Apple stem pitting virus isolate FS05-3-3 coat protein gene, complete cds	Apple stem p	1419	1419	100%	0.0	94.92%
	Apple stem pitting virus isolate 13TF155C, complete genome	Apple stem p	1242	1242	100%	0.0	91.39%
	Apple stem pitting virus isolate 13TF174E, complete genome	Apple stem p	1230	1230	100%	0.0	91.17%
	Apple stem pitting virus isolate AGK69 coat protein (CP) gene, complete cds	Apple stem p	1092	1092	100%	0.0	88.42%
	Apple stem pitting virus isolate FS06-4-2 coat protein gene, complete cds	Apple stem p	1053	1053	100%	0.0	87.64%
	Apple stem pitting virus isolate FS07-3 coat protein gene, complete cds	Apple stem p	1048	1048	100%	0.0	87.53%
	Apple stem pitting virus isolate FS07-2-2 coat protein gene, complete cds	Apple stem p	1048	1048	100%	0.0	87.53%
	Apple stem pitting virus isolate FS07-2-1 coat protein gene, complete cds	Apple stem p	1048	1048	100%	0.0	87.53%

<그림 전-39> ASPV CP 염기서열 분석 결과



<그림 전-40> ASPV 국내외 분리주 alignment

표 전-4. ASPV에 대한 RPA 프라이머 서열

<u> </u>	라이머	염기서열 5'-3'	증폭 크기(bp)
	F	CACAGGCGGTATGAGAAGCGACTTGATTC	200
ASEVI	R TGTCAGATGCTCCAACATCAGCACAGTGCC		200
	F	AGGGCTCTCGCCCAAATCAGCGCATTCAGC	150
ASPV2	R	CCTGATTTGAGAAGGTTGGATAGGGTCCCA	150
	F	CTGAAGAATATCAGATACGAGCCCCAAGCA	150
ASPV3	R	AACATCAGCACAGTGCCTTGCTAAGTAAAC	150
	F	CTGCTTTTGACTTCTTCTTTGGAGTCGAAA	100
A3PV4	R	TGCCACTCTCTGTGCTTGAGTTGGTAGTCT	100
	F	ATGCTGCTTTTGACTTCTTTCGGAGTCG	0F
ASPV5	R	TTTGCCACTCTCTGCTTGAGTTGGTAGT	95

○ 사과 바이러스 신속진단을 위한 RT-RPA 조건 확립

- RT-PCR 상에서 ASPV의 감염이 확인된 사과 시료와 해당 염기서열로 제작한 ASPV 특이적 RPA 프라이머를 사용하여 RT-RPA를 통해 증폭 여부를 실험함. RT-RPA반응은 Twist kit (TwistDX) 제품을 사용하여 제품의 protocol을 따라 수행되었음. Incubation 조건은 42 ℃ 에서 30분간 진행하였음.
- ASPV 감염이 확인된 사과 시료와 NTC를 조건으로 각 프라이머 별로 10 pmol의 프라이 머로 RPA를 수행하고 전기영동을 통해 1.2 % agarose gel을 확인해본 결과, 기대 size의 증폭 band가 확인되지 않았음. (그림 전-41)
- 프라이머 농도 조건을 확립하기 위해 5 pmol로 농도를 낮추어 RPA를 수행하였음. 그 결과 프라이머 1번과 3번에서 기대 size의 증폭 band가 확인되었으나 NTC 조건에서 또한 증폭 band가 확인됨. 같은 조건으로 프라이머의 정상적인 증폭 여부를 확인하기 위해 RT-PCR을 진행한 결과, 사과 시료에서는 정상적인 증폭이 확인되었고 NTC 조건에서는 증폭이 확인되지 않았음. RT-PCR 결과로 미루어 보아 제작한 RPA 프라이머에는 문제가 없다고 판단됨(그림 전-42, 전-43).
- RPA 프라이머가 사과 시료에서 비특이적인 증폭은 보이는 것으로 판단되어 ASPV transcript를 주형으로 사용하여 RPA 실험을 진행하였음. 그 결과, ASPV transcript를 사 용한 조건과 NTC 조건 모두에서 정상적인 증폭을 보이지 않았음(그림 전-44).



<그림 전-41> 사과 시료 ASPV 프라이머별 RT-RPA (10 pmol)



RT-RPA (5 pmol)

<그림 전-42> 사과 시료 ASPV 프라이머별 <그림 전-43> 사과 시료 ASPV 프라이머별 RT-PCR (5 pmol)



<그림 전-44> ASPV transcript RT-RPA (5 pmol)

- 앞서 제작한 3개의 프라이머는 사과 시료에서 정상적인 증폭이 이루어지지 않는다고 판단 하여 이전 프라이머를 제작할 때 사용한 ASPV CP의 염기서열을 제외한 나머지 부분을 시퀀싱하여 염기서열을 확보하였음. 확보한 염기서열을 국내외 다른 ASPV 분리주들과 alignment하여 보존된 영역에서 프라이머를 2세트를 추가로 제작하였음(그림 전-40, 표 전-4).
- 추가 제작한 프라이머와 ASPV 감염 사과 시료를 사용하여 RT-RPA를 통해 증폭 여부를 실험함. RT-RPA반응은 Twist kit (TwistDX) 제품을 사용하여 제품의 protocol을 따라 수행되 었음. Incubation 조건은 42 ℃에서 30분간 진행하였음.
- 사과 시료에서 두 프라이머 모두 기대 size의 증폭이 확인되지 않음. NTC조건에서 비특이 적인 증폭이 확인됨(그림 전-45).
- 프라이머 농도를 5 pmol로 낮추어 RPA 실험을 재진행하였으나, 모든 조건에서 비특이적 인 증폭이 확인됨(그림 전-46)



<그림 전-45> ASPV RT-RPA(10 pmol) <그림 전-46> ASPV RT-RPA(5 pmol)

Primer 1 Primer 2 (200 bp) (150 bp) Apple Apple NTC NTC

- 이전에 제작한 3세트의 프라이머에서 foward와 reverse 프라이머를 조합하여 각 조합별 프라이머 RPA 실험을 진행하였음.
- 표 와 같이 조합한 각 프라이머 별로 RT-RPA를 진행한 결과, 150 bp, 163 bp, 200 bp 에서는 비특이적인 증폭이 확인됨. 187 bp 프라이머의 경우 상대적으로 비특이적인 증폭 이 적고 기대 size의 증폭이 확인됨(그림 전-47).
- 187 bp 프라이머의 증폭 여부를 확인하기 위해, ASPV 감염 사과 시료와 ASPV transcript 를 주형으로 NTC조건과 함께 RPA 실험을 진행하였음. 그 결과, 모든 조건에서 비특이적 인 증폭이 확인됨(그림 전-48).
- 표 전-5. ASPV에 대한 RPA 프라이머 서열

프라이머	염기서열 5'-3'	증폭 크기(bp)
ASPV3 Fwd	CTGAAGAATATCAGATACGAGCCCCAAGCA	100
ASPV1 Rev	TGTCAGATGCTCCAACATCAGCACAGTGCC	163
ASPV1 Fwd	CACAGGCGGTATGAGAAGCGACTTGATTC	107
ASPV3 Rev	AACATCAGCACAGTGCCTTGCTAAGTAAAC	187
	Apple sample ASPV primer (1F+3R) 187 bp	
150 bp (IF+1R)	163 bp (3F+1R) 187 bp (1F+3R) 200 bp (3F+3R) Apple Transcript NTC	
<그림 전-47> 프	프라이머 조합별 RT-RPA <그림 전-48> 187 bp 프라	이머 RT-RPA
[별첨 1]

▶ Filter paper를 통한 핵산 추출 방법

: "Nucleic acid purification from plants, animals and microbes in under 30 seconds" 논문의 protocol 대로 수행함.

* Extraction buffer: 800 mM guanidine hydrochloride, 50 mM Tris [pH 8], 0.5% Triton X100, 1% Tween-20

* wash buffer: 10 mM Tris [pH 8.0], 0.1% Tween-20

1. Whatman No.1 filter paper를 가로 세로 3mm로 잘라준다.

2. 액체질소로 갈아준 식물 조직 5-10 mg를 1.5 ml tube에 옮겨준다.

- 3. 50 ul의 extraction buffer를 식물 조직이 있는 1.5 ml tube에 분주한 후, plastic pestle
 로 30초 동안 갈아준다.
- 4. 추출 버퍼에 갈아준 식물 조직에 filter paper disc를 넣고 상온에서 1분간 반응한다.
- 5. 새로운 tube에 200 ul의 wash buffer를 분주한다. (2번 반복이므로 2개를 준비)
- 6. 1분이 지난 filter paper disc를 tip를 사용하여 200 ul의 wash buffe에 옮기고 1분간 반응
 한다. (2번 반복)
- 7. 2번의 wash 과정이 끝나면 filter paper disc를 현장 진단용 실험에 template 으로 사용하 면 된다.

			1_1	1 - 11		
		연도	1단계	2단계	게	가중치
성과지표명			(2021~2022)	(2023~2023)	21	(%)
	4 D	목표(단계별)	1	1	2	
	는군	실적(누적)	3	1	4	
	티키치이	목표(단계별)	3	2	5	10
	- 여울권	실적(누적)	4	4	8	
	새머지의	목표(단계별)	0	0	0	
저다기과 도로 기타 지고1	생명자권	실적(누적)	2	0	2	
신임기관 승숙·기숙 지표 '	하스바ㅠ	목표(단계별)	2	1	3	10
	학술발표	실적(누적)	5	1	6	
	트윈드로	목표(단계별)	0	1	1	20
	ㅋ이궁수	실적(누적)	0	0	0	
	매출액	목표(단계별)	0	100,000	100,000	10
		실적(누적)	0	0	0	
	기스시시	목표(단계별)	0	0	0	
	기물결지	실적(누적)	13	5	18	
	궤포히	목표(단계별)	0	2	2	20
연구개발과제 특성 반영 지표 ^{2」}	제품화	실적(누적)	13	5	18	
연구개발과제 특성 반영 지표 ^{2」}	コのおえ	목표(단계별)	3	2	5	30
	고용성물	실적(누적)	2	2	4	
		목표(단계별)				
		실적(누적)				
74						
계						

< 정량적 연구개발성과표(예시) >

(다위·거 처원)

* 1」전담기관 등록 • 기탁 지표: 논문[에스시아이 Expanded(SCIE), 비SCIE, 평균Impact Factor(IF)], 특허, 보고서원문, 연구시 설·장비, 기술요약정보, 저작권(소프트웨어, 서적 등), 생명자원(생명정보, 생물자원), 표준화(국내, 국제), 화합물, 신품종 등 을 말하며, 논문, 학술발표, 특허의 경우 목표 대비 실적은 기재하지 않아도 됩니다.

* 2」연구개발과제 특성 반영 지표: 기술실시(이전), 기술료, 사업화(투자실적, 제품화, 매출액, 수출액, 고용창출, 고용효과, 투자유 치), 비용 절감, 기술(제품)인증, 시제품 제작 및 인증, 신기술지정, 무역수지개선, 경제적 파급효과, 산업지원(기술지도), 교육 지도, 인력양성(전문 연구인력, 산업연구인력, 졸업자수, 취업, 연수프로그램 등), 법령 반영, 정책활용, 설계 기준 반영, 타 연 구개발사업에의 활용, 기술무역, 홍보(전시), 국제화 협력, 포상 및 수상, 기타 연구개발 활용 중 선택하여 기재합니다 (연구개발과제 특성별로 고유한 성과지표를 추가할 수 있습니다).

< 연구개발성과 성능지표(예시) >

평가	· 하목		전체 항목에서	세계 최고	ב	연구개발 전 국내 성능수준	연구개빌	· 목표치	목표설정
(주요:	(주요성능 ^{1」})		자시하는 비중 ^{2」} (%)	보유국/보유기관	성능수준	성능수준	1단계 N단계 (YYYY~YYY) (YYYY~YYY)		근거
1									
2									

* 1」 정밀도, 인장강도, 내충격성, 작동전압, 응답시간 등 기술적 성능판단기준이 되는 것을 의미합니다.

* 2」 비중은 각 구성성능 사양의 최종목표에 대한 상대적 중요도를 말하며 합계는 100%이어야 합니다.

(3) 세부 정량적 연구개발성과(해당되는 항목만 선택하여 작성하되, 증빙자료를 별도 첨부해야 합니다)

[과학적 성과]

□ 논문(국내외 전문 학술지) 게재

번호	논문명	학술지명	주저자명	호	국명	발행기관	SCIE 여부 (SCIE/비SCIE)	게재일	등록번호 (ISSN)	기여율
1	First report of cucumber mosaic virus infecting Clematis apiifolia in Korea	Journal of Plant Pathology	Dong-Kyo ung Nam	104	미국	Springer	sci	2022-07-04	1125-4653	100
2	Garden Lupin (Lupinus polyphyllus) is a New Natural Host of Lily Symptomle ss Virus in Korea	Plant Disease	Sung-Wo ong Kim	106	미국	APS publications	sci	2022-07-01	1254-3333	100
3	First report of plantago asiatica mosaic virus infecting scarlet geranium (Pelargoniu m inquinans) worldwide	Journal of Plant Pathology	이효정	104	미국	Springer	sci	2022-07-13	1125-4653	100
4	First report of Corydalis speciosa Maxim. being a natural host plant for cucumber mosaic virus in Korea	Journal of Plant Pathology	Ye-Yeong Kim	105	미국	Springer	sci	2023-08-02	1125-4653	100

□ 국내 및 국제 학술회의 발표

번호	회의 명칭	발표자	발표 일시	장소	국명
1	2021년 한국식물병리학회 추계 온라인 학술대회	이효정, 정래동	2021-11-10	비대면	대한민국
2	2021년 한국식물병리학회 추계 온라인 학술대회	박지수, 민경근, 홍진성	2021-11-10	비대면	대한민국
3	2022추계한국식물병리학회 학술발표대회	이효정, 김성웅, 김해준, 이형우, 홍진성, 정래동	2022-10-18	순천대학교	대한민국
4	2022추계한국식물병리학회 학술발표대회	김해준, 이효정, 이형우, 홍진성, 정래동	2022-10-18	순천대학교	대한민국
5	2022추계한국식물병리학회 학술발표대회	박태선, 민동주 박지수, 홍진성	2022-10-18	순천대학교	대한민국
6	2023춘계한국식물병리학회 학술발표대회	박태선, 박지수, 민동주, 홍진성	2023-04-27	경주 라한 셀렉트 호텔	대한민국

🗆 기술 요약 정보

연도	기술명	요약 내용	기술 완성도	등록 번호	활용 여부	미활용사유	연구개발기관 외 활용여부	허용방식

□ 보고서 원문

연도	보고서 구분	발간일	등록 번호

□ 생명자원(생물자원, 생명정보)/화합물

번호	생명자원(생물자원, 생명정보)/화합물 명	등록/기탁 번호	등록/기탁 기관	발생 연도	
	쥬키니황화모자이크바이러스(Zucchini				
1	yellow mosaic virus)-MC1 분리주	LC652434	NCBI	2021	
	외피단백질 염기서열				
2	Lily symptomless virus-IJ1 분리주	1 C652434	NCBI	2021	
2	외피단백질 염기서열	L0032434	NODI	2021	

[기술적 성과]

□ 지식재산권(특허, 실용신안, 의장, 디자인, 상표, 규격, 신품종, 프로그램)

	지식재산권 등 명칭			출	원			등록			홬용
번호	(건별 각각 기재)	국명	출원인	출원일	출원 번호	등록 번호	등록인	등록일	등록 번호	기여율	여부
1	오이모자이크바이러스 검출용 RPA exo 키트 및 그의 용도	대한민국	㈜엘씨엠 싸이언스	2021-11 -10	10-2021 -015393 6					100	0
2	고추모틀바이러스 검출용 RPA assay 키트 및 그의 용도	대한민국	㈜엘씨엠 싸이언스	2022-11 -07	10-2022 -014697 1					100	0
3	고추약한모틀바이러스 검출용 RPA assay 키트 및 그의 용도	대한민국	㈜엘씨엠 싸이언스	2022-11 -07	10-2022 -014694 5					100	0
4	토마토반점위조바이러 스 검출용 RPA exo probe 키트 및 그의 용도	대한민국	㈜엘씨엠 싸이언스	2021-11 -10	10-2021 -015400 2					100	0
5	나리 무병징 바이러스 검출용 RPA exo 키트 및 그의 용도	대한민국	㈜엘씨엠 싸이언스	2023-11 -09	10-2023 -015462 6					100	0
6	질경이모자이크바이러 스 검출용 RPA exo 키트 및 그의 용도	대한민국	㈜엘씨엠 싸이언스	2023-11 -09	10-2023 -054632					100	0
7	콩황반모자이크바이러 스 검출용 RPA exo 키트 및 그의 용도	대한민국	㈜엘씨엠 싸이언스	2023-11 -09	10-2023 -015461 6					100	0
8	감귤 트리스테자 바이러스 검출용 RPA exo 키트 및 그의 용도	대한민국	㈜엘씨엠 싸이언스	2023-11 -09	10-2023 -015462 1					100	0
									1		

ㅇ 지식재산권 활용 유형

※ 활용의 경우 현재 활용 유형에 √ 표시, 미활용의 경우 향후 활용 예정 유형에 √ 표시합니다(최대 3개 중복선택 가능).

번호	제품화	방어	전용실시	통상실시	무상실시	매매/양도	상호실시	담보대출	투자	기타

□ 저작권(소프트웨어, 서적 등)

번호	저작권명	창작일	저작자명	등록일	등록 번호	저작권자명	기여율

□ 신기술 지정

번호	명칭	출원일	고시일	보호 기간	지정 번호

□ 기술 및 제품 인증

비수	이즈 비아	이즈 기교	인증	내용	이즈 히드이	그기며
빈오	인승 군아	인동 기관	인증명	인증 번호	- 인증 획득일	국가명

🗌 표준화

ㅇ 국내표준

번호	인증구분 ^{1」}	인증여부 ^{2」}	표준명	표준인증기구명	제안주체	표준종류 ^{3」}	제안/인증일자

* 1」 한국산업규격(KS) 표준, 단체규격 등에서 해당하는 사항을 기재합니다.

* 2」 제안 또는 인증 중 해당하는 사항을 기재합니다.

* 3」신규 또는 개정 중 해당하는 사항을 기재합니다.

ㅇ 국제표준

번호	표준화단계구분1	표준명	표준기구명 ^{2」}	표준분과명	의장단 활동여부	표준특허 추진여부	표준개발 방식 ^{3」}	제안자	표준화 번호	제안일자

* 1」국제표준 단계 중 신규 작업항목 제안(NP), 국제표준초안(WD), 위원회안(CD), 국제표준안(DIS), 최종국제표준안(FDIS), 국 제표준(IS) 중 해당하는 사항을 기재합니다.

* 2」국제표준화기구(ISO), 국제전기기술위원회(IEC), 공동기술위원회1(JTC1) 중 해당하는 사항을 기재합니다.

* 3」국제표준(IS), 기술시방서(TS), 기술보고서(TR), 공개활용규격(PAS), 기타 중 해당하는 사항을 기재합니다.

[경제적 성과]

□ 시제품 제작

번호	시제품명	출시/제작일	제작 업체명	설치 장소	이용 분야	사업화 소요 기간	인증기관 (해당 시)	인증일 (해당 시)

□ 기술 실시(이전)

번호	기술 이전 유형	기술 실시 계약명	기술 실시 대상 기관	기술 실시 발생일	기술료 (해당 연도 발생액)	누적 징수 현황
1	직접실시	Broad Bean Wilt Virus 2(BBWV2) ER-Detection Kit제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2022-12-01	0	0
2	직접실시	Turnip Yellow Mosaic Virus (TYMV) ER-Detection Kit제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2022-12-01	0	0
3	직접실시	Turnip Mosaic Virus (TuMV) ER-Detection Kit제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2022-12-01	0	0
4	직접실시	Tomato Spotted Wilt Virus (TSWV) ER-Detection Kit제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2022-12-01	0	0
5	직접실시	Soybean Yellow Mottle Mosaic Virus (SYMMV) ER-Detection Kit제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2022-12-01	0	0
6	직접실시	Soybean Yellow Common Mosaic Virus (SYCMV) ER-Detection Kit제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2022-12-01	0	0
7	직접실시	Soybean Mosaic Virus (SMV) ER-Detection Kit제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2022-12-01	0	0
8	직접실시	Ribgrass Mosaic Virus (RMV) ER-Detection Kit제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2022-12-01	0	0
9	직접실시	Pepper Mild Mottle Virus (PMMoV) ER-Detection Kit제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2022-12-01	0	0
10	직접실시	Peach latent mosaic viroid (PLMVd) ER-Detection Kit제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2022-12-01	0	0
11	직접실시	Pepper Mottle Virus (PepMoV) ER-Detection Kit제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2022-12-01	0	0
12	직접실시	Cucumber Mosaic Virus (CMV) ER-Detection Kit제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2022-12-01	0	0
13	직접실시	Bean Common Mosaic Virus (BCMV) ER-Detection Kit제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2022-12-01	0	0
14	직접실시	Lily Symptomless Virus (LSV) ER-Detection Kit 제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2023-07-10	0	0
15	직접실시	Plantago asiatica mosaic virus (PIAMV) ER-Detection Kit 제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2023-07-10	0	0

16	직접실시	Citrus tristeza virus(CTV) ER-Detection Kit 제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2023-07-10	0	0			
17	직접실시	Bean Yellow Mosaic Virus (BYMV) ER-Detection Kit 제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2023-07-10	0	0			
18	직접실시	Lily Mottle Virus (LMoV) ER-Detection Kit제조법	㈜엘씨엠싸이언스	2023-07-10	0	0			
*	* 내부 자금, 신용 대출, 담보 대출, 투자 유치, 기타 등								

□ 사업화 투자실적

번호	추가 연구개발 투자	설비 투자	기타 투자	합계	투자 자금 성격*

□ 사업화 현황

	시어히	시어하					매클	출액	ᆒᅕ	기술
번호	자입와 방식 ¹	사업와 형태 ^{2」}	지역 ^{3」}	사업화명	내용	업체명	국내 (천원)	국외 (달러)	배울 발생 연도	기물 수명
2	자기실시	신제품개발	국내	작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업	Broad Bean Wilt Virus 2 (BBWV2) ER-Detection Kit제조	㈜엘씨엠 싸이언스	_	_	_	20년
3	자기실시	신제품개발	국내	작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업	Bean Common Mosaic Virus (BCMV) ER-Detection Kit제조	㈜엘씨엠 싸이언스	_	_	-	20년
4	자기실시	신제품개발	국내	작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업	Cucumber Mosaic Virus (CMV) ER-Detection Kit제조	㈜엘씨엠 싸이언스	_	_	_	20년
5	자기실시	신제품개발	국내	작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업	Pepper Mottle Virus (PepMoV) ER-Detection Kit제조	㈜엘씨엠 싸이언스	_	_	-	20년
6	자기실시	신제품개발	국내	작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업	Peach latent mosaic viroid (PLMVd) ER-Detection Kit제조	㈜엘씨엠 싸이언스	_	_	_	20년
7	자기실시	신제품개발	국내	작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업	Pepper Mild Mottle Virus (PMMoV) ER-Detection Kit제조	㈜엘씨엠 싸이언스	_	_	_	20년
8	자기실시	신제품개발	국내	작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업	Ribgrass Mosaic Virus (RMV) ER-Detection Kit제조	㈜엘씨엠 싸이언스	_	_	_	20년
9	자기실시	신제품개발	국내	작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업	Soybean Mosaic Virus (SMV) ER-Detection Kit제조	㈜엘씨엠 싸이언스	_	_	-	20년
10	자기실시	신제품개발	국내	작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업	Soybean Yellow Common Mosaic Virus (SYCMV) ER-Detection Kit제조	㈜엘씨엠 싸이언스	_	_	_	20년
11	자기실시	신제품개발	국내	작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업	Soybean Yellow Mottle Mosaic Virus (SYMMV) ER-Detection Kit제조	㈜엘씨엠 싸이언스	_	-	-	20년
12	자기실시	신제품개발	국내	작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업	Tomato Spotted Wilt Virus (TSWV) ER-Detection Kit제조	㈜엘씨엠 싸이언스	_	_	_	20년
13	자기실시	신제품개발	국내	작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업	Turnip Mosaic Virus (TuMV)ER-Detect ion Kit제조	㈜엘씨엠 싸이언스	_	_	_	20년
14	자기실시	신제품개발	국내	작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업	Turnip Yellow Mosaic Virus (TYMV) ER-Detection Kit제조	㈜엘씨엠 싸이언스	_	_	_	20년

-										
15	자기실시	신제품개발	국내	작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업	Citrus Tristeza Virus (CTV) ER-Detection Kit제조	㈜엘씨엠 싸이언스	_	_	_	20년
16	자기실시	신제품개발	국내	작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업	Lily Symptomless Virus (LSV) ER-Detection Kit제조	㈜엘씨엠 싸이언스	-	-	-	20년
17	자기실시	신제품개발	국내	작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업	Lily Mottle Virus (LMoV) ER-Detection Kit제조	㈜엘씨엠 싸이언스	-	-	-	20년
18	자기실시	신제품개발	국내	작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발사업	Plantago Asiatica Mosaic Virus (PIAMV) ER-Detection Kit제조	㈜엘씨엠 싸이언스	_	_	_	20년

* 1」기술이전 또는 자기실시

* 2」 신제품 개발, 기존 제품 개선, 신공정 개발, 기존 공정 개선 등

* 3」국내 또는 국외

□ 매출 실적(누적)

시어히며	ᄟᄱᇬᄃ	매볼	출액	하게	산정 방법	
사타지원	30 UI	국내(천원)	국외(달러)	1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1		
합계						

□ 사업화 계획 및 무역 수지 개선 효과

성과					
	사업화 소	·요기간(년)			
	소요예	산(천원)			
	에사매츠	- 그 ㅁ (처의)	현재까지	3년 후	5년 후
	에장 매물	태포(신권)			
시어하 게회	시자	단위(%)	현재까지	3년 후	5년 후
시답의 계획	점유율	국내			
		국외			
	향후 관련기술, 제품을 응용한 타 모델, 제품 개발계획				
		-11/211-05	현재	3년 후	5년 후
부역 수지 개선 효과(천원)	수입내	제(내구)			
개한 표퍼(한편)		-출			

🗆 고용 창출

스버	시어하며	시어친어ᅰ	고용창출	인원(명)	하게	
군민	자급화공	사업와 업체	yyyy년	yyyy년	칩게	
1	RPA probe assay를 이용한 주요작물의 식물병에 대한 현장진단 시스템 개발	㈜엘씨엠싸이언스	2021	2023	3	
2	RPA probe assay를 이용한 주요작물의 식물병에 대한 현장진단 시스템 개발	강원대학교 산학협력단	2023	2023	1	
	합계				4	

🗆 고용 효과

	7	고용 효과(명)	
	개발 전	연구인력	1
고요 휴과		생산인력	1
고등 표퍼	개발 후	연구인력	2
		생산인력	2

□ 비용 절감(누적)

순번	사업화명	발생연도	산정 방법	비용 절감액(천원)
	•			

□ 경제적 파급 효과

(단위: 천원/년)

구분	사업화명	수입 대체	수출 증대	매출 증대	생산성 향상	고용 창출 (인력 양성 수)	기타
해당 연도							
기대 목표							

□ 산업 지원(기술지도)

순번	내용	기간	참석 대상	장소	인원

□ 기술 무역

 번호
 계약 연월
 계약 기술명
 계약 업체명
 계약업체
 귀 징수액
 해당 연도
 향후
 수출/

 비
 1
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20
 20</t

[사회적 성과]

□ 법령 반영

번호	구분 (법률/시행령)	활용 구분 (제정/개정)	명 칭	해당 조항	시행일	관리 부처	제정/개정 내용

□ 정책활용 내용

번호	구분 (제안/채택)	정책명	관련 기관 (담당 부서)	활용 연도	채택 내용

□ 설계 기준/설명서(시방서)/지침/안내서에 반영

번호	구 분 (설계 기준/설명서/지침/안내서)	활용 구분 (신규/개선)	설계 기준/설명서/ 지침/안내서 명칭	반영일	반영 내용

□ 전문 연구 인력 양성

버충	번호 분류 기	기준 연도	5.여드현황										
빈오				학우	l별		성	별			지역별		
			박사	석사	학사	기타	남	여	수도권	충청권	영남권	호남권	기타

□ 산업 기술 인력 양성

번호	프로그램명	프로그램 내용	교육 기관	교육 개최 횟수	총 교육 시간	총 교육 인원

□ 다른 국가연구개발사업에의 활용

번호	중앙행정기관명	사업명	사업명 연구개발과제명		연구개발비

□ 국제화 협력성과

번호	구분 (유치/파견)	기간	국가	학위	전공	내용

□ 홍보 실적

번호	홍보 유형	매체명	제목	홍보일

□ 포상 및 수상 실적

번호	종류	포상명	포상 내용	포상 대상	포상일	포상 기관

210mm×297mm[(백상지(80g/m²) 또는 중질지(80g/m²)

(22쪽 중 11쪽)

[인프라 성과]

□ 연구시설・장비

구축기관	연구시설/ 연구장비명	규격 (모델명)	개발여부 (○/×)	연구시설・장비 종합정보시스템* 등록여부	연구시설・장비 종합정보시스템* 등록번호	구축일자 (YY.MM.DD)	구축비용 (천원)	비고 (설치 장소)

* 「과학기술기본법 시행령」 제42조제4항제2호에 따른 연구시설・장비 종합정보시스템을 의미합니다.

[그 밖의 성과](해당 시 작성합니다)

(4) 계획하지 않은 성과 및 관련 분야 기여사항(해당 시 작성합니다)

2) 목표 달성 수준

추진목표	달 성 내 용	달성도(%)
○ RPA 적용을 위한 전처리 기술 ○ 개발	Whatman No.1 Filter paper를 이용하여 5분 만 에 식물 시료에서 핵산을 쉽게 얻을 수 있는 방법을 확립하였고, 이를 통해 얻는 Filter paper-핵산을 사용하여 일반적인 RT-PCR과 현장진단용 기술인 RT-RPA, RT-RPA-LFS에 적용함	○ 100
○ 주요작물의 주요 병원균별 (RPA probe DB 구축	 1년차에는 ASGV, ACLSV, BBWV2, CMV, PMMoV, PepMoV, TSWV 2년차에는 SMV, TuMV, TYMV, RMV, BCMV, SYCMV, SYMMV, ASPV, PLMVd 3년차에는 LMoV, LSV, PIAMV, GFkV, CTV, BYMV에 대한 진단을 위하여 RPA probe 데이 터 베이스를 구축함 	○ 100
 작물별 주요 바이러스 및 병충 해에 대한 진단 한계 검증 	22종의 바이러스에 대한 진단제 개발 연구를 통해서 18종에 대한 민감도와 특이도 등의 한 계를 검증하여 상업화에 성공하였음	○ 100
 주요작물(채소, 화훼류, 과실류 등 5건 이상)에 대한 현장진단 공정 설계 및 검증 	18종에 대한 진단제를 야외포장에서 간이핵산 추출버퍼로 핵산을 추출하여 40분안에 진단할 수 있음을 검증함	○ 100
 정성, 정량 분석법 PCR (Conventional RT-PCR, Real -time RT-PCR) 방식 및 immunostrip 방법 등과 진단 비 교 및 분석 	 T8 UV scanner를 이용한 RPA probe법이 가장 높은 민감도를 보였고, 그 다음으로 RPA PCRD 방식이 RPA probe방식에 버금가는 민감도를 보였으며, 프로브를 채택하지 않은 syber green I을 이용한 RPA진단법은 가장 낮은 민감도를 보였으나 가격적인 면에서는 최적으로 분석됨 	○ 100

4. 목표 미달 시 원인분석

1) 목표 미달 원인(사유) 자체분석 내용

 채소, 화훼류에 대한 RPA probe는 설계한 대로 잘 작동을 하였으나 과실류는 육종에 의한 유전자변이가 매우 심하여 RPA probe 형성이 안되었다. 하지만 비로이드들에 대해서는 변이가 적어 프로브가 잘 작동하여 진단제를 만들 수 있었음

2) 자체 보완활동

- 프로브를 이용한 진단이 불가능한 경우를 대비하여 PCR 프라이머와 syber greeen l을 이용 한 진단법을 개발하여 보완하였다. 이 또한 RPA 시약을 사용하여 개발한 진단법으로 프로브 만 제외하고 RPA반응을 시켜서 증폭된 유전자 산물을 syber green l으로 사후 처리하여 육 안 검사를 하는 방식이어서 15분안에 반응이 끝나고 결과 판독을 바로할 수 있는 장점이 있 었음
- 작물이 자라고 있는 경작 지역에서의 진단이 대단히 중요하다고 사료되어 현장 검사용으로 End point detection kit와 LFD kit를 개발하였습니다. 현장에서 작물바이러스의 유전자를 필터페이퍼법으로 추출하여 두가지 방법으로 검증하였습니다. 절차는 모두 같아서 22종 바 이러스 모두를 실시할 필요는 없었습니다. 현장에서 충분히 개발한 진단기법이 적용됨을 확 인하였습니다.
- ㈜엘씨엠싸이언스에서는 코로나진단제를 개발하여 FDA 승인을 신청하고, 해외 시장을 개척 하는 과정에서 많은 네트워크를 만들어 놓았습니다. 해외바이어가 무엇을 원하는 지 저희는 너무나도 잘 알고 있습니다. 어떻게 하면 해당 국가에서 우리의 진단제를 사용할 수 있을 지 도 잘 알고 있습니다. 해외 영업은 어느 정도 엘씨엠싸이언스의 노하우가 녹아있는 부분이 라서 전부를 공개하기는 어려우나 딱한가지 바이어들이 원하는 것은 최고의 진단제입니다. 그래서 3년간은 최고의 진단제를 만들기 위한 경주를 다했으며, 앞으로 5년간은 매출을 위 한 해외 진출을 모색할 것입니다.
- ㈜엘씨엠싸이언스에서는 자 회사로 모다자산운용사가 있습니다. 이 자산운용사를 통한 투자
 를 유치하여 나주에 작물바이러스 진단제 제조공장 허브를 착공할 예정입니다. 올 하반기부
 터 공장을 가동할 예정으로 그동안에는 매스컴이나 인터넷을 통한 제품 홍보를 대대적으로
 할 예정입니다.
- 본 연구에서 개발된 18종의 실시간 진단제는 정밀진단이 필요한 국가연구기관, 검역기관이 나 대학연구 기관을 대상으로 홍보를 중점적으로 수행할 계획이며, 아직 상품화는 되지 않 있지만 RPA-LFD kit는 현장 사용의 편리성을 고려하여 농촌진흥청 산하 농촌지도소 등에 보 급하여 현장에서 농민이 직접 혹은 현장 지도요원이 직접 사용할 수 있다는 점을 부각시켜 홍보와 판매를 진행할 계획입니다.

3) 연구개발 과정의 성실성

- 주관연구개발기관인 ㈜ 엘씨엠싸이언스에서는 현장 진단용 휴대용 T8 UV scanner에서 작동 할 수 있는 RPA probe를 이용한 작물바이러스 진단제 18종을 연구개발에 성실히 임하였 으며, 이를 통하여 18종의 진단제에 대한 기술실시와 제품화를 이루어내어 사업을 하고 있음
- 공동연구개발기관인 강원대학교 산학협력단에서는 RPA probe를 이용하여 현장에서 사용할
 수 있는 간이분자진단기기의 일종인 PCR detector (PCRD)에서 작물바이러스 감염여부
 를 손쉽게 육안으로 판정하는 진단법을 성실히 개발하였음
- 위탁연구개발기관인 전남대학교 산학협력단에서는 비싼 RPA probe와 PCRD를 대체하여 가 장 저렴하게 농가에 기술전파할 수 있는 syber green I을 이용한 육안 검출법을 완성하였 음

5. 연구개발성과의 관련 분야에 대한 기여 정도

- 신규 도입 작물의 외래유입 바이러스의 무병화 및 안정적 생산
- 외래 바이러스의 국내 정착 방지
- 농업인의 안정적 고품질 농산물 생산에 기여
- 바이러스 무병 종자생산 기반 조성으로 종자산업의 세계화에 기여
- 국가 관리 농생명자원의 안전성 확보 및 외래유입 바이러스의 선제적 차단
- 정밀생육 기술 적용 품목 확대로 스마트팜 확산 기반 구축에 기여
- 바이러스병 농업현장용 진단키트 공급 확대 및 기술상용화 촉진
- 난방제 바이러스병의 조기 예방 및 고품질 농산물 생산에 기여

6. 연구개발성과의 관리 및 활용 계획

○ 활용 방안

- 과학적·합리적 식물바이러스 진단체계 확립
- 고위험 식물 바이러스 관리 기술 고도화를 통한 국내 농업 피해 최소화에 활용
- 지역별 작물별 고위험 식물 바이러스 발생에 대한 이력 및 관리 체계 구축에 활용
- 농업인에게 바이러스 무병 종자 공급을 위해 종자전염 바이러스 발생실태를 구명하고, 유통종
 자, 채종지 및 육묘장 관리체계 구축에 활용가능
- 고위험 외래바이러스의 유입차단 및 바이러스 무병 농업유전자원의 확보를 위하여 국가 농업생명자원
 의 바이러스 감염실태 조사 및 관리체계 구축에 활용
- 고위험 식물바이러스에 대한 국내 유입 및 확산 조기 차단에 활용
- 기 유입 바이러스의 유입 경로 추적을 통한 신규 유입에 대한 사전 차단 가능성 증대

○ 활용 계획

- 연구책임자는 지난해부터 필리핀 정부의 요청으로 바나나 질병인 파나마병 진단제 개발하고 있었으며, 이외에도 CMV, TSWV, TuMV, TYMV, BCMV 등 작물바이러스와 함께 아프리카돼지열병, 에 이즈 진단제, 조류독감 진단제를 필리핀 클락에 부지를 제공하는 조건으로 우리 연구팀에게 현지 생산을 요청한 상태입니다. 필리핀 FDA와 농림부와 두차례 화상회의 하였고, 현지생산을 위한 투 자금 조성을 진행중에 있습니다. 또한 본 연구책임자는 네팔 보건부에 국가방역자문위원으로 위 촉받아 올해 하반기부터 현지에서 활동을 할 예정입니다. 네팔은 관광국가이기도 하지만 농업을 장려하는 국가이기도 합니다. 저의 네팔에서의 위치를 십분 활용하여 이번 연구에서 연구개발한 작물바이러스 진단제들을 수출할 예정입니다. 네팔은 가난한 나라임으로 우리나라의 EGCF 펀드 를 이용하여 기부형태의 무역으로 네팔에 제공할 계획입니다.

구분(정량 및 정성적 성과 항목)			연구개발 종료 후 5년 이내					
			2024	2025	2026	2027	2028	
그이누모	SCIE							
녹피순군	нI;							
	S							
국내는군	нI;							
트 하 초 이	Ē							
득어울권	Ē							
			2	2	2	2		
특허증폭	Ē							
	Ō							
인력양성	스							
	Ĕ							
	시제·							
	상품							
	기술							
사업화	공전							
	매출액(단		200,000	200,000	200,000	200,000		
	기술료(단		20,000	20,000	20,000	20,000		
비임	상시험 실시							
	의약품	1상						
임상시험 실시		2상						
(IND 승인)		3상						
	의료							
진료지침개발								
신의료기술개발								
성과홍보								
포상 및 수상실적								
정성적 성과 주요 내용								

< 연구개발성과 활용계획표(예시) >

* 참고 문헌 *

■ LAMP 관련

- Chen HT, Zhang J, Liu YS, Liu XT. 2011. Detection of foot-and-mouth disease virus RNA by reverse transcription loop-mediated isothermal amplification. Virol J 8: 510. doi: 10.1186/1743-422X-8-510.
- Chen HT, Zhang J, Liu YS, Liu XT. 2011. Rapid typing of foot-and-mouth disease serotype Asia 1 by reverse transcription loop-mediated isothermal amplification. Virol J. 8: 489. doi: 10.1186/1743-422X-8-489.
- Cho AR, Dong HJ, Cho SB. 2013. Rapid and sensitive detection of Salmonella spp. by using a loop-mediated isothermal amplification assay in duck carcass sample. Korean J Food Sci An 33: 655-663.
- Cho HS and Park NY. 2005. Detection of canine distemper virus in blood samples by reverse transcription loop-mediated isothermal amplification. J Vet Med B 52: 410-413.
- Ding YZ, Zhou JH, Ma LN, Qi YN, Wei G, Zhang J, Zhang YG. 2014. A reverse transcription loop-mediated isothermal amplification assay to rapidly diagnose foot-and-mouth disease virus C. J Vet Sci 15: 423-426.
- Dong HJ, Cho AR, Hahn TW. Cho SB. 2014 Development of a multiplex loop-mediated isothermal amplification assay to detect shiga toxin-producing Escherichia coli in cattle. J Vet Sci 15: 317-325.
- Dukes JP, King DP, Alexandersen S. 2006. Novel reverse transcription loop-mediated isothermal amplification for rapid detection of foot-and-mouth disease virus. Arch Virol 151(6): 1093-1106.
- Farooq U, Latif A, Irshad H, Ullah A, Zahur AB, Naeem K, Khan SUH, Ahmed Z, Rodriguez L, and Smoliga G. 2015. Loop-mediated isothermal amplification (RT-LAMP): a new approach for the detection of foot-and-mouth disease virus and its sero-types in Pakistan. Iranian Journal of Veterinary Research, Shiraz University, IJVR, 16(4): 331-334.
- Fowler VL, Howson ELA, Madi M, Mioulet V, Caiusi C, Pauszek SJ, Rodriguez LL, King DP. 2016. Development of a reverse transcription loop-mediated isothermal amplification assay for the detection of vesicular stomatitis New Jersey virus: Use of rapid molecular assays to differentiate between vesicular disease viruses. J Virol Methods. 234: 123-131.
- Goto M, Honda E, Ogura A, Nomoto A, Hanaki K. 2009. Colorimetric detection of loop-mediated isothermal amplification reaction by using hydroxy naphthol blue. Biotechniques 46: 167-172.
- Hwang ES, Lee TU, Jung EY, Cho HS. 2011. Development of loop-mediated isothermal amplification method for the rapid and sensitive detection of bovine tuberculosis in Korea native cattle. Korean J Vet Serv 34: 333-339.
- Kim EM, Jeon HS, Kim JJ, Shin YK, Lee YJ, Yeo SG, Park CK. 2015. Evaluation of

reverse-transcription loop-mediated isothermal amplification assay for screening influenza A viruses from different animal species. J Anim Vet Adv 14(6): 155-160.

- Kim EM, Jeon HS, Kim JJ, Shin YK, Lee YJ, Yeo SG, Park CK. 2016. Uracil-DNA glycosylase-treated reverse transcription loop-mediated isothermal amplification for rapid detection of avian influenza virus preventing carry-over contamination. J Vet Sci 17(3): 421-425.
- Kim EM, Jeon HS, Kim JJ, Kim HJ, Shin YK, Song JY, Yeo SG, Park CK. 2015. Loop-mediated isothermal amplification assay for the rapid detection of swine influenza virus. Korean J Vet Serv 38: 107-116.
- Koh BRD, Kim JM, Sung CM, Ji TK, Na HM, Park SD, Kim YH, Kim ES. 2013. Loop-mediated isothermal amplification assay for differentiation of Mycobacterium bovis and M. tuberculosis. Korean J Vet Serv 36: 79-86.
- Kong HC, Kim EM, Jeon HS, Kim JJ, Kim HJ, Park YR, Kang DY, Kim YH, Park JC, Lee C, Yeo SG, Park CK. 2015. Visual detection of porcine circovirus 2 by loop-mediated isothermal amplification (LAMP) with hydroxynaphthol blue dye. Korean J Vet Serv 38(3): 145-153.
- Madhanmohan M, Nagendrakumar SB, Manikumar K, Yuvaraj S, Parida S, Srinivasan VA. 2013. Development and evaluation of a real-time reverse transcription-loop-mediated isothermal amplification assay for rapid serotyping of foot-and-mouth disease virus. J Virol Methods. 187: 195-202.
- Mori Y; Notomi T. 2009. Loop-mediated isothermal amplifi cation (LAMP): a rapid, accurate, and cost-effective diagnostic method for infectious diseases. J Infect Chemother 15: 62-69.
- Notomi T, Okayama H, Masubuchi H, Yonekawa T, Watanabe K, Amino and N, Hase T. 2000. Loop-mediated isothermal amplification of DNA. Nucleic Acids Res 28: 63-69.
- Park JY, Park SJ, Park YR, Kang DY, Kim EM, Jeon HS, Kim JJ, Kim WI, Lee KT, Kim SH, Lee KK, Park CK. 2016. Reverse-transcription loop-mediated isothermal amplification (RT-LAMP) assay for the visual detection of European and North American porcine reproductive and respiratory syndrome viruses. J Virol Methods 237: 10-13.
- Park BY, Shim KS, Kim WI, Hossain Md M, Kwon JK, Park CK, Cho SJ, Jo IH, Cho HS. 2015. Rapid and sensitive detection of Lawsonia intracellularis in pigs by loop-mediated isothermal amplification. Acta Vet Beo 65: 20-29.
- Shao, J.J., Chang, H.Y., Zhou, G.Q., Cong, G.Z., Du, J.Z., Lin, T., Gao, S.D., He, J.J., Liu, X.T., Liu, J.X., Gao, J.L., 2010. Rapid detection of foot-and-mouth disease virus by reverse transcription loop-mediated isothermal amplification (RT-LAMP). Int J Appl Res Vet Med 8: 133-142.
- Waters RA, Fowler VL, Armson B, Nelson N, Gloster J, Paton DJ, King DP. 2014. Preliminary Validation of Direct Detection of Foot-And-Mouth Disease Virus within Clinical Samples Using Reverse Transcription Loop-Mediated Isothermal Amplification Coupled with a

Simple Lateral Flow Device for Detection. PLOS ONE 9(8), e105630

- Yamazaki W, Mioulet V, Murray L, Madi M, Haga T, Misawa N, Horii Y, King DP. 2013. Development and evaluation of multiplex RT-LAMP assays for rapid and sensitive detection of foot-and-mouth disease virus. J Virol Methods 192: 18-24.
- Yoo MS, Noh JH, Yoon BS, Reddy KE, Kweon CH, Jung SC, Kang SW. 2012. Reverse transcription loop-mediated isothermal amplification for sensitive and rapid detection of Korean sacbrood virus. J Virol Methods 186: 147-151.
- Zhang XZ, Lowe SB, Gooding JJ. 2014. Brief review of monitoring methods for loop-mediated isothermal amplification (LAMP). Biosensors and Bioelectronics 61: 491-499.

RPA 관련

- Abd El Wahed A, et al., Recombinase polymerase amplification assay for rapid diagnostics of Dengue infection. PLoS One 2015, 10:6.
- Abd El Wahed A, et al., Reverse transcription recombinase polymerase amplification assay for the detection of middle East respiratory syndrome coronavirus. PLoS Curr. 2013, 12:5.
- Abd El, et al. A portable reverse transcription recombinase polymerase amplification assay for rapid detection of foot-and-mouth disease virus. PLoS One, 2013, 8:e71642
- Choi et al., A centrifugal direct recombinase polymerase amplification (direct-RPA) microdevice for multiplex and real-time identification of food poisoning bacteria. Lab chip, 2016, 16:2309-2316.
- Escadafal C, et al., Rapid molecular assays for the detection of yellow fever virus in low-resource settings. PLoS Negl. Trop. Dis. 2014, 8(3).
- Fay O, et al., Development and deployment of a rapid recombinase polymerase amplification Ebola virus detection assay in Guinea in 2015. Euro Surveill. 2015, 20(40). doi: 10.2807/1560-7917.ES.2015.20.44.30053.
- Kersting S, et al., Rapid detection of *Plasmodium falciparum* with isothermal recombinase polymerase amplification and lateral flow analysis. 2014, 13:99.
- Kim JY and Lee JL. Rapid Detection of *Salmonella Enterica* Serovar Enteritidis from Eggs and Chicken Meat by Real-Time Recombinase Polymerase Amplification in Comparison with the Two-Step Real-Time PCR. Food Safety 2016, DOI:10.1111/jfs.12261.
- Kim JY and Lee JL. Development of a multiplex real-time recombinase polymerase amplification (RPA) assay for rapid quantitative detection of Campylobacter coli and jejuni from eggs and chicken products. Food control, 2017, 73: 1247-1255.
- Lillis L, et al., Cross-subtype detection of HIV-1 using reverse transcription and RPA. J. Virol. Methods 2016, 230:28-35.
- Lim SJ, et al., Rapid Detection of Black Queen Cell Virus from Honeybee using Reverse Transcription Real-Time Recombinase Polymerase Amplification (RT/RT RPA). J. Apicul. 2016, 31: 41-50.

- Mayboroda O, et al., Isothermal solid-phase amplification system for detection of *Yersinia pestis*. Anal. Bioanal. Chem. 2016, 408:671-6.
- Min SH, et al., Development of Quantitative Real-time Recombinase Polymerase Amplification (qRT-RPA) Method for Quantitative Detection against Pathogenic Virus in Honeybee. J. Apicul. 2016, 31:147-156.
- Ren H, et al., Development of a rapid RPA assay for detection of Brucella in blood samples. Mole. Cell. Probes 2016 DOI:10.1016/j.mcp.2016.02.007.
- Wang J, et al., Rapid and sensitive detection of canine parvovirus type 2 by recombinase polymerase amplification. Arch Virol. 2016, Jan 5 (Epub ahead of print).

주 의

- 이 보고서는 농림축산식품부에서 시행한 작물바이러스 및 병해충대응 산업화 기술개발 사업
 의 연구보고서입니다.
- 이 보고서 내용을 발표하는 때에는 반드시 농림축산식품부에서 시행한 작물바이러스 및 병해충 대응 산업화 기술개발 사업의 연구결과임을 밝혀야 합니다.
- 3. 국가과학기술 기밀 유지에 필요한 내용은 대외적으로 발표 또는 공개하여서는 안 됩니다.